

INFORMAZIONI PERSONALI **Francesco Ravasini**

OCCUPAZIONE PER LA
QUALE SI CONCORRE
POSIZIONE RICOPERTA
OCCUPAZIONE DESIDERATA
TITOLO DI STUDIO
OBIETTIVO PROFESSIONALE

Assegno di ricerca per il progetto di ricerca “Assessing the discrimination capacity of Y chromosome microsatellites in patrilinear nomadic populations of the Zagros mountains” presso il Dipartimento di Biologia e Biotecnologie “Charles Darwin”

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

11/2020 – 01/2023

Dottorato di Ricerca in Genetica e Biologia Molecolare
Sapienza Università di Roma, Roma, Italia

Titolo: “Archaeogenetics of the Middle Adriatic culture and the legacy of the Roman expansion in Central Italy”. Supervisore: Prof. Beniamino Trombetta. Tutor: Dr. Eugenia D’Atanasio.

- Estrazione e sequenziamento di DNA antico
- Analisi bioinformatica di sequenze di DNA antico e moderno
- Analisi di genetica di popolazione

10/2018 – 07/2020

Laurea Magistrale in Genetica e Biologia Molecolare
Sapienza Università di Roma, Roma, Italia

Titolo: “Dinamiche evolutive della palindrome P8 del cromosoma Y umano” Relatore: Prof. Beniamino Trombetta.

- Estrazione di DNA, PCR, elettroforesi
- Analisi bioinformatica di sequenze di DNA moderno
- Analisi di genetica di popolazione

10/2015 – 10/2018

Laurea in Scienze Biologiche
Sapienza Università di Roma, Roma, Italia

Titolo: “Introggressione genetica tra esseri umani arcaici e moderni” Relatore: Prof. Beniamino Trombetta.

COMPETENZE PERSONALI

Lingua madre Italiano

Altre lingue

Inglese

COMPRESIONE		PARLATO		PRODUZIONE SCRITTA
Ascolto	Lettura	Interazione	Produzione orale	
B2	C1	B2	B2	B2

Competenze comunicative

Buone competenze comunicative acquisite durante il dottorato di ricerca anche grazie alle presentazioni del lavoro effettuate a conferenze internazionali.

Competenze organizzative e gestionali

Buone competenze organizzative e gestionali acquisite grazie alla gestione di progetti di ricerca e di tutoraggio per studenti di lauree triennali e magistrali.

Competenze digitali

AUTOVALUTAZIONE				
Elaborazione delle informazioni	Comunicazione	Creazione di Contenuti	Sicurezza	Risoluzione di problemi
Avanzato	Avanzato	Avanzato	Avanzato	Avanzato

- Ottima padronanza degli strumenti della suite per ufficio Microsoft Office
- Ottima padronanza dei programmi per l'analisi bioinformatica di sequenze di DNA antico e moderno quali bwa, samtools, bcftools, vcftools, gatk, beagle, MapDamage e altri.
- Ottima padronanza dei programmi per l'analisi di genetica di popolazione quali, MEGA, Network, Admixture, Admixtools, Eigensoft, e altri.
- Ottima padronanza di risorse bioinformatiche online quali UCSC Genome Browser, UCSC Table Browser. ClustalW, NCBI database e altri.
- Buona conoscenza dei linguaggi di programmazione Bash e R.
- Conoscenza di base del linguaggio di programmazione python.

Patente di guida A3, B.

ULTERIORI INFORMAZIONI

Publicazioni

Hajiesmaeil M*, **Ravasini F***, Risi F, Magnarini G, Olivieri A, D'Atanasio E, Galehdari H, Trombetta B, Cruciani F. (2023). High incidence of AZF duplications in clan-structured Iranian populations detected through Y chromosome sequencing read depth analysis. *Sci Rep* 13:11857.

* These authors contributed equally.

D'Atanasio E, Risi F, **Ravasini F**, Montinaro F, Hajiesmaeil M, Bonucci B, Pistacchia L, Amoako-Sakyi D, Bonito M, Onidi S, et al. (2023). Echoes from the last Green Sahara: whole genome analysis of Fulani, a key population to unveil the genetic evolutionary history of Africa. :2023.04.06.535569. Preprint available from: <https://www.biorxiv.org/content/10.1101/2023.04.06.535569v1>

Bonito M*, **Ravasini F***, Novelletto A, D'Atanasio E, Cruciani F, Trombetta B (2023). Disclosing complex mutational dynamics at a Y chromosome palindrome evolving through intra- and inter-chromosomal gene conversion. *Hum. Mol. Genet.*, ddac144. doi: 10.1093/hmg/ddac144.

