

# Curriculum vitae et studiorum del Dr Gianni Prosseda

Aggiornato al 14 dicembre 2018

## FORMAZIONE

- Maturità Scientifica conseguita presso il Liceo Statale "Ettore Majorana" di Latina nel Luglio 1987.
- 1994 - Laurea in Scienze Biologiche, conseguita presso l'Università di Roma "Sapienza" con votazione 110/110 con lode.
- 1996 - Master in "Esperto in Organizzazione ed Assicurazione Qualità – Settori Agroalimentare, Packaging e Chimico" (460 ore), organizzato da I.F.O.A. in collaborazione con la Cam. del Comm. di Latina
- 2000 - Dottorato in Biologia Cellulare e dello Sviluppo, conseguito presso l'Università di Roma
- 2001 - Diploma di Scuola di Specializzazione in Applicazioni Biotecnologiche (triennale), voto 70/70 con lode, conseguito presso l'Università di Roma "Sapienza"
- 2001 - Abilitazione Professionale per Biologi.
- Dal novembre 2002, Ricercatore confermato (SSD BIO/19, Microbiologia Generale) presso il Dipartimento di Biologia Cellulare e dello Sviluppo, attualmente Dip. di Biologia e Biotecnologie "C. Darwin", Sapienza Università di Roma

## DIDATTICA

### presso l'Università di Roma "Sapienza"

- Docente/componente del consiglio di Dottorato del corso di Dottorato in Biologia Cellulare e dello Sviluppo.
- Docente guida per Tesi di Dottorato per la scuola di Dottorato in Biologia Cellulare e dello Sviluppo.
- Relatore di numerose tesi sperimentali nel corso di Biotecnologie Interfacoltà.
- Titolare o affidatario dei seguenti corsi di insegnamento nell'ambito del SD BIO/19:

#### A.A. 2018-2019

- Titolare dell'insegnamento di Microbiology per il corso di laurea in Bioinformatics, facoltà di Farmacia e Medicina (6 CFU)
- Affidatario del II modulo dell'insegnamento di Microbiologia Generale, Biotecnologie Microbiche ed Elementi di Microbiologia Medica, Corso di laurea in Biotecnologie Interfacoltà (6 di 12 CFU).

#### A.A. 2017-2018

- Affidatario del II modulo dell'insegnamento di Microbiologia Generale, Biotecnologie Microbiche ed Elementi di Microbiologia Medica, Corso di laurea in Biotecnologie Interfacoltà (6 di 12 CFU).

#### A.A. 2016-2017

- Affidatario del II modulo dell'insegnamento di Microbiologia Generale, Biotecnologie Microbiche ed Elementi di Microbiologia Medica, Corso di laurea in Biotecnologie Interfacoltà (6 di 12 CFU).

- Titolare/referente del corso di Microbiologia Applicata per il corso di laurea in Scienze e Tecnologie per la Qualità e la Valorizzazione dei Prodotti Agroalimentari, Facoltà di Scienze Matematiche, Fisiche, Chimiche e Naturali (SMFN) (3 di 6 CFU)
- Affidatario del II modulo dell'insegnamento di Microbiologia Generale, Biotecnologie Microbiche ed Elementi di Microbiologia Medica, Corso di laurea in Biotecnologie Interfacoltà (6 di 12 CFU).

**Dall'A.A. 2010-2011 all'A.A. 2014-2015:**

- Ininterrottamente affidatario del II modulo dell'insegnamento di Microbiologia Generale, Biotecnologie Microbiche ed Elementi di Microbiologia Medica, Corso di laurea in Biotecnologie Interfacoltà (6 di 12 CFU).

**Dall'A.A. 2008-2009 all'A.A. 2009-2010:**

- Titolare/referente del corso di Microbiologia I per il corso di laurea in Biotecnologie Interfacoltà (3 di 9 CFU)

**Dall'A.A. 2006-2007 all'A.A. 2007-2008**

- Titolare/referente dell'insegnamento di Microbiologia Generale e Biotecnologie Microbiche per il Corso di Laurea in Biotecnologie Interfacoltà (3 di 6 CFU).

