



DIPARTIMENTO DI MEDICINA MOLECOLARE
CURRICULUM DIDATTICO-SCIENTIFICO
DR. DOMENICO RAIMONDO

DATI PERSONALI

Nome e Cognome: Domenico Raimondo

Stato Civile: Coniugato

Dipartimento: Medicina Molecolare

Indirizzo: Viale Regina Elena 324, 00161- Roma

Telefono lab./mobile: (+39) 06 4441049

E-mail: domenico.raimondo@uniroma1.it
domenico.raimondo@gmail.com

Settore Scientifico-Disciplinare: MED/46 - Scienze tecniche di medicina di laboratorio

Orario di Ricevimento: lunedì 11.00-13.00

ATTUALE POSIZIONE

➤ Ricercatore a tempo determinato L.240/10 tipo B

CARRIERA E TITOLI

- Dal 1-02-2004 al 30-11-2004. **Assegnista di ricerca.**
- Dal 01-12-2004 al 30-11-2006. **Borsista post-doc.**
- Dal 1-12-2006 al 30/11/2008. **Borsista post-doc.**
- Dal 01-12-2009 al 30-11-2012. **Ricercatore a t.d. tipo A** (art.1 comma 14 L. 230/05).
- Dal 01-01-2013 al 31-12-2015. **Ricercatore a t.d. tipo A** (art. 24 c.3-a L. 240/10)
- Dal 01-01-2015 al 30-06-2016. **Assegnista di ricerca.**
- Dal 01-07-2016 ad oggi. **Ricercatore a t.d. tipo B** - t.pieno L.240/10.

TITOLI

- **2/12/2015.** Conseguimento Master di II livello in "Genetica Forense", Università di Roma "Tor Vergata".
- **27/10/2003.** Conseguimento Master di II livello in "Bioinformatica: Applicazioni Biomediche e Farmaceutiche", Sapienza Università di Roma.



- **18/12/2002.** Conseguimento del titolo di Dottore di Ricerca in "Processi Biologici e Biomolecole, XV ciclo" della Seconda Università degli Studi di Napoli. Titolo della tesi: "Nuovi approcci biotecnologici per lo sviluppo di farmaci contro l'Epatite B".
- **25/10/1999.** Conseguimento della Laurea Magistrale in Scienze Biologiche presso la Seconda Università degli Studi di Napoli, 110/110 e lode. Titolo della tesi: "Proteolisi limitata del recettore del virus dell'Epatite B: identificazione di un complesso a tre frammenti"

ATTIVITA' DIDATTICA

- **Dal 19-09-2005 al 23-09-2005.** Docente di modellizzazione della struttura 3D delle proteine alla "3th Permanent European School in Bioinformatics" tenuta a Madrid. Iniziativa del "BioSapiens Network of Excellence".
- **Dal 01-11-2006 al 31-12-2006.** Docente per il Modulo professionalizzante "Biotech manager" del Corso di Laurea in Economia Ambientale e in Scienze della Comunicazione presso l'Università degli Studi di Siena.
- **Dal 01-11-2006 al 30-10-2010.** Titolare del corso di Bioinformatica II nel Master di II livello in "Bioinformatica: Applicazioni Biochimiche e Farmaceutiche", Dip. di Scienze Biochimiche "A. Rossi Fanelli", Sapienza Università di Roma.
- **Dal 27-10-2008 al 31-10-2008.** Docente nel corso "Structural Biology" nell'ambito del programma di dottorato del "Gulbenkian Institute of Science", Oeiras, Portogallo.
- **Dal 01-11-2008 a oggi.** Membro della commissione di esame di profitto per l'insegnamento di "Bioinformatica ed Ingegneria Proteica" per il Corso di Laurea Magistrale in Biotecnologie - Sapienza Università di Roma.
- **Dal 26-10-2009 al 30-10-2009.** Docente nel corso "Structural Biology" nell'ambito del programma di dottorato per fisici del "Gulbenkian Institute of Science", Oeiras, Portogallo.
- **Dal 01-11-2010 a oggi.** Membro alla commissione di esame di profitto per l'insegnamento di "Biofisica Computazionale" per il corso di laurea magistrale in Fisica - Sapienza Università di Roma.
- **Dal 01-11-2012 al 30-10-2014.** Titolare del corso di Biochimica della laurea Magistrale in Fisica, indirizzo Biosistemi, Sapienza Università di Roma.
- **Dal 01-11-2016 a oggi.** Docente del modulo di Informatica nell'esame di RIABILITAZIONE BASATA SULLE PROVE DI EFFICACIA per il corso di studi in Ortottica ed assistenza oftalmologica, dip. ORGANI DI SENSO, Sapienza Università di Roma.
- **Dal 01-11-2016 a oggi.** Docente del modulo di Informatica nell'esame di RIABILITAZIONE BASATA SULLE PROVE DI EFFICACIA per il corso di studi in Infermieristica, dip. SANITÀ PUBBLICA E MALATTIE INFETTIVE, Sapienza Università di Roma
- **Dal 01-11-2016 a oggi.** Docente del modulo di Informatica nell'esame di RIABILITAZIONE BASATA SULLE PROVE DI EFFICACIA per il corso di studi in Terapia occupazionale, dip. NEUROLOGIA E PSICHIATRIA, Sapienza Università di Roma.

