

Allegato 3 verbale terza seduta procedure selettive per il reclutamento di RTT

PROCEDURA SELETTIVA DI CHIAMATA PER IL RECLUTAMENTO DI N. 1 RICERCATORE A TEMPO DETERMINATO IN TENURE TRACK (RTT) PER IL SETTORE CONCORSUALE/GRUPPO SCIENTIFICO-DISCIPLINARE 06/A1 SETTORE SCIENTIFICO-DISCIPLINARE MED/03 PRESSO IL DIPARTIMENTO DI MEDICINA CLINICA E MOLECOLARE INDETTA CON D.R. N. 958/2023 DEL 17.04.2023

Codice concorso 2023RTTR012

ATTRIBUZIONE DEL PUNTEGGIO AI TITOLI E ALLE PUBBLICAZIONI SELEZIONATE DAI CANDIDATI

La Commissione giudicatrice della procedura selettiva di chiamata, indetta con D.R. n. 958/2023 del 17.04.2023, per n. 1 posto di Ricercatore a tempo determinato in tenure track (RTT) per il Settore concorsuale/Gruppo scientifico-disciplinare 06/A1 – Settore scientifico-disciplinare MED/03 - presso il Dipartimento di Medicina Clinica e Molecolare dell'Università degli Studi di Roma "La Sapienza", nominata con D.R. n. 2134/2023 del 03.08.2023, procede di seguito ad attribuire, sulla base dei criteri selettivi definiti nella seduta preliminare, il punteggio ai titoli e alle pubblicazioni presentati dall'unica candidata alla suindicata procedura selettiva.

Candidato: Dr.ssa Simona Petrucci

Titolo	Descrizione	Giudizio della Commissione	Punteggio
dottorato di ricerca o equipollenti, ovvero, per i settori interessati, il diploma di specializzazione medica o equivalente, conseguito in Italia o all'estero	Titolo di specializzazione in Genetica Medica (2014) e dottorato di ricerca in Neuroscienze Clinico-Sperimentali e Psichiatria (2018)	Positivo, la candidata possiede il titolo di specialista in Genetica Medica, requisito richiesto dal bando, e ha conseguito dottorato di ricerca.	7
eventuale attività didattica a livello universitario in Italia o all'estero	Dal 2018 affidataria di diversi insegnamenti nell'ambito di corsi di laurea (in Infermieristica, Ostetricia, Medicina e Chirurgia, Terapia Occupazionale) dell'Università La Sapienza. E' stata tutor o co-tutor di 3 tesi di laurea	Più che positivo. La candidata dimostra una buona esperienza didattica	4
documentata attività di formazione o di ricerca presso	Ha svolto attività di ricerca dal 2011 al 2016 presso l'Unità di Neurogenetica	La candidata ha svolto in maniera continua attività di ricerca presso qualificati Istituti italiani su argomenti pienamente inerenti le tematiche di interesse del SSD MED/03	6

<p>qualificati istituti italiani o stranieri</p>	<p>dell'IRCSS CSS-Mendel e dell'IRCSS Santa Lucia, e, successivamente, dal 2018 in poi, presso il Dipartimento di Medicina Clinica e Molecolare dell'Università La Sapienza</p>		
<p>documentata attività in campo clinico relativamente ai settori concorsuali nei quali sono richieste tali specifiche competenze</p>	<p>Ha svolto attività di genetica clinica dal 2014, prima presso l'IRCSS CSS_Mendel e dal 2019 presso l'UOD Genetica Medica e Diagnostica Cellulare Avanzata dell'Azienda Ospedaliero-Universitaria S. Andrea di Roma. Ha inoltre svolto attività di consulenza clinica nell'ambito di progetti di ricerca, ed è consulente di genetica medica dell'Associazione Italiana Malattia di Huntington. Presso il Sant'Andrea dal 2021 è membro del team multidisciplinare del carcinoma mammario e del percorso multidisciplinare dei tumori ereditari. L'attività clinica ha spaziato in diversi settori, tra cui in particolare diagnosi prenatale, cardiogenetica,</p>	<p>L'attività clinica svolta documenta una buona esperienza, in particolare nell'ambito della neuro-, cardio- e oncogenetica, ed è pienamente congrua con le tematiche di interesse del SSD MED/03.</p>	<p>5</p>