**Dall'A.A. 2003-2004 all'A.A. 2005-2006:**

- Affidatario dell'insegnamento di Microbiologia Generale e Biotecnologie Microbiche per il Corso di Laurea in Biotecnologie Interfacoltà (3 di 6 CFU).

#### **PREMI, RICONOSCIMENTI E ADESIONE A ASSOCIAZIONI SCIENTIFICHE**

- Premio di Laurea assegnato dalla S.I.M.G.B.M. (Società di Microbiologia Generale e Biotecnologie Microbiche) per la migliore Tesi di Laurea nel campo della Microbiologia Generale nel biennio 1992/94.
- Premio di Dottorato indetto dalla S.I.M.G.B.M. per la migliore Tesi di Dottorato nel campo della Microbiologia Generale nel biennio 1999/00.
- Socio della S.I.M.G.B.M. dal 1995 ad oggi.
- Riconoscimento per l'eccellente insegnamento universitario per l'A.A. 2017-18 assegnato dalla Facoltà di Scienze Matematiche, Fisiche e Naturali dell'Università di Roma "Sapienza".

#### **PROGRAMMI DI RICERCA FINANZIATI (1)**

- **titolarità**

- ◇ A.F. 2016: Titolare/Coordinatore del programma di Ricerche Universitarie, "Sapienza" Università di Roma, dal titolo "Analisi del ruolo degli SCFA nell'espressione della virulenza in *Shigella*"
- ◇ A.F. 2014: Titolare/Coordinatore del programma di Ricerche Universitarie, "Sapienza" Università di Roma, dal titolo "Probing the interplay between metabolism of polyamine in *Shigella* and in macrophages following the bacterial invasion."
- ◇ A.F. 2011: Titolare/Coordinatore del programma di Ricerche Universitarie, "Sapienza" Università di Roma, dal titolo "Exploring the role of polyamines in bacterial pathogenicity"

---

(1) La titolarità è comprovata dagli atti ufficiali del Dipartimento di Biologia Cellulare e dello Sviluppo (ora Dip. di "Biologia e Biotecnologie C. Darwin") della Sapienza Università di Roma.

- ◇ A.F. 2009: Titolare del programma di Ricerca Scientifica dell'Ateneo Federato della Scienza e della Tecnica (AST), "Sapienza" Università di Roma, dal titolo "Regolazione post-trascrizionale e traduzionale di VirF, la proteina innesco del sistema di virulenza di *Shigella*".
- ◇ A.F. 2007: Titolare del programma di Ricerca Scientifica dell'Ateneo Federato della Scienza e della Tecnica (AST), "Sapienza" Università di Roma, dal titolo "*Stenotrophomonas maltophilia*: analisi di un nuovo importante patogeno emergente"
- ◇ A.F. 2006: Titolare del programma di Ricerca di Facoltà, "Sapienza" Università di Roma, dal titolo "Curvatura del DNA e regolazione trascrizionale temperatura-dipendente dei geni procariotici".
- ◇ A.F. 2000: titolare del programma di ricerca per Finanziamenti MURST "Progetto Giovani Ricercatori" dal titolo "Ruolo della topologia del DNA nell'espressione temperatura mediata del gene *virF* di *Shigella*".