ATTIVITA' SCIENTIFICA

- Dal 1-02-2004 al 30-11-2004. Partecipazione alle attività del gruppo di ricerca di chimica computazionale presso l'Istituto di chimica biomolecolare (CNR) (responsabile del gruppo dott. Pietro Amodeo) per lo svolgimento di attività di ricerca nell'ambito del seguente



progetto: "La leucina amminopeptidasi nel controllo dell'azione pro-ossidante della cisteinilglicina".

- Dal 01-12-2004 al 30-11-2006. Partecipazione all'attività di ricerca del Biocomputing Group (responsabile del gruppo Prof.ssa Anna Tramontano) nell'ambito del progetto finanziato dalla Comunità Europea "European Network for Integrated Genome Annotation - Biosapiens". Attività espletata presso il Dipartimento di Scienze Biochimiche, Sapienza Università di Roma.
- Dal 1-12-2006 al 30/11/2008. Partecipazione all'attività di ricerca del Biocomputing Group (responsabile della ricerca Prof.ssa Anna Tramontano). Titolo della ricerca: "Annotazione funzionale di proteine codificate dal genoma umano sulla base della predizione della loro struttura tridimensionale". Attività espletata presso il Dipartimento di Scienze Biochimiche, Sapienza Università di Roma.
- Dal 01-12-2009 al 30-11-2012. Partecipazione all'attività di ricerca del Biocomputing Group (responsabile del gruppo Prof.ssa Anna Tramontano) nell'ambito del progetto "Rational approach to the specific inhibition of Plasmodium falciparum and Schistosoma mansoni". Attività espletata presso il Dipartimento di Scienze Biochimiche, della Sapienza Università di Roma.
- Dal 01-01-2013 al 31-12-2015. Partecipazione all'attività di ricerca del Biocomputing Group (responsabile del gruppo Prof.ssa Anna Tramontano) presso il Dipartimento di Fisica della Sapienza Università di Roma nell'ambito del progetto finanziato dalla King Abdullah University of Science and Technology (KAUST). Titolo del progetto: "Computational analysis of the Human Genome".
- Dal 01-01-2015 al 30-06-2016. Partecipazione alle attività per l'esecuzione del programma di ricerca "Wet and dry modeling of stem cell kinetics" presso il Dipartimento di Medicina Molecolare della Sapienza Università di Roma (Responsabili scientifici prof. Paolo Bianco - prof.ssa Mara Riminucci).
- Dal 01-07-2016 ad oggi. Attività di ricerca nell'ambito dello studio delle cellule staminali scheletriche nella fisiologia e nella patologia umana, mediante modelli in vivo, in vitro, in silico presso il Dipartimento di Medicina Molecolare della Sapienza Università di Roma.