	neurogenetica e oncogenetica.		
realizzazione di attività progettuale relativamente ai settori concorsuali nei quali è prevista	Ha partecipato, dal 2020, come Investigator o P.I. a 3 progetti dell'Università La Sapienza. Ha partecipato a diversi progetti su tematiche inerenti la Genetica Medica, riguardanti malattia di Huntington, tumori ereditari, fenotipi associati a difetti del gene GLUT1, cardiopatie aritmiche ereditarie, CADASIL. Nell'ambito di questi ha partecipato a gruppi di lavoro collaborativi nazionali e internazionali.	Si evince una importante attività di ricerca clinica, in ambiti di piena pertinenza del SSD MED/03.	4
relatore a congressi e convegni nazionali e internazionali	Ha presentato comunicazioni orali ad alcuni convegni nazionali	La candidata ha presentato alcune comunicazioni orali a congressi, documentando una discreta attività	2
premi e riconoscimenti nazionali e internazionali per attività di ricerca	Vincitrice di premio per miglior poster ad un convegno nazionale	La candidata ha vinto un premio per poster ad un congresso nazionale	1
Abilitazione Scientifica Nazionale (ASN) per Professore di I o II fascia per il SC 06/A1	Ha conseguito l'abilitazione come Professore di II Fascia nel 2021 per il SC 06/A1 – Genetica Medica	In possesso di abilitazione nazionale a Professore di II fascia	Non applicabile (punteggio non previsto)
incarico di ricercatore a tempo determinato	E' stata ricercatore di tipo A nel SSD MED/03 presso il Dipartimento di	La candidata è in possesso di questo titolo	Non applicabile

di Tipo A nel SSD MED/03	Medicina Clinica e Molecolare dell'Università La Sapienza		(punteggio non previsto)
congruenza della produzione scientifica con il SSD MED/03 e con il profilo richiesto	La candidata ha prodotto 56 pubblicazioni scientifiche su riviste indicizzate, quasi tutte pienamente inerenti argomenti di genetica medica, soprattutto di neurogenetica, cardiogenetica e oncogenetica. I primi due lavori da lei pubblicati sono di neurologia clinica, ma comunque anche questi attinenti tematiche che vengono poi affrontate nelle ricerche di genetica oggetto dei successivi lavori. Ha prodotto anche un capitolo di libro su volume censito da banca dati Scopus.	La produzione è pienamente congruente il SSD MED/03 e il profilo richiesto.	Non applicabile (punteggio non previsto)
attività di revisore per riviste recensite su SCOPUS e/o WOS	Ha svolto attività di revisore per riviste scientifiche, alcune delle quali di genetica	La candidata ha svolto attività di revisione di lavori scientifici sottomessi per pubblicazione	Non applicabile (punteggio non previsto)
Totale punteggio titoli			29

N.	Pubblicazione	Descrizione pubblicazione	Giudizio della Commissione	Punteggio
1	A New SMAD4 Splice Site Variant in a Three-Generation Italian Family	Si tratta della descrizione fenotipica di	Discreta, tematica congruente con SSD, ruolo	3

	with Juvenile Polyposis Syndrome. Micolonghi C, Piane M, Germani S, Sadeghi S, Libi E, Savio C, Fabiani M, Mancini R, Ranieri D, Pizzuti A, Corleto VD, Parisi P, Visco V Di Nardo G, Petrucci S. <i>Diagnostics</i> (Basel). 2022 Nov 4;12(11):2684. PMID: 36359527. PMCID: PMC9689379. DOI: 10.3390/diagnostics12112684.	un'ampia famiglia con poliposi giovanile dovuta ad una nuova mutazione del gene <i>SMAD4</i>	della candidata molto rilevante	
2	Genotype-Phenotype Correlations in Monogenic Parkinson Disease: A Review on Clinical and Molecular Findings. Guadagnolo D, Piane M, Torrisi MR, Pizzuti S, Petrucci S. <i>Front Neurol</i> . 2021 Sep 22; eCollection 2021. PMID: 34630269. PMCID: PMC8494251. DOI: 10.3389/fneur.2021.648588. IF: 4,086 (WOS), Cit.: 17 (Scopus).	Review su correlazioni genotipo-fenotipo nella malattia di Parkinson	Discreta, tematica congruente con SSD, lavoro non originale, ruolo della candidata molto rilevante	2
3	Beyond BRCA1 and BRCA2: Deleterious Variants in DNA Repair Pathway Genes in Italian Families with Breast ovarian and Pancreatic Cancers. Germani A, Petrucci S, De Marchis L, et al. <i>J Clin Med</i> . 2020 Sep 17;9(9):3003. PMID: 32957588. PMCID: PMC7553793. DOI: 10.3390/jcm9093003. IF: 4,242 (WOS), Cit.: 5 (Scopus).	Lo studio ha indagato il ruolo di geni del riparo del DNA non BRCA in pazienti con tumori della mammella, ovaio e pancreas	Discreta, tematica congruente con SSD, ruolo della candidata molto rilevante	3
4	Mitochondrial damage-associated inflammation highlights biomarkers in PRKN/PINK1 parkinsonism. Borsche	Lo studio individua potenziali biomarcatori di una forma	Ottima, tematica congruente con SSD, ruolo della candidata discreto	3

