

Allegato 2 verbale terza seduta concorsi RTT

PROCEDURA SELETTIVA DI CHIAMATA PER IL RECLUTAMENTO DI N. 1 RICERCATORE A TEMPO DETERMINATO IN TENURE TRACK (RTT) PER IL GRUPPO SCIENTIFICO-DISCIPLINARE 05/BIOS-07 SETTORE SCIENTIFICO-DISCIPLINARE BIOS-07/A PRESSO IL DIPARTIMENTO DI SCIENZE BIOCHIMICHE "A. ROSSI FANELLI" INDETTA CON D.R. N. 1770/2024 DEL 18/07/2024 (AVVISO DI INDIZIONE PUBBLICATO SU G.U. – IV SERIE SPECIALE N. 59 DEL 23/07/2024)

Codice concorso 2024RTTE003

VALUTAZIONE COLLEGALE DEL SEMINARIO

La Commissione giudicatrice della procedura selettiva di chiamata, indetta con D.R. n. 1770/2024 del 18/07/2024, per n. 1 posto di Ricercatore a tempo determinato in tenure track (RTT) per il Gruppo scientifico-disciplinare 05/BIOS-07 – Settore scientifico-disciplinare BIOS/07-A - presso il Dipartimento di Scienze Biochimiche "A. Rossi-Fanelli" dell'Università degli Studi di Roma "La Sapienza", nominata con D.R. n. 2855/2024 del 5/11/2024, procede di seguito ad effettuare, sulla base dei criteri selettivi definiti nella seduta preliminare, la valutazione collegiale del colloquio in forma seminariale.

Cognome e nome	Argomenti trattati nel corso del colloquio:	Valutazione collegiale della Commissione del seminario
Anna Barile	La candidata ha presentato il suo percorso accademico ed ha esposto i suoi studi sul ruolo della vitamina B6 e della Human pyridoxine 5'-Phosphate oxydase (PNPO), approfondendo le varianti di questa proteina nell'uomo e la caratterizzazione del sito allosterico per il pyridoxal 5'-phosphate (PLP) nella PNPO umana e in quella di <i>Escherichia coli</i> . Ha inoltre descritto le sue ricerche sulla proteina <i>pyridoxal reductase</i> e sul metabolismo dell'H2S in <i>Pseudomonas aeruginosa</i> , concentrandosi su enzimi chiave come la <i>sulfide quinone oxireductase</i> (SQR) e la <i>cyanide-insensitive oxidase (CIO)</i> . Durante un'esperienza all'estero in Florida, ha studiato la caratterizzazione della proteina <i>pyridoxal 5'-phosphate homeostasis protein</i> YGG5 e la sua interazione con l'RNA.	MOLTO BUONO

	Infine, ha discusso l'ipotesi che la proteina YGG5 possa interagire con altre proteine, proponendo studi di interazione per confermarlo.	
Lorenzo Di Rienzo	Il candidato ha presentato il suo percorso accademico e il suo approccio allo studio della compatibilità biomolecolare. Ha descritto la modellizzazione della struttura delle proteine, includendo la schematizzazione delle interazioni intermolecolari e il calcolo dell'energia che regola le interazioni <i>non-bonded</i> tra residui. Tra i suoi obiettivi, ha incluso l'identificazione delle regioni di <i>binding</i> delle proteine e la valutazione dell'effetto di mutazioni sulla struttura proteica tramite metodiche avanzate. Ha inoltre illustrato l'algoritmo di disegno per strutture proteiche e linee di ricerca legate alla progettazione di peptidi per bloccare interazioni proteina-proteina, con un focus particolare sul design di GPCR. Durante la discussione, si è soffermato sullo scopo finale delle sue ricerche e sulla verifica sperimentale dei mutanti identificati.	OTTIMO
Francesco Fiorentino	Il candidato ha trattato temi legati alle interazioni proteina-proteina, con particolare attenzione all'epigenetica della lisina acetil transferasi KAT8. Ha discusso lo sviluppo di inibitori selettivi di KAT8 e	ECCELLENTE

	<p>le loro implicazioni in sistemi cellulari, mostrando come il knock-down di KAT8 induca un aumento dell'autofagia. Inoltre, ha esplorato i sistemi di trasporto dei lipopolisaccaridi (LPS), concentrandosi sulla caratterizzazione di inibitori di tale trasporto mediante spettrometria di massa nativa. Ha approfondito lo studio della proteina LPTH, inclusa la titolazione e l'analisi della sua oligomerizzazione, e ha presentato i suoi lavori sull'analisi della proteina SHTM1.</p>	

Letto, confermato e sottoscritto

Prof. Eugenio Barone

Prof. Eleonora Candi

Prof. Paola Coccetti