

IL PRESENTE ALLEGATO COSTITUISCE UNO SCHEMA-TIPO, NEL QUALE SONO INDICATE ALCUNE VOCI A MERO TITOLO ESEMPLIFICATIVO, PERTANTO PUO' ESSERE MODIFICATO/INTEGRATO DAL CANDIDATO ADATTANDOLO ALLE PECULIARITÀ DELLA PROPRIA ATTIVITÀ SCIENTIFICO-PROFESSIONALE

ALL. B

Decreto Rettore Università di Roma "La Sapienza" n 2055/2021 del 28.07.2021

VALERIO FULCI

COPIA AI FINI DELLA PUBBLICAZIONE

## Curriculum Vitae

Place Roma

Date 30/07/2021

### Part I – General Information

Full Name	Valerio Fulci
Date of Birth	-----
Place of Birth	Roma
Citizenship	Italian
Permanent Address	-----
Mobile Phone Number	-----
E-mail	-----
Spoken Languages	Italiano, English

### Part II – Education

Type	Year	Institution	Notes (Degree, Experience,...)
University graduation	2002	Sapienza Università di Roma	Laurea in Biologia, curriculum Bio-molecolare
Post-graduate studies			
PhD	2006	Sapienza Università di Roma	Dottorato in "Biologia Umana e Genetica"
Specialty			
Pre-doctorate training			
Licensure 01			
Licensure 02			

### Part III – Appointments

#### IIIA – Academic Appointments

Start	End	Institution	Position
03/2005	05/2005	Rockefeller University (NY, USA)	Visiting student
2006	2007	Fondazione Cenci Bolognetti	Scholarship
2007	2008	Post-Doctoral Fellow	Sapienza Università di Roma
2008	2021	Ricercatore Universitario	Sapienza Università di Roma

### Part IV – Teaching experience

Year	Institution	Lecture/Course
2008-19	Sapienza Università di Roma	Modulo di Biologia (5 CFU), Corso Integrato di Biologia e Genetica, Corso di Laurea a ciclo unico in Medicina e Chirurgia
2008-17	Sapienza Università di Roma	Modulo di Biologia e Genetica (3 CFU), Corso Integrato “Basi molecolari e cellulari della vita”, Corso di Laurea in Tecniche Ortopediche, Latina
2016-17	Sapienza Università di Roma	Corso di Biologia (3 CFU), Corso di Laurea in Biotecnologie, Sapienza Università di Roma
2017-21	Sapienza Università di Roma	Cell Biology I (6 CFU), Bachelor's Degree in Bioinformatics (English course)
2019-21	Sapienza Università di Roma	Cell Biology II (4 CFU), Bachelor's Degree in Bioinformatics (English course)

#### Compiti gestionali e organizzativi relativi alla didattica:

2008-oggi: Membro del collegio dei docenti del dottorato in Biologia Umana e Genetica (2008-2013) e del Dottorato in Biologia Umana e Genetica Medica (2014-oggi) presso l'Università La Sapienza di Roma

2015-2019: Membro della Commissione Tecnico Pedagogica del Corso di Laurea a ciclo unico in Medicina e Chirurgia (canale B)

2018-oggi: membro della Commissione gestione Assicurazione Qualità del corso di Laurea “Bioinformatics”

2016-oggi: Responsabile dell' Attività Didattica e di Ricerca del Laboratorio (RADRL) R9 e pertinenze (stanza cellule, locali annessi) presso il Dipartimento di Medicina Molecolare, Sapienza Università di Roma.

Ho supervisionato circa 15 studenti durante il tirocinio di tesi e sono stato tutor di 6 dottorandi. Ho supervisionato l'attività di 6 assegnisti di ricerca reclutati su miei finanziamenti per un totale di 9 annualità AdR.