PUBBLICAZIONI SCIENTIFICHE

A. Peer reviewed publications of Domenico Raimondo: selezionate (ultimi 15 anni)

Indici Bibliometrici, Marzo 2017 - Scopus H-index: 12 - Numero citazioni totali: 516

	Impact Factor
1 Leopizzi, M., Cocchiola, R., Milanetti, E., Raimondo, D. , Politi, L., Giordano, C., Scandurra, R., Scotto d'Abusco, A. IKK α inhibition by a glucosamine derivative enhances Masp1 expression in osteosarcoma cell line (2017) Chemico-Biological Interactions, 262, pp. 19-28.	2.618
2 Cicconi A, Micheli E, Verni F, Jackson A, Gradilla AC, Cipressa F, Raimondo D , Bosso G, Wakefield JG, Ciapponi L, Cenci G, Gatti M, Cacchione S, Raffa GD. The Drosophila telomere-capping protein Verrocchio binds single-stranded DNA and protects telomeres from DNA damage response.	



- Nucleic Acids Res. 2016 Dec 9. pii: gkw1244. 9.202
- 3 Gaucci, E., **Raimondo, D***, Grillo, C., Cervoni, L., Altieri, F., Nittari, G., Eufemi, M., Chichiarelli, S.
Analysis of the interaction of calcitriol with the disulfide isomerase ERp57
(2016) Scientific Reports, 6, art. no. 37957. - *corresponding author 5.228
 - 4 Burla, R., Carcuro, M., La Torre, M., Fratini, F., Crescenzi, M., D'Apice, M.R., Spitalieri, P., Raffa, G.D.,
Astrologo, L., Lattanzi, G., Cundari, E., **Raimondo, D.**, Biroccio, A., Gatti, M., Saggio, I.
The telomeric protein AKTIP interacts with A- and B-type lamins and is involved in regulation of cellular
senescence
(2016) Open Biology, 6 (8), art. no. 160103 4.822
 - 5 Milanetti, E., **Raimondo, D.**, Tramontano, A.
Prediction of the permeability of neutral drugs inferred from their solvation properties.
(2016) Bioinformatics, 32 (8), pp. 1-7. Cited 1 time. 5.766
 - 6 Bonome, E.L., Lepore, R., **Raimondo, D.**, Cecconi, F., Tramontano, A., Chinappi, M.
Multistep current signal in protein translocation through graphene nanopores
(2015) Journal of Physical Chemistry B, 119 (18), pp. 5815-5823. Cited 11 times. 3.302
 - 7 Cenci, G., Ciapponi, L., Marzullo, M., Raffa, G.D., Morciano, P., **Raimondo, D.**, Burla, R., Saggio, I., Gatti,
M.
The Analysis of Pendolino (peo) Mutants Reveals Differences in the Fusigenic Potential among Drosophila
Telomeres
(2015) PLoS Genetics, 11 (6), art. no. e1005260, 31 p. Cited 6 times. 7.528
 - 8 Burla, R., Carcuro, M., Raffa, G.D., Galati, A., **Raimondo, D.**, Rizzo, A., La Torre, M., Micheli, E., Ciapponi,
L., Cenci, G., Cundari, E., Musio, A., Biroccio, A., Cacchione, S., Gatti, M., Saggio, I.
AKTIP/Ft1, a New Shelterin-Interacting Factor Required for Telomere Maintenance
(2015) PLoS Genetics, 11 (6), art. no. e1005167, 24 p. Cited 6 times. 7.528
 - 9 Bonella, S., **Raimondo, D.**, Milanetti, E., Tramontano, A., Ciccotti, G.
Mapping the hydrophathy of amino acids based on their local solvation structure
(2014) Journal of Physical Chemistry B, 118 (24), pp. 6604-6613. Cited 2 times. 3.302
 - 10 Tornatore, L., **Raimondo, D.**, Sandomenico, A., Low, C., Rocci, A., Tralau-Stewart, C., Capece, D.,
D'Andrea, D., Bua, M., Boyle, E., vanDuin, M., Zoppoli, P., Jaxa-Chamiec, A., Thotakura, A.K., Dyson, J.,
Walker, B.A., Leonardi, A., Chambery, A., Driessen, C., Sonneveld, P., Morgan, G., Palumbo, A.,
Tramontano, A., Rahemtulla, A., Ruvo, M., Franzoso, G.
Cancer-Selective Targeting of the NF- κ B Survival Pathway with GADD45 β /MKK7 Inhibitors
(2014) Cancer Cell, 26 (4), pp. 495-508. Cited 17 times. 23.523
 - 11 Doti, N., Raimondo, D., Sabatella, M., Ruvo, M.
Identification of protease inhibitors by a fast fluorimetric assay
(2013) Molecular Biotechnology, 54 (2), pp. 283-291. Cited 1 time. 2.275
 - 12 Magnacca, A., Persiconi, I., Nurzia, E., Caristi, S., Meloni, F., Barnaba, V., Paladini, F., **Raimondo, D.**,
Fiorillo, M.T., Sorrentino, R.
Characterization of a proteasome and TAP-independent presentation of intracellular epitopes by HLA-B27
molecules
(2012) Journal of Biological Chemistry, 287 (36), pp. 30358-30367. Cited 6 times. 4.651
 - 13 **Raimondo, D.**, Romano, V., Calvanese, L., D'Auria, G., Tramontano, A., Falcigno, L.
Toward a better understanding of the interaction between TGF- β family members and their ALK receptors
(2012) Journal of Molecular Modeling, 18 (8), pp. 3617-3625. Cited 5 times. 1.984
 - 14 Lepore, R., Simeoni, S., **Raimondo, D.**, Caroli, A., Tramontano, A., Via, A.
Identification of the Schistosoma mansoni molecular target for the antimalarial drug artemether
(2011) Journal of Chemical Information and Modeling, 51 (11), pp. 3005-3016. Cited 12 times. 4.675
 - 15 Floris, M., Raimondo, D., Leoni, G., Orsini, M., Marcatili, P., Tramontano, A.
MAISTAS: A tool for automatic structural evaluation of alternative splicing products