- **Partecipazione come componente**

- ◇ 2016-2018: PROGRAMMES TRANSVERSAUX DE RECHERCHE – PTR, International Network of Institut Pasteur, dal titolo "Understanding the selective benefit of the Shigella genome specific architecture" (progetto congiunto con il dott. D Mazel, Institut Pasteur, Paris).
- ◇ 2012: Progetto di ricerca della Fondazione "Istituto Pasteur- Fondazione Cenci Bolognetti (IPFCB) dal titolo "Defining the contribution of the VirF protein to the regulative circuitry and to the genome plasticity of *Shigella* and enteroinvasive *E.coli*."
- ◇ 2011-2013: Progetto di ricerca FIRB Internazionale *Molecular Bases of Disease*: "Multifactorial control of virulence gene expression in *Shigella* and enteroinvasive *E.coli*" (progetto congiunto con il dott. Claude Parsot, Institut Pasteur, Paris).
- ◇ 2009-2012: Progetto di ricerca della Fondazione "Istituto Pasteur- Fondazione Cenci Bolognetti "Involvement of sRNA molecules in the complex regulatory circuits of virulence gene expression in *Shigella flexneri* and in enteroinvasive *E.coli*."
- ◇ 2007-2008: Progetto di ricerca multicentrico, Fondazione per la ricerca sulla fibrosi cistica, dal titolo "*Stenotrophomonas maltophilia*, a multidrug resistant emergent pathogen associated to cystic fibrosis: a post genomic approach to identify new immunological and therapeutical targets" (Grant #7/2007).
- ◇ 2006-2007: Programma di Ricerca di Ateneo, "Sapienza" Università di Roma, dal titolo "Importanza del metabolismo delle poliammine biogene nella modulazione dello stato ossidoriduttivo in cellule procariotiche e eucariotiche" coordinato dalla Prof.ssa Lucia Marocchi.
- ◇ 2005-2008: Progetto di ricerca "Deciphering the complexity of virulence gene networks in *Shigella* and enteroinvasive *Escherichia coli* (EIEC): the interplay among nucleoid proteins, promoter DNA structure and regulatory factors" della Fondazione "Istituto Pasteur- Fondazione Cenci Bolognetti".
- ◇ 2005-2006: Progetto di ricerca multicentrico, Fondazione per la ricerca sulla fibrosi cistica, dal titolo "*Stenotrophomonas maltophilia*, an emergent pathogen associated to cystic fibrosis: identification and molecular characterization of virulence determinants as potential targets for new therapeutical strategies" (Grant #7/2005).
- ◇ 2001-2004: Progetto di ricerca "Involvement of nucleoid proteins in the transcriptional control of virulence genes in *Shigella* and enteroinvasive *Escherichia coli* (EIEC)" della Fondazione "Istituto Pasteur- Fondazione Cenci Bolognetti".
- ◇ 2001-2002: Programmi di ricerca scientifica interuniversitari del MURST (P.R.I.N.), dell'Unità di ricerca "Attivazione trascrizionale del regulone plasmidico di virulenza in *Shigella ed E.coli EIEC*".

- ◇ 1999-2000: Programmi di ricerca scientifica interuniversitari del MURST (P.R.I.N.), dell'Unità di ricerca "Regulation of virulence gene expression and genome evolution of *Shigella* and *E.coli* EIEC".
- ◇ 1997-2000: Progetto di ricerca "Role of histone-like proteins in the regulation of virulence genes in *Shigella* and *E.coli* EIEC" della Fondazione "Istituto Pasteur- Fondazione Cenci Bolognetti".
- ◇ 1997-1998: Programmi di ricerca scientifica interuniversitari del MURST (P.R.I.N.), dell'Unità di ricerca "Ruolo delle proteine istone-simili nella regolazione dei geni di virulenza".
- ◇ 1995-1996: Progetto di ricerca: "The induction of global response: role of the histone like proteins and organization of the nucleoid" della Fondazione "Istituto Pasteur-Fondazione Cenci Bolognetti".
- ◇ 1991-1994: Progetto di ricerca "The induction of global response in enterobacteria" della Fondazione "Istituto Pasteur-Fondazione Cenci Bolognetti".

## ATTIVITÀ EDITORIALE

### • Libri di testo

- ◇ Traduzione del testo "Brock-Biology of Microorganisms" (M.D.Madigan, J.M. Martinko, D.A. Stahl and J.Parker - Prentice-Hall International, 13° edizione) per i capitoli 6,7,8,11 e 13 dell'edizione italiana ("Brock-Biologia dei Microrganismi" Vol.1 Microbiologia generale Pearson 2012).
- ◇ Traduzione del testo "Brock-Biology of Microorganisms" (M.D.Madigan, J.M. Martinko and J.Parker - Prentice-Hall International, 11 edizione) per i capitoli 13 e 15 dell'edizione italiana ("Brock-Biologia dei Microrganismi" Vol.1 Microbiologia generale CEA Editrice 2007).
- ◇ Traduzione del testo "Brock-Biology of Microorganisms" (M.D.Madigan, J.M. Martinko and J.Parker - Prentice-Hall International, 10 edizione) per i capitoli 13 e 15 dell'edizione italiana ("Brock-Biologia dei Microrganismi" Vol.1 Microbiologia generale CEA Editrice 2002).

