

D biotecnologo DIP. DI MEDICINA CLINICA E MOLECOLARE (1/D BIOTECNOLOGO MEDICO) 13 Dicembre 2021

top/Busta C

Dopo analisi dell'esoma è corretto refertare

Dopo analisi dell'esoma è corretto refertare varianti di significato incerto?			MA
Punteggio di default:			1
Alternative in ordine casuale			Sì
Numerazione delle alternative			a
Visualizza il numero delle risposte esatte dopo che la domanda è stata completata:			No
Penalità per ogni scelta sbagliata:			33.3
Codice identificativo:			
#	Risposte	Feedback	Valutazione
A.	non devono essere refertate tutte le varianti di significato incerto		0
B.	devono essere refertate tutte le varianti di significato incerto		0
C.	devono essere refertate solo le varianti di significato incerto indicati nella lista ACMG SF v.3		0
D.	devono essere refertate le varianti di significato incerto dove successivi approfondimenti permettano di aumentare la classe di patogenicità		100
Feedback generale:			
Per ogni risposta corretta:			
Per ogni risposta errata:			
Per risposte parzialmente esatte:			
Suggerimento 1:			
Visualizza il numero delle risposte esatte (Suggerimento 1):		No	
Pulisci le risposte errate (Suggerimento 1):		No	
Tag:			
Consente l'utilizzo di domande a risposta multipla con una o più risposte esatte. (MC/MA)			

Il formato più diffuso dei file di varianti è

Il formato più diffuso dei file di varianti è il cosiddetto			MA
Punteggio di default:			1
Alternative in ordine casuale:			Sì
Numerazione delle alternative:			a
Visualizza il numero delle risposte esatte dopo che la domanda è stata completata:			No
Penalità per ogni scelta sbagliata:			33.3
Codice identificativo:			
#	Risposte	Feedback	Valutazione
A.	VCF		100
B.	SAM		0
C.	BAM		0
D.	VAF		0
	Feedback generale:		
	Per ogni risposta corretta:		
	Per ogni risposta errata:		
	Per risposte parzialmente esatte:		
	Suggerimento 1:		
	Visualizza il numero delle risposte esatte (Suggerimento 1):	No	
	Pulisci le risposte errate (Suggerimento 1):	No	
	Tag:		
Consente l'utilizzo di domande a risposta multipla con una o più risposte esatte. (MC/MA)			

il nucleo di valutazione ha il compito di val

il nucleo di valutazione ha il compito di valutare			MA
Punteggio di default:			1
Alternative in ordine casuale			Sì
Numerazione delle alternative			a
Visualizza il numero delle risposte esatte dopo che la domanda è stata completata:			No
Penalità per ogni scelta sbagliata:			33.3
Codice identificativo:			
#	Risposte	Feedback	Valutazione
A.	l'attività didattica		0
B.	l'efficienza della gestione		100
C.	i risultati economici della gestione amministrativa		0
D.	i risultati della ricerca rispetto ai finanziamenti ad essa destinati		0
Feedback generale:			
Per ogni risposta corretta:			
Per ogni risposta errata:			
Per risposte parzialmente esatte:			
Suggerimento 1:			
Visualizza il numero delle risposte esatte (Suggerimento 1):		No	
Pulisci le risposte errate (Suggerimento 1):		No	
Tag:			
Consente l'utilizzo di domande a risposta multipla con una o più risposte esatte. (MC/MA)			

Il processo di annotazione

Il processo di annotazione			MA
Punteggio di default:			1
Alternative in ordine casuale			Sì
Numerazione delle alternative			a
Visualizza il numero delle risposte esatte dopo che la domanda è stata completata:			No
Penalità per ogni scelta sbagliata:			33.3
Codice identificativo:			
#	Risposte	Feedback	Valutazione
A.	produce un file.vcf contenente un elenco di varianti di cui viene riportata solo la posizione genomica		0
B.	produce un file contenente un elenco di varianti per le quali vengono fornite informazioni disponibili in diversi database come la frequenza nella popolazione generale o l'impatto sulla funzionalità del prodotto proteico		100
C.	viene svolto solo mediante pipeline bioinformatiche commerciali		0
D.	può essere svolto solo da un bioinformatico specializzato		0
Feedback generale:			
Per ogni risposta corretta:			
Per ogni risposta errata:			
Per risposte parzialmente esatte:			
Suggerimento 1:			
Visualizza il numero delle risposte esatte (Suggerimento 1):		No	
Pulisci le risposte errate (Suggerimento 1):		No	
Tag:			
Consente l'utilizzo di domande a risposta multipla con una o più risposte esatte. (MC/MA)			

La classificazione ACMG per la patogenicità d

La classificazione ACMG per la patogenicità di una variante:		MA	
Punteggio di default:		1	
Alternative in ordine casuale:		Sì	
Numerazione delle alternative:		a	
Visualizza il numero delle risposte esatte dopo che la domanda è stata completata:		No	
Penalità per ogni scelta sbagliata:		33.3	
Codice identificativo:			
#	Risposte	Feedback	Valutazione
A.	attribuisce un peso diverso a diverse informazioni disponibili		0
B.	prende in considerazione anche le evidenze computazionali a supporto di un impatto nocivo della variante sul prodotto del gene		0
C.	non è destinata alla classificazione di varianti in geni candidati emersi da analisi whole-exome o whole-genome, ma solo per geni malattia		0
D.	tutte le affermazioni precedenti sono corrette		100
Feedback generale:			
Per ogni risposta corretta:			
Per ogni risposta errata:			
Per risposte parzialmente esatte:			
Suggerimento 1:			
Visualizza il numero delle risposte esatte (Suggerimento 1):		No	
Pulisci le risposte errate (Suggerimento 1):		No	
Tag:			
<i>Consente l'utilizzo di domande a risposta multipla con una o più risposte esatte. (MC/MA)</i>			