	<p>M, Kònig IR, Delcambre S, Petrucci S, Balck A, Brùggemann N, Zimprich A, Wasner K, Pereira SI- Avenali M, Deuschle C, Badanjak K, Ghelfi J, Gasser T, Kasten M, Rosenstiel P, Lohmann K Brockmann K, Valente EM, Youle RI, Grùnewald A, Klein C. Brain. 2020 Oct 1;143(10):3041-3051. PMID: PMC7586086. DOI: 10.1093/brain/awaa246. IF: 13,501(WOS), Cit.: 70 (Scopus).</p>	<p>genetica di parkinsonismo.</p>		
5	<p>GBA-Related Parkinson's Disease: Dissection of Genotype-Phenotype Correlates in a Large Italian Cohort. Petrucci S, Ginevrino M, Trezzi I, Monfrini E, Ricciardi L, Albanese A, Avenali M, Barone P, Bentivoglio A.R., Bonifati V, Bove F, Bonanni L, Brusa L, Cereda C, Cossu G, Criscuolo C, Dati G, De Rosa A, Eleopra R, Fabbrini G, Fadda L, Garbellini M, Minafra B, Onofrj M, Pacchetti C, Palmieri I, Pellecchia M.T., Petracca M, Picillo M, Pisani A, Vallelunga A, Zangaglia R, Di Fonzo A, Morgante F, Enza Maria Valente E.M. Mov Disord. 2020 Nov;35(11):2106-2111. Epub 2020 Jul 13. PMID: 32658388. DOI: 10.1002/mds.28195. IF: 10,338 (WOS). Cit.: 58 (Scopus).</p>	<p>Lo studio indaga correlazioni genotipo-fenotipo in un'ampia coorte di pazienti con malattia di Parkinson associata al gene GBA.</p>	<p>Molto buono, tematica congruente con SSD, ruolo della candidata molto rilevante</p>	4
6	<p>Aberrant Function of the C-Terminal Tail of HIST1H1E Accelerates Cellular Senescence and Causes Premature Aging. Flex E, Martinelli S, Van</p>	<p>Lavoro sperimentale che analizza la funzione della proteina HIST1H1E,</p>	<p>Ottima, tematica congruente con SSD, ruolo della candidata discreto</p>	3

	<p>Dijck A, Ciolfi A, Cecchetti S, Coluzzi E, Pannone L, Andreoli C, Radio FC, Pizzi S, Carpentieri G, Bruxelles A, Catanzaro G, Pedace L, Miele E, Carcarino E, Ge X, Chijiwa C, Lewis MES, Meuwissen M, Kenis S, Van der Aa N, Larson A, Brown K, Wasserstein MP, Skotko BG, Begtrup A, Person R, Karayiorgou M, Roos JL, Van Gassen KL, Koopmans M, Bijlsma EK, Santen GWE, Barge-Schaapveld DQCM, Ruivenkamp CAL, Hoffer MJV, Lalani SR, Streff H, Craigen WJ, Graham BH, van den Elzen APM, Kamphuis DJ, Öunap K, Reinson K, Pajusalu S, Wojcik MH, Viberti C, Di Gaetano C, Bertini E, Petrucci S, De Luca A, Rota R, Ferretti E, Matullo G, Dallapiccola B, Sgura A, Walkiewicz M, Kooy RF, Tartaglia M. Am J Hum Genet. 2019 Sep 5;105(3):493-508. Epub 2019 Aug 22. PMID: 31447100. PMCID: PMC6731364. doi: 10.1016/j.ajhg.2019.07.007. IF: 10,502 (WOS). Cit.: 39 (Scopus).</p>	<p>implicata in una rara sindrome genetica.</p>		
7	<p>Genetic paradoxes in an Italian family with PARK2 multiexon duplication. Petrucci S, Ferrazzano G, Ginevrino M, Tolve M, Berardelli I, Berardelli A, Fabbrini G*, Valente EM. Mov Disord Clin Pract. 2017 Sep 8;a(5):889-892. eCollection20LT Nov-Dec. PMID: 30713982. PMCID: PMC6353389. doi: 10.1002/mdc3.12531. IF: n.d. (WOS), Cit.: 1(Scopus).</p>	<p>Descrive una famiglia con una particolare alterazione del gene PARK2</p>	<p>Sufficiente (rivista senza impact factor), tematica congruente, ruolo della candidata molto rilevante</p>	2