* These authors contributed equally.

Bonito M, D'Atanasio E, **Ravasini F**, Cariati S, Finocchio A, Novelletto A, Trombetta B, Cruciani F. (2021) New insights into the evolution of human Y chromosome palindromes through mutation and gene conversion. *Hum. Mol. Genet.* 30(23):2272-2285. doi: 10.1093/hmg/ddab189.

Ravasini F, D'Atanasio E, Bonito M, Bonucci B, Della Rocca C, Berti A, Trombetta B, Cruciani F (2021) Sequence Read Depth Analysis of a Monophyletic Cluster of Y Chromosomes Characterized by Structural Rearrangements in the AZFc Region Resulting in DYS448 Deletion and DYF387S1 Duplication. *Front. Genet.* 12:669405 doi: 10.3389/fgene.2021.669405.

Conferenze

Tipo di comunicazione: Poster

Titolo: The Picenes and the Genetic Landscape of Central Adriatic Italy in the Iron Age.

Autori: **Ravasini F**, Niinemäe H, Solnik A, Delpino C, Finocchi S, Giroladini P, Cilli E, Scheib CL, Cruciani F, D'Atanasio E, Trombetta B.

Congresso: ISBA10 Congress, Tartu, Estonia.

Data: 13/09/2023–15/09/2023

Tipo di comunicazione: Poster

Titolo: Archaeogenetics of Central Italy: A diachronic analysis of the Adriatic coast traced by ancient genomes.

Autori: **Ravasini F**, Niinemäe H, Solnik A, Delpino C, Finocchi S, Giroladini P, Mei O, Gobbi P, Cilli E, Scheib CL, Cruciani F, D'Atanasio E, Trombetta B.

Congresso: SBE 2023 Annual Congress, Ferrara, Italia.

Data: 23/07/2023–27/07/2023

Tipo di comunicazione: Presentazione orale a congresso.

Titolo: E.Pi.C.A. – Evolution and history of the Picene Culture through Ancient DNA analysis.

Autori: **Ravasini F**.

Congresso: EASI-Genomics final consortium meeting. Berlino, Germania.

Data: 04/05/2023

Tipo di comunicazione: Poster

Riconoscimenti e premi

Corsi

Titolo: Archaeogenetics of the Picenes and the legacy of the Roman expansion in Central Italy.
Autori: **Ravasini F.**, Giacometti C., Niinemäe H., Solnik A., Delpino C., Finocchi S., Giroladini P., Mei O., Cilli E., Scheib C.L., Cruciani C., D'Atanasio E., Trombetta B.
Data: 13/09/2022–16/09/2022
Congresso: EMBL Symposium: Reconstructing the human past: using ancient and modern genomics. Heidelberg, Germania.

Tipo di comunicazione: Poster

Titolo: Evolution and history of the Picene Culture through Ancient DNA analysis.

Autori: **Ravasini F.**, Bonito M., Delpino C., Finocchi S., Giroladini P., Cilli E., Scheib C.L., Cruciani F., D'Atanasio E., Trombetta B.
Data: 02/11/2021–04/11/2021

Congresso: Human Evolution - From Fossils to Ancient and Modern Genomes. Virtual conference.

Percorso di Eccellenza per il corso di Laurea Magistrale in Genetica e Biologia Molecolare, presso Sapienza Università di Roma.

The ancient DNA revolution: from the initial attempts to the Nobel Prize – organizzato dalla scuola di genetica di Cortona AGI, 12/06/2023–13/06/2023.

Population genomics: Background and tools – organizzato da EMBO, 13/03/2023–19/03/2023.

Incorporating paleogenomes into evolutionary genomics studies – organizzato da Physalia courses, 28/11/2023–01/12/2022

Building bridges between disciplines: ancient DNA & archaeology – organizzato da Institute of Genomics of the University of Tartu in collaborazione con EASI Genomics, 19/10/2022–21/10/2022.

Conservation Genomics – organizzato da Physalia courses, 27/06/2022–30/06/2022.

Population genomics using ancient DNA data – organizzato da Physalia courses, 31/01/2022–01/02/2022.

Dati personali

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali ai sensi del Decreto Legislativo 30 giugno 2003, n. 196 "Codice in materia di protezione dei dati personali".

Il sottoscritto dichiara di essere consapevole che il presente *curriculum vitae* sarà pubblicato sul sito istituzionale dell'Ateneo, nella Sezione "Amministrazione trasparente", nelle modalità e per la durata prevista dal d.lgs. n. 33/2013, art. 15.

Data 25/09/2023

f.to
Francesco Ravasini