### • riviste internazionali

- **Reviewer** per numerose riviste internazionali tra cui: Plos ONE, Frontiers in Microbiology, FEMS Letters, Genes, BMC Microbiology, Frontiers in Cellular and Infection Microbiology, APMIS, OBMN Genetics, International Journal of Medical Microbiology, etc. .
- **Editorial Board:** Componente dell'Editorial Board di Frontiers in Cellular and Infection Microbiology, section of Molecular Bacterial Pathogenesis dal 2018.

## PARTECIPAZIONE A COMMISSIONI CONCORSUALI

- Presidente e Responsabile d'aula nel concorso per l'ammissione al Corso di laurea ad accesso programmato in Biotecnologie Interfacoltà (Farmacia e Medicina - Medicina e Psicologia – Scienze Matematiche, Fisiche e Naturali), Sapienza Università di Roma per gli anni 2011, 2012, 2013, 2014, 2016 e 2018.
- Nel 2015, membro della Commissione dell'esame finale di Dottorato in Biologia Applicata alla Salute dell'Uomo (BASU), Dipartimento di Scienze, Università di RomaTre (XXVII ciclo, D.R. n.98 del 28/01/15).

- Marzo 2014 Membro della Commissione dell'esame finale di Dottorato di ricerca in Dottorato di Ricerca in Biologia Cellulare e Molecolare presso l'Alma Mater Studiorum - Università di Bologna (D.R. n.195 del 14/03/14).
- Dicembre 2011: Membro della Commissione dell'esame finale di Dottorato di ricerca in Biologia (XXIV Ciclo), Università Roma Tre (Rep. Nr 1966 del 02/12/2011).
- Marzo 2009: Membro della Commissione d'esame finale di Dottorato di ricerca in Scienze di Sanità Pubblica e Microbiologia (XXI Ciclo), Sapienza Università di Roma. Tre (D.R. 00209 del 11/02/2009).
- Luglio 2008: Membro della commissione giudicatrice per un posto di ricercatore (SSD BIO/19) presso la Facoltà di Scienze M.F.N. dell'Università del Salento (D.R. n.1722 del 29/07/2008).

## ATTIVITÀ SCIENTIFICA

L'attività di ricerca del Dr. Prosseda è sempre stata incentrata sullo studio dell'espressione dei fattori di virulenza in batteri patogeni e sulla relazione tra questa espressione e gli stimoli ambientali da cui sembrano dipendere. Il sistema modello è rappresentato principalmente dal microorganismo patogeno *Shigella* e dagli *E. coli* patogeni. Parte del lavoro del Dr. Prosseda riguarda inoltre lo studio dei meccanismi genetici dell'evoluzione batterica verso la patogenicità. Più recentemente il Dr. Prosseda si è dedicato allo studio dell'influenza dei metaboliti intestinali sulla regolazione dei geni di virulenza dei enteropatogeni. In particolare, si sta analizzando in che modo, molecole normalmente presenti nell'intestino umano possono influenzare e, in alcuni casi, dirigere e coordinare l'espressione dei geni di virulenza di questi patogeni.