- (2011) *Bioinformatics*, 27 (12), art. no. btr198, pp. 1625-1629. Cited 10 times. 5.468
- 16 Mancini, E., Tammaro, F., Baldini, F., Via, A., **Raimondo, D.**, George, P., Audisio, P., Sharakhov, I.V., Tramontano, A., Catteruccia, F., Torre, A.D.
 Molecular evolution of a gene cluster of serine proteases expressed in the *Anopheles gambiae* female reproductive tract
 (2011) *BMC Evolutionary Biology*, 11 (1), art. no. 72. . Cited 12 times. 3.521
- 17 Leoni, G., Le Pera, L., Ferrè, F., **Raimondo, D.**, Tramontano, A.
 Coding potential of the products of alternative splicing in human
 (2011) *Genome Biology*, 12 (1), art. no. R9. . Cited 13 times. 9.036
- 18 Raffa, G.D., **Raimondo, D.**, Sorino, C., Cugusi, S., Cenci, G., Cacchione, S., Gatti, M., Ciapponi, L.
 Verrocchio, a *Drosophila* OB fold-containing protein, is a component of the terminin telomere-capping complex
 (2010) *Genes and Development*, 24 (15), pp. 1596-1601. Cited 35 times. 12.889
- 19 Loewenstein, Y., **Raimondo, D.**, Redfern, O.C., Watson, J., Frishman, D., Linial, M., Orengo, C., Thornton, J., Tramontano, A.
 Protein function annotation by homology-based inference.
 (2009) *Genome biology*, 10 (2), p. 207. Cited 105 times. 9.036
- 20 Maullu, C., **Raimondo, D.**, Caboi, F., Giorgetti, A., Sergi, M., Valentini, M., Tonon, G., Tramontano, A.
 Site-directed enzymatic PEGylation of the human granulocyte colony-stimulating factor
 (2009) *FEBS Journal*, 276 (22), pp. 6741-6750. Cited 25 times. 3.042
- 21 **Raimondo, D.**, Giorgetti, A., Bernassola, F., Melino, G., Tramontano, A.
 Modelling and molecular dynamics of the interaction between the E3 ubiquitin ligase Itch and the E2 UbcH7
 (2008) *Biochemical Pharmacology*, 76 (11), pp. 1620-1627. Cited 10 times. 4.838
- 22 Cozzetto, D., Giorgetti, A., **Raimondo, D.**, Tramontano, A.
 The evaluation of protein structure prediction results
 (2008) *Molecular Biotechnology*, 39 (1), pp. 1-8. Cited 13 times. 1.669
- 23 Guariento, M., Raimondo, D., Assfalg, M., Zanzoni, S., Pesente, P., Ragona, L., Tramontano, A., Molinari, H.
 Identification and functional characterization of the bile acid transport proteins in non-mammalian ileum and mammalian liver
 (2008) *Proteins: Structure, Function and Genetics*, 70 (2), pp. 462-472. Cited 24 times. 3.419
- 24 Tramontano, A., Cozzetto, D., Giorgetti, A., **Raimondo, D.**
 The assessment of methods for protein structure prediction
 (2007) *Methods in Molecular Biology*, 413, pp. 43-57. Cited 9 times. 0.5
- 25 Potenza, N., Salvatore, V., **Raimondo, D.**, Falanga, D., Nobile, V., Peterson, D.L., Russo, A.
 Optimized expression from a synthetic gene of an untagged RNase H domain of human hepatitis B virus polymerase which is enzymatically active
 (2007) *Protein Expression and Purification*, 55 (1), pp. 93-99. Cited 12 times. 1.94
- 26 Tress, M.L., Martelli, P.L., Frankish, A., Reeves, G.A., Wesselink, J.J., Yeats, C., Ólason, P.Í., Albrecht, M., Hegyi, H., Giorgetti, A., **Raimondo, D.**, Lagarde, J., Laskowski, R.A., López, G., Sadowski, M.I., Watson, J.D., Fariselli, P., Rossi, I., Nagy, A., Kai, W., Størling, Z., Orsini, M., Assenov, Y., Blankenburg, H., Huthmacher, C., Ramírez, F., Schlicker, A., Denoued, F., Jones, P., Kerrien, S., Orchard, S., Antonarakis, S.E., Reymond, A., Birney, E., Brunak, S., Casadio, R., Guigo, R., Harrow, J., Hermjakob, H., Jones, D.T., Lengauer, T., Orengo, C.A., Patthy, L., Thornton, J.M., Tramontano, A., Valencia, A.
 The implications of alternative splicing in the ENCODE protein complement
 (2007) *Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America*, 104 (13), pp. 5495-5500. Cited 143 times. 9.598
- 27 **Raimondo, D.**, Giorgetti, A., Bosi, S., Tramontano, A.
 Automatic procedure for using models of proteins in molecular replacement
 (2007) *Proteins: Structure, Function and Genetics*, 66 (3), pp. 689-696. Cited 21 times. 3.354
- 28 Giorgetti, A., **Raimondo, D.**, Miele, A.E., Tramontano, A.
 Evaluating the usefulness of protein structure models for molecular replacement