## Part VI - Funding Information [grants as PI-principal investigator or I-investigator]

Year	Title	Program	Grant value
2019-2022	SWI/SNF as a candidate modulator of YAP/TAZ transcriptional activity: implications for tumorigenesis and tissue regeneration	PRIN 2017 – linea B – PI (Coordinatore nazionale e leader dell' unità A)	531.665 Eur, di cui 273.000 Eur per l' unità da me guidata
2020-2022	5mC and 5hmC modification of human microRNAs.	Ateneo 2020 Progetti Medi – PI	10.000
2019-2021	Characterization of the 5mC profile of miRNAs in human cell lines and primary cells from healthy donors and Multiple Sclerosis patients	Ateneo 2018 Progetti Medi – PI	10.000 Eur
2018-2020	The role of AGO2 in telomere maintenance in human cells	Ateneo 2017 Progetti Medi – PI	31.800 Eur
2013-2018	Funzione epigenomica dei complessi AGO2-SWI/SNF in linee cellulari umane	CNR-MIUR Progetto bandiera epigenomica EPIGEN - PI	270.000 Eur

## Part VII – Research Activities

### Esperienze lavorative nell'ambito della ricerca scientifica:

2013-oggi: Dal 2013 sono titolare di finanziamenti autonomi e coordino un gruppo di ricerca come PI. In questo periodo le mie ricerche si sono concentrate sulle funzioni nucleari dei piccoli RNA legati a proteine AGO, e sul ruolo delle proteine AGO nella tumorigenesi. Mi sono inoltre occupato di trascrittomica e metagenomica in collaborazione con il gruppo della Prof Laura Stronati (Sapienza Università di Roma). Attualmente nel mio gruppo lavorano due assegnisti di ricerca e un dottorando.

I progetti attualmente in corso nel mio laboratorio sono:

- Studio di modifiche epitrascrittomiche nei microRNA di mammifero (Finanziato da Sapienza, Università di Roma)
- La regolazione dell' RNA non codificante TERC da parte delle proteine AGO e di piccoli RNA (Finanziato da Sapienza Università di Roma)
- Studio del meccanismo tramite il quale SWI/SNF regola l' attività trascrizionale di YAP/TAZ (finanziato da un PRIN 2017 linea “giovani” di cui sono coordinatore nazionale)

2009-2012. Ricercatore a tempo indeterminato presso l' università di Roma “La Sapienza”. In questo periodo, all' interno del gruppo del Prof Giuseppe Macino, ho focalizzato la mia attenzione sul ruolo dei microRNA nelle leucemie linfoide e nella attivazione dei linfociti T.

2006-2008 Post-doc nel laboratorio del Prof Giuseppe Macino, ho messo a punto uno dei primi approcci per la quantificazione di microRNA tramite qPCR e ho sfruttato questo metodo per caratterizzare il profilo di espressione dei microRNA in Leucemia Linfocitica Cronica.

2002-2005 Durante il Dottorato di Ricerca ho studiato il ruolo della PKC nella trasduzione del segnale luminoso nell' organismo modello *Neurospora crassa*. Inoltre ho trascorso un periodo

presso presso il laboratorio del Prof Thomas Tuschl (Rockefeller University, NY, USA) per apprendere la tecnica del clonaggio e sequenziamento dei microRNA.

### **Collaborazioni:**

Prof Salvatore Cucchiara, Sapienza Università di Roma, Italia. Analisi metagenomica del microbiota intestinale in pazienti pediatrici.

Dr.ssa Tiziana Bonaldi, IEO Milano, Italia. Caratterizzazione tramite spettrometria di massa dei complessi proteici contenenti AGO2.

Prof. Justin Stebbing, Imperial College London, UK. Interazione funzionale tra AGO2 e TP53.

Prof. Nikolaus Rajewsky, MDC, Berlin, Germany. Caratterizzazione di piccoli RNA derivanti da TSS e TTS sRNAs. Caratterizzazione di cellule HeLaS3 AGO2 KO tramite scRNA-seq.

Prof.ssa Daniela Taverna, università di Torino, Italia. Caratterizzazione del ruolo di AGO2 nel mantenimento dei telomeri in cellule umane.