8	<p>Impulsive-compulsive behaviors in parkin-associated Parkinson disease. Morgante, Fasano A, Ginevrino M, Petrucci S, Ricciardi L, Bove , Criscuolo C, Moccia M, De Rosa A, Sorbera C, Bentivoglio AR, Barone B De Michele G, Pellecchia MI, Valente EM. Neurology. 2016 Oct 4;87 IL4I:1436-LM7. Epub 2015 Sep 2. PMID: 27590295. PMCID: PMC5075971. doi: 10.1212/WNL.0000000000001177. IF : 8,32 (WOS). Cit. : 49 (Scopus).</p>	<p>Indaga una caratteristica clinica associata alla malattia di Parkinson associata al gene codificante la parkina</p>	<p>Discreta, tematica congruente con SSD, ruolo della candidata significativo</p>	3
9	<p>Phenotypic spectrum of alpha-synuclein mutations: New insights from patients and cellular models. Petrucci S. Ginevrino M, Valente EM. Parkinsonism Relat Disord. 2015 Jan;22 Suppl 1:516-20. Epub 2015 Aug 18. PMID: 26347711. doi: 10.1016/j.parkreldis.2015.08.015. IF: 4,484 (WOS). Cit.:83 (Scopus).</p>	<p>Descrive le caratteristiche fenotipiche associate a difetti dell'alfa-sinucleina.</p>	<p>Buono, tematica congruente con SSD, ruolo della candidata significativo</p>	4
10	<p>Global investigation and meta-analysis of the C9orf72 (GAC)_n repeat in Parkinson disease. Neurology. Theuns J, Verstraeten A, Sleegers K, Wauters E, Gijssels I, Smolders S, Crosiers D, Corsmit E, Elinck E, Sharma M, Krüger R, Lesage S, Brice A, Chung SI, Kim MJ, Kim YJ, Ross OA, Wszolek ZK, Rogaeva E, Xie Z, Lang AE, Klein C, Weissbach A, Mellick GD, Silburn PR, Hadjigeorgiou GM, Dardiotis E, Hattori N, Ogaki K, Tan EI, Zhao Y, Aasly J, Valente EM,</p>	<p>Meta-analisi sul ruolo di alterazioni del gene c9orf72 nella malattia di Parkinson</p>	<p>Discreta, tematica congruente con SSD, ruolo della candidata discreto</p>	2

	<p>Petrucci S, Annesi G, Quattrone A, Ferrarese C, Brighina I, Deuschländer S, Puschmann A, Nilsson C, Garraux G, LeDoux MS, Pfeiffer R, Boczarska-Edynak M, Opala G, Maraganore DM, Engelborghs S, De Deyn PF, Cras P, Cruts M, Van Broeckhoven C; GEO-PD Consortium. 2014 Nov 18;83(21):1906-13. Epub 2014 Oct 17. PMID: 25326098. PMCID: PMC424W56. doi: 10.72L21wN1.0000000000001012. IF: 8,185 (WOS). Cit.: 58 (Scopus).</p>			
11	<p>Parkinson Disease Genetics. A "Continuum" From Mendelian to Multifactorial Inheritance. Petrucci S, Consolif, Valente EM. Curr Mol Med. 2014;14(8):1079-1088. PMID: 25323855. doi: 10.2174/156652401466614010155509. IF : 3,621 (WOS). Cit. : 29 (Scopus).</p>	<p>Review su ruolo di fattori genetici nella malattia di Parkinson.</p>	<p>Discreta, tematica congruente con SSD, lavoro non originale, ruolo della candidata molto rilevante</p>	2
12	<p>Phenotypic variability of PINK1 expression: 12 Years' clinical follow-up of two Italian families. Ricciardi I, Petrucci S, Guidubaldi S, Ialongo I, Serra I, Ferraris A, Spanò B, Bozzali M, Valente EM, Bentivoglio AR. Mov Disord. 2014 Oct;29(12):1551-6. Epub 2014 Aug 27. PMID: 25164310. doi: 10.1002/mds.25994. IF: 5,58 (WOS). Cit.: 42 (Scopus).</p>	<p>Descrive le caratteristiche e la variabilità fenotipica osservate nel follow up a lungo termine di due famiglie italiane con malattia di Parkinson collegata al gene PINK1</p>	<p>Discreta, tematica congruente con SSD, ruolo della candidata rilevante</p>	3
	<p>Totale punteggio pubblicazioni</p>			34

Totale complessivo punteggio candidato: 63

Letto, confermato e sottoscritto.

Prof. Brunella Franco

Prof. Maurizio Genuardi

Prof. Emiliano Giardina