### Collaborazioni:

- Prof. F. Barras, Istituto Pasteur, Parigi, Francia
- Prof. M. De Luca, Center for Regenerative Medicine University of Modena and Reggio Emilia.
- Dr. S. Morabito, Istituto Superiore di Sanità, Roma, Italia
- Prof. D. Mazel, Istituto Pasteur, Parigi, Francia

### VALORI DEI CRITERI COMPARATIVI RICHIESTI PER LA VALUTAZIONE:

- numero complessivo di lavori su banche dati internazionali riconosciute per l'abilitazione scientifica nazionale: 31 (banca dati di riferimento: Scopus)
- indice di *Hirsch*: 16 (banca dati di riferimento: Scopus)
- numero totale delle citazioni: 951 (banca dati di riferimento: Scopus);
- numero medio di citazioni per pubblicazione: 30,68 (banca dati di riferimento: Scopus);
- «impact factor» totale e «impact factor» medio per pubblicazione, calcolati in relazione all'anno della pubblicazione 131,6 e 4,38 (banca dati di riferimento: Journal citation Reports (JCR/Scopus)).

## PUBBLICAZIONI <sup>(2)</sup>

### • Riviste internazionali

Per ogni pubblicazione sono indicati (quando disponibili) il DOI e l'impact factor relativo all'anno di pubblicazione ricavato da "InCites, Journal citation Reports" (<https://jcr.incites.thomsonreuters.com/JCRLandingPageAction.action>).

1. Pasqua M., Grossi M., Scinicariello S., Aussel L., Barras F., Colonna B., **Prosseda G.** The MFS efflux pump EmrKY contributes to the survival of *Shigella* within macrophages (2018), Scientific reports, accepted.  
IF<sub>2017</sub>: 4.122 (predicted)
2. Pasqua, M., Michelacci, V., Di Martino, M.L., Tozzoli, R., Grossi, M., Colonna, B., Morabito, S., **Prosseda, G.** The intriguing evolutionary journey of enteroinvasive *E. coli* (EIEC) toward pathogenicity (2017), Front. Microbiol., 8 (DEC), art. no. 2390.  
DOI: 10.3389/fmicb.2017.02390  
IF<sub>2017</sub>: 4.019
3. Leuzzi, A., Grossi, M., Di Martino, M.L., Pasqua, M., Micheli, G., Colonna, B., **Prosseda, G.** Role of the SRRz/Rz1 lambdoid lysis cassette in the pathoadaptive evolution of *Shigella*. (2017) Int. J. Med. Microbiol., 307 (4-5), pp. 268-275.  
DOI: 10.1016/j.ijmm.2017.03.002  
IF<sub>2017</sub>: 3.298
4. Di Martino, M.L., Falconi, M., Micheli, G., Colonna, B., **Prosseda, G.** The multifaceted activity of the VirF regulatory protein in the *Shigella* Lifestyle (2016) Front. Mol. Biosci., 3 (SEP), art. no. 61.  
DOI: 10.3389/fmolb.2016.00061  
IF<sub>2016</sub>: non disponibile (rivista pubblicata dal 2015)
5. Michelacci, V., **Prosseda, G.**, Maugliani, A., Tozzoli, R., Sanchez, S., Herrera-León, S., Dallman, T., Jenkins, C., Caprioli, A., Morabito, S. Characterization of an emergent clone of enteroinvasive *Escherichia coli* circulating in Europe (2016) Clin. Microbiol. Infect., 22 (3), pp. 287.e11-287.e19.  
DOI: 10.1016/j.cmi.2015.10.025  
IF<sub>2016</sub>: 5.292
6. Di Martino, M.L., Romilly, C., Wagner, E.G.H., Colonna, B., **Prosseda, G.** One gene and two proteins: A leaderless mRNA supports the translation of a shorter form of the *Shigella* VirF regulator (2016) mBio, 7 (6), art. no. e01860-16.  
DOI: 10.1128/mBio.01860-16  
IF<sub>2016</sub>: 6.956
7. Leuzzi, A., Di Martino, M.L., Campilongo, R., Falconi, M., Barbagallo, M., Marcocci, L., Pietrangeli, P., Casalino, M., Grossi, M., Micheli, G., Colonna, B., **Prosseda, G.** Multifactor regulation of the MdtJI polyamine transporter in *Shigella* (2015) PLoS ONE, 10 (8), art. no. 0136744.  
DOI: 10.1371/journal.pone.0136744  
IF<sub>2015</sub>: 3.057

---

<sup>(2)</sup> Nell' ambito di ogni categoria, le pubblicazioni sono elencate in ordine cronologico decrescente.

8. Campilongo, R., Di Martino, M.L., Marcocci, L., Pietrangeli, P., Leuzzi, A., Grossi, M., Casalino, M., Nicoletti, M., Micheli, G., Colonna, B., **Prosseda, G.** Molecular and functional profiling of the polyamine content in enteroinvasive *E. coli*: Looking into the gap between commensal *E. coli* and harmful *Shigella* (2014) PLoS ONE, 9 (9), art. no. e106589.  
DOI: 10.1371/journal.pone.0106589  
IF<sub>2014</sub>: 3.234
  
9. Scribano, D., Petrucca, A., Pompili, M., Ambrosi, C., Bruni, E., Zagaglia, C., **Prosseda, G.**, Nencioni, L., Casalino, M., Polticelli, F., Nicoletti, M. Polar localization of phon2, a periplasmic virulence-associated factor of *Shigella flexneri*, is required for proper IcsA exposition at the old bacterial pole (2014) PLoS ONE, 9 (2), art. no. e90230, .  
DOI: 10.1371/journal.pone.0090230  
IF<sub>2014</sub>: 3.234
  
10. Di Martino, M.L., Fioravanti, R., Barbabella, G., **Prosseda, G.**, Colonna, B., Casalino, M. Molecular evolution of the nicotinic acid requirement within the *Shigella*/EIEC pathotype (2013) Int. J. Med. Microbiol., 303 (8), pp. 651-661.  
DOI: 10.1016/j.ijmm.2013.09.007  
IF<sub>2013</sub>: 3.420
  
11. Di Martino, M.L., Campilongo, R., Casalino, M., Micheli, G., Colonna, B., **Prosseda, G.** Polyamines: Emerging players in bacteria-host interactions (2013) Int. J. Med. Microbiol., 303 (8), pp. 484-491.  
DOI: 10.1016/j.ijmm.2013.06.008  
IF<sub>2013</sub>: 3.420
  
12. Sciamanna, I., Gualtieri, A., Cossetti, C., Osimo, E.F., Ferracin, M., Macchia, G., Aricò, E., **Prosseda, G.**, Vitullo, P., Misteli, T., Spadafora, C. A tumor-promoting mechanism mediated by retrotransposon-encoded reverse transcriptase is active in human transformed cell lines (2013) Oncotarget, 4 (12), pp. 2271-2287.  
DOI: 10.18632/oncotarget.1403  
IF<sub>2013</sub>: 6.627
  
13. **Prosseda, G.**, Di Martino, M.L., Campilongo, R., Fioravanti, R., Micheli, G., Casalino, M., Colonna, B. Shedding of genes that interfere with the pathogenic lifestyle: The *Shigella* model (2012) Res. Microbiol., 163 (6-7), pp. 399-406.  
DOI: 10.1016/j.resmic.2012.07.004  
IF<sub>2012</sub>: 2.889
  
14. Barbagallo, M., Di Martino, M.L., Marcocci, L., Pietrangeli, P., de Carolis, E., Casalino, M., Colonna, B., **Prosseda, G.** A new piece of the shigella pathogenicity puzzle: Spermidine accumulation by silencing of the *speG* gene (2011) PLoS ONE, 6 (11), art. no. e27226.  
DOI: 10.1371/journal.pone.0027226  
IF<sub>2011</sub>: 3.420
  
15. Tran, C.N., Giangrossi, M., **Prosseda, G.**, Brandi, A., Di Martino, M.L., Colonna, B., Falconi, M. A multifactor regulatory circuit involving H-NS, VirF and an antisense RNA modulates transcription of the virulence gene *icsA* of *Shigella flexneri* (2011) Nucleic Acids Res., 39 (18), pp. 8122-8134.  
DOI: 10.1093/nar/gkr521  
IF<sub>2011</sub>: 8.026

16. Nicoletti, M., Iacobino, A., **Prosseda, G.**, Fiscarelli, E., Zarrilli, R., De Carolis, E., Petrucca, A., Nencioni, L., Colonna, B., Casalino, M. *Stenotrophomonas maltophilia* strains from cystic fibrosis patients: Genomic variability and molecular characterization of some virulence determinants (2011) *Int. J. Med. Microbiol.*, 301 (1), pp. 34-43.  
DOI: 10.1016/j.ijmm.2010.07.003  
IF<sub>2011</sub>: 4.173
  
17. De Carolis, E., Posteraro, B., Florio, A.R., Colonna, B., **Prosseda, G.**, Bugli, F., Lorenzetti, S.R., Fiscarelli, E., Inzitari, R., Iavarone, F., Castagnola, M., Fadda, G., Sanguinetti, M. Analysis of heat-induced changes in protein expression of *Stenotrophomonas maltophilia* K279a reveals a role for GroEL in the host-temperature adaptation (2011) *Int. J. Med. Microbiol.*, 301 (4), pp. 273-281.  
DOI: 10.1016/j.ijmm.2010.10.001  
IF<sub>2011</sub>: 4.173
  
18. Casalino, M., **Prosseda, G.**, Barbagallo, M., Iacobino, A., Ceccarini, P., Carmela Latella, M., Nicoletti, M., Colonna, B. Interference of the CadC regulator in the arginine-dependent acid resistance system of *Shigella* and enteroinvasive *E. coli* (2010) *Int. J. Med. Microbiol.*, 300 (5), pp. 289-295.  
DOI: 10.1016/j.ijmm.2009.10.008  
IF<sub>2010</sub>: 2.399
  
19. **Prosseda, G.**, Mazzola, A., Di Martino, M.L., Tielker, D., Micheli, G., Colonna, B. A Temperature-Induced Narrow DNA Curvature Range Sustains the Maximum Activity of a Bacterial Promoter in Vitro (2010) *Biochemistry*, 49 (13), pp. 2778-2785.  
DOI: 10.1021/bi902003g  
IF<sub>2010</sub>: 3.226
  
20. Giangrossi, M., **Prosseda, G.**, Tran, C.N., Brandi, A., Colonna, B., Falconi, M. A novel antisense RNA regulates at transcriptional level the virulence gene *icsA* of *Shigella flexneri* (2010) *Nucleic Acids Res.*, 38 (10), art. no. gkq025, pp. 3362-3375.  
DOI: 10.1093/nar/gkq025  
IF<sub>2010</sub>: 7.836
  
21. **Prosseda, G.**, Carmela Latella, M., Barbagallo, M., Nicoletti, M., Al Kassas, R., Casalino, M., Colonna, B. The two-faced role of cad genes in the virulence of pathogenic *Escherichia coli* (2007) *Res. Microbiol.*, 158 (6), pp. 487-493.  
DOI: 10.1016/j.resmic.2007.05.001  
IF<sub>2007</sub>: 2.219
  
22. Di Bonaventura, G., **Prosseda, G.**, Del Chierico, F., Cannavacciuolo, S., Cipriani, P., Petrucca, A., Superti, F., Ammendolia, M.G., Concato, C., Fiscarelli, E., Casalino, M., Piccolomini, R., Nicoletti, M., Colonna, B. Molecular characterization of virulence determinants of *Stenotrophomonas maltophilia* strains isolated from patients affected by cystic fibrosis (2007) *Int. J. Immunopathol. Pharmacol.*, 20 (3), pp. 529-537.  
DOI: 10.1177/039463200702000311  
IF<sub>2007</sub>: 4.665
  
23. **Prosseda, G.**, Latella, M.C., Casalino, M., Nicoletti, M., Michienzi, S., Colonna, B. Plasticity of the Pjunc promoter of ISEc11, a new insertion sequence of the IS1111 family (2006) *J. Bacteriol.*, 188 (13), pp. 4681-4689.  
DOI: 10.1128/JB.00332-06  
IF<sub>2006</sub>: 3.993



24. Casalino, M., Latella, M.C., **Prosseda, G.**, Ceccarini, P., Grimont, F., Colonna, B. Molecular evolution of the lysine decarboxylase-defective phenotype in *Shigella sonnei* (2005) *Int. J. Med. Microbiol.*, 294 (8), pp. 503-512.  
DOI: 10.1016/j.ijmm.2004.11.001  
IF<sub>2005</sub>: 2.667
25. **Prosseda, G.**, Falconi, M., Giangrossi, M., Gualerzi, C.O., Micheli, G., Colonna, B. The *virF* promoter in *Shigella*: More than just a curved DNA stretch (2004) *Mol. Microbiol.*, 51 (2), pp. 523-537.  
DOI: 10.1046/j.1365-2958.2003.03848.x  
IF<sub>2004</sub>: 5.959
26. Casalino, M., Latella, M.C., **Prosseda, G.**, Colonna, B. CadC is the preferential target of a convergent evolution driving enteroinvasive *Escherichia coli* toward a lysine decarboxylase-defective phenotype (2003) *Infect. Immun.*, 71 (10), pp. 5472-5479.  
DOI: 10.1128/IAI.71.10.5472-5479.2003  
IF<sub>2003</sub>: 3.875
27. **Prosseda, G.**, Falconi, M., Nicoletti, M., Casalino, M., Micheli, G., Colonna, B. Histone-like proteins and the *Shigella* invasivity regulon (2002) *Res. Microbiol.*, 153 (7), pp. 461-468.  
DOI: 10.1016/S0923-2508(02)01346-3  
IF<sub>2002</sub>: 2.139
28. Falconi, M., **Prosseda, G.**, Giangrossi, M., Beghetto, E., Colonna, B. Involvement of *fis* in the H-NS-mediated regulation of *virF* gene of *Shigella* and enteroinvasive *Escherichia coli* (2001) *Mol. Microbiol.*, 42 (2), pp. 439-452.  
DOI: 10.1046/j.1365-2958.2001.02646.x  
IF<sub>2001</sub>: 6.398
29. Brunetti, R., **Prosseda, G.**, Beghetto, E., Colonna, B., Micheli, G. The looped domain organization of the nucleoid in histone-like protein defective *Escherichia coli* strains (2001) *Biochimie*, 83 (9), pp. 873-882.  
DOI: 10.1016/S0300-9084(01)01331-1  
IF<sub>2001</sub>: 2.658
30. Falconi, M., Colonna, B., **Prosseda, G.**, Micheli, G., Gualerzi, C.O. Thermoregulation of *Shigella* and *Escherichia coli* EIEC pathogenicity. A temperature-dependent structural transition of DNA modulates accessibility of *virF* promoter to transcriptional repressor H-NS (1998) *EMBO J.*, 17 (23), pp. 7033-7043.  
DOI: 10.1093/emboj/17.23.7033  
IF<sub>1998</sub>: 13.171
31. **Prosseda, G.**, Fradiani, P.A., Di Lorenzo, M., Falconi, M., Micheli, G., Casalino, M., Nicoletti, M., Colonna, B. A role for H-NS in the regulation of the *virF* gene of *Shigella* and enteroinvasive *Escherichia coli* (1998) *Res. Microbiol.*, 149 (1), pp. 15-25.  
DOI: 10.1016/S0923-2508(97)83619-4  
IF<sub>1998</sub>: 1.259
32. Colonna, B., Casalino, M., Fradiani, P.A., Zagaglia, C., Naitza, S., Leoni, L., **Prosseda, G.**, Coppo, A., Ghelardini, P., Nicoletti, M. H-NS regulation of virulence gene expression in

enteroinvasive *Escherichia coli* harboring the virulence plasmid integrated into the host chromosome (1995) J. Bacteriol., 177 (16), pp. 4703-4712.

DOI: 10.1128/jb.177.16.4703-4712.1995

IF<sub>1995</sub>: 3.903

Roma 14 dicembre 2018

In fede

Gianni Prosseda