(2005) *Bioinformatics*, 21 (SUPPL. 2), . Cited 39 times.

5.468

- 29 **Raimondo, D.**, Andreotti, G., Saint, N., Amodeo, P., Renzone, G., Sanseverino, M., Zocchi, I., Molle, G., Motta, A., Scaloni, A.

A folding-dependent mechanism of antimicrobial peptide resistance to degradation unveiled by solution structure of distinctin

(2005) *Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America*, 102 (18), pp. 6309-6314. Cited 44 times.

10.231

LIBRI

- 1 Tramontano, A., Jones, D., Rychlewski, L., Casadio, R., Martelli, P., **Raimondo, D.**, Giorgetti, A.
Structure prediction of globular proteins
(2008) *Modern Genome Annotation: The Biosapiens Network*, pp. 283-307.
- 2 Tress, M.L., Casadio, R., Giorgetti, A., Hallin, P.F., Juncker, A.S., Kulberkyte, E., Martelli, P., **Raimondo, D.**, Reeves, G.A., Thornton, J.M., Tramontano, A., Wang, K., Wesselink, J.-J., Valencia, A.
Alternative splicing in the ENCODE protein complement
(2008) *Modern Genome Annotation: The Biosapiens Network*, pp. 453-484.
- 3 Tramontano A, Cozzetto D, Giorgetti A, **Raimondo D.**
The assessment of methods for protein structure prediction
Methods Mol. Biol. 2007, Editors: Mohammed J. Zaki, Christopher Bystroff

FIRMATO

Domenico Raimondo