F.to La Commissione

La ricerca della mutazione “causativa” in un

La ricerca della mutazione “causativa” in un esperimento di Next Generation Sequencing:			MA
Punteggio di default:			1
Alternative in ordine casuale:			Sì
Numerazione delle alternative:			a
Visualizza il numero delle risposte esatte dopo che la domanda è stata completata:			No
Penalità per ogni scelta sbagliata:			33.3
Codice identificativo:			
#	Risposte	Feedback	Valutazione
A.	è molto semplice in quanto i software di analisi identificano un basso numero di potenziali mutazioni causative		0
B.	si basa interamente sull'utilizzo di sistemi di predizione dell'effetto dannoso delle mutazioni sul prodotto proteico		0
C.	è possibile solo sequenziando grandi famiglie per le quali è già disponibile un'analisi di linkage che restringa la regione di interesse		0
D.	richiede una serie di step di filtraggio del dato rispetto ai database pubblici e in-house e alla modalità di segregazione della patologia		100
Feedback generale:			
Per ogni risposta corretta:			
Per ogni risposta errata:			
Per risposte parzialmente esatte:			
Suggerimento 1:			
	Visualizza il numero delle risposte esatte (Suggerimento 1):	No	
	Pulisci le risposte errate (Suggerimento 1):	No	
Tag:			
<i>Consente l'utilizzo di domande a risposta multipla con una o più risposte esatte. (MC/MA)</i>			

Le strategie di sequenziamento dell'esoma con

Le strategie di sequenziamento dell'esoma consentono di		MA	
Punteggio di default:		1	
Alternative in ordine casuale		Sì	
Numerazione delle alternative		a	
Visualizza il numero delle risposte esatte dopo che la domanda è stata completata:		No	
Penalità per ogni scelta sbagliata:		33.3	
Codice identificativo:			
#	Risposte	Feedback	Valutazione
A.	identificare geni-malattia		100
B.	identificare geni espressi		0
C.	identificare siti di legame DNA-proteina		0
D.	identificare traslocazioni cromosomiche		0
Feedback generale:			
Per ogni risposta corretta:			
Per ogni risposta errata:			
Per risposte parzialmente esatte:			
Suggerimento 1:			
	Visualizza il numero delle risposte esatte (Suggerimento 1):	No	
	Pulisci le risposte errate (Suggerimento 1):	No	
	Tag:		
Consente l'utilizzo di domande a risposta multipla con una o più risposte esatte. (MC/MA)			

Nell'ambito di analisi di dati di sequenziame

Nell'ambito di analisi di dati di sequenziamento dell'esoma, gli strumenti di prioritizzazione delle varianti:			MA
Punteggio di default:			1
Alternative in ordine casuale:			Sì
Numerazione delle alternative:			a
Visualizza il numero delle risposte esatte dopo che la domanda è stata completata:			No
Penalità per ogni scelta sbagliata:			33.3
Codice identificativo:			
#	Risposte	Feedback	Valutazione
A.	sono utili per la selezione di varianti candidate		100
B.	sono utili per l'allineamento delle sequenze		0
C.	sono utili per la chiamata delle varianti		0
D.	non sono utili		0
Feedback generale:			
Per ogni risposta corretta:			
Per ogni risposta errata:			
Per risposte parzialmente esatte:			
Suggerimento 1:			
Visualizza il numero delle risposte esatte (Suggerimento 1):		No	
Pulisci le risposte errate (Suggerimento 1):		No	
Tag:			
Consente l'utilizzo di domande a risposta multipla con una o più risposte esatte. (MC/MA)			

per abilitazione scientifica si intende

per abilitazione scientifica si intende			MA
Punteggio di default:			1
Alternative in ordine casuale:			Sì
Numerazione delle alternative:			a
Visualizza il numero delle risposte esatte dopo che la domanda è stata completata:			No
Penalità per ogni scelta sbagliata:			33.3
Codice identificativo:			
#	Risposte	Feedback	Valutazione
A.	il possesso di competenze tecniche		0
B.	l'insieme dei titoli scientifici e stato di servizio		0
C.	il possesso di una qualificazione scientifica		100
D.	il possesso di idonee conoscenze, capacità e competenze relative alla disciplina di insegnamento		0
Feedback generale:			
Per ogni risposta corretta:			
Per ogni risposta errata:			
Per risposte parzialmente esatte:			
Suggerimento 1:			
Visualizza il numero delle risposte esatte (Suggerimento 1):		No	
Pulisci le risposte errate (Suggerimento 1):		No	
Tag:			
Consente l'utilizzo di domande a risposta multipla con una o più risposte esatte. (MC/MA)			

Quale variazione del DNA non è facilmente ri

Quale variazione del DNA non è facilmente rilevabile con il sequenziamento?		MA	
Punteggio di default:		1	
Alternative in ordine casuale:		Sì