Prof Francesca Zanconato, Università di Padova, Italia. Meccanismo molecolare di regolazione di YAP/TAZ da parte di SWI/SNF

Prof Michele Zampieri, Sapienza Università di Roma, Italy. Studio del profilo della 5mC in microRNA

### **Part VIII – Summary of Scientific Achievements**

<b>Product type</b>	<b>Number</b>	<b>Data Base</b>	<b>Start</b>	<b>End</b>
Papers [international]	31	pubmed	2005	2021
Papers [national]				
Books [scientific]				
Books [teaching]				

Total Impact factor	183.002
Total Citations	4344
Average Citations per Product	140,13
Hirsch (H) index	17
Normalized H index*	1.06

\*H index divided by the academic seniority (time since oldest publication, 2005).

### **Attività in qualità di “reviewer”**

Peer reviewer per varie riviste scientifiche internazionali tra cui: BMC Cancer; FASEB Journal; FEBS Journal; Genes, Chromosomes & Cancer; Journal of Translational Medicine; Oncogene; Scientific Reports; Cell Cycle; International Journal of Molecular Sciences; Cancers; Journal of Advanced Research; Cancer Gene Therapy.

Revisore di progetti di ricerca per: MIUR (SIR 2015); The Innovational Research Incentives Scheme Vici (2019)

### **Congress participation as Invited Speaker:**

- Genetics and Behavior Evolution. At Genetics School in Cortona, Italy. "Neurospora crassa: a Model Organism to Study the Molecular Bases of Chronobiology". 2007.
- 4th international CLL Workshop. Salzburg, Austria. "MicroRNAs in the pathogeny of CLL". 17th may 2008
- Institute for Research in Biomedicine Bellinzona, Switzerland. "The role of miRNAs in lymphocyte Biology". May, 29th 2008.
- MACS Symposium MicroRNA in physiology and disease Bologna, Italy. "miR-21 and miR-146a: regulators of lymphocyte biology". December, 1st 2009
- BIOMARKERS IN RHEUMATOLOGY Rome, Italy "miRNAs in Rheumatoid Arthritis: facts and speculations", December 16-17 2011.
- 1st Workshop microRNAs and Immune System, Desenzano del Garda, Italy. "High-throughput Biochemical Target Investigation Unveils a Novel Function of miR-21 as a Negative Modulator of Signal Transduction in T-lymphocytes" July, 9th-10th 2012
- EPIGEN & BLUEPRINT joint symposium: Exploring the Epigenome in Health and Disease. Rome, Italy. AGO2 and SWI/SNF cooperate to determine nucleosome occupancy at human TSS. October, 1st 2014.
- RNA day 2015: The multi-faceted non coding RNA landscape. Rome, Italy "RNAi components cooperate with SWI/SNF chromatin remodeling complex to determine nucleosome occupancy at human TSS" September, 7-8 2015
- Forum SIGENP Young Researchers, Rome, Italy. Bioinformatics in Biomedical Research. March, 16th 2018

## Part IX– Selected Publications

List of the publications selected for the evaluation. For each publication report title, authors, reference data, journal IF (if applicable), citations, press/media release (if any).

1: De Paolis V, Lorefice E, Orecchini E, Carissimi C, Laudadio I, **Fulci V**. Epitranscriptomics: A New Layer of microRNA Regulation in Cancer. *Cancers (Basel)*. **2021** Jul 5;13(13):3372. **IF: 6.639**

2: Carissimi C, Laudadio I, Lorefice E, Azzalin G, De Paolis V, **Fulci V**. Bisulphite miRNA-seq reveals widespread CpG and non-CpG 5-(hydroxy)methyl-Cytosine in human microRNAs. *RNA Biol*. **2021** Jun 7:1-10. **IF: 4.652**

3: **Fulci V**, Stronati L, Cucchiara S, Laudadio I, Carissimi C. Emerging Roles of Gut Virome in Pediatric Diseases. *Int J Mol Sci*. **2021** Apr 16;22(8):4127. **IF: 5.923** Citations: **1**

4: Laudadio I, Orso F, Azzalin G, Calabrò C, Berardinelli F, Coluzzi E, Gioiosa S, Taverna D, Sgura A, Carissimi C, **Fulci V**. AGO2 promotes telomerase activity and interaction between the telomerase components TERT and TERC. *EMBO Rep*. **2019** Feb;20(2):e45969. **IF: 8.383** Citations: **11**

5: Laudadio I, **Fulci V**, Palone F, Stronati L, Cucchiara S, Carissimi C. Quantitative Assessment of Shotgun Metagenomics and 16S rDNA Amplicon Sequencing in the Study of Human Gut Microbiome. *OMICS*. **2018** Apr;22(4):248-254. **IF: 2.610** Citations: **37**

6: Krell J, Stebbing J, Carissimi C, Dabrowska AF, de Giorgio A, Frampton AE, Harding V, **Fulci V**, Macino G, Colombo T, Castellano L. TP53 regulates miRNA association with AGO2 to remodel

the miRNA-mRNA interaction network. *Genome Res.* **2016** Mar;26(3):331-41. **IF 11.351** Citations: **34**

7: Carissimi C, Laudadio I, Cipolletta E, Gioiosa S, Mihailovich M, Bonaldi T, Macino G, **Fulci V**. ARGONAUTE2 cooperates with SWI/SNF complex to determine nucleosome occupancy at human Transcription Start Sites. *Nucleic Acids Res.* **2015** Feb 18;43(3):1498-512 **IF: 9.202** Citations: **34**

8: Frampton AE, Castellano L, Colombo T, Giovannetti E, Krell J, Jacob J, Pellegrino L, Roca-Alonso L, Funel N, Gall TM, De Giorgio A, Pinho FG, **Fulci V**, Britton DJ, Ahmad R, Habib NA, Coombes RC, Harding V, Knösel T, Stebbing J, Jiao LR. MicroRNAs cooperatively inhibit a network of tumor suppressor genes to promote pancreatic tumor growth and progression. *Gastroenterology.* **2014** Jan;146(1):268-77.e18. **IF: 13.926** citations: **123**

9: Curtale G, Citarella F, Carissimi C, Goldoni M, Carucci N, **Fulci V**, Franceschini D, Meloni F, Barnaba V, Macino G. An emerging player in the adaptive immune response: microRNA-146a is a modulator of IL-2 expression and activation-induced cell death in T lymphocytes. *Blood.* **2010** Jan 14;115(2):265-73. **IF: 10.555** Citations: **236**

10: Landgraf P, Rusu M, Sheridan R, Sewer A, Iovino N, Aravin A, Pfeffer S, Rice A, Kamphorst AO, Landthaler M, Lin C, Socci ND, Hermida L, **Fulci V**, Chiaretti S, Foà R, Schliwka J, Fuchs U, Novosel A, Müller RU, Schermer B, Bissels U, Inman J, Phan Q, Chien M, Weir DB, Choksi R, De Vita G, Frezzetti D, Trompeter HI, Hornung V, Teng G, Hartmann G, Palkovits M, Di Lauro R, Wernet P, Macino G, Rogler CE, Nagle JW, Ju J, Papavasiliou FN, Benzing T, Lichter P, Tam W, Brownstein MJ, Bosio A, Borkhardt A, Russo JJ, Sander C, Zavolan M, Tuschl T. A mammalian microRNA expression atlas based on small RNA library sequencing. *Cell.* **2007** Jun 29;129(7):1401-14. **IF 29.887** Citations: **2752**

11: **Fulci V**, Macino G. Quelling: post-transcriptional gene silencing guided by small RNAs in *Neurospora crassa*. *Curr Opin Microbiol.* **2007** Apr;10(2):199-203. **IF: 7.654** Citations: **75**

12: **Fulci V**, Chiaretti S, Goldoni M, Azzalin G, Carucci N, Tavolaro S, Castellano L, Magrelli A, Citarella F, Messina M, Maggio R, Peragine N, Santangelo S, Mauro FR, Landgraf P, Tuschl T, Weir DB, Chien M, Russo JJ, Ju J, Sheridan R, Sander C, Zavolan M, Guarini A, Foà R, Macino G. Quantitative technologies establish a novel microRNA profile of chronic lymphocytic leukemia. *Blood.* **2007** Jun 1;109(11):4944-51. **IF: 10.896**. Citations: **403**

Roma, 30 luglio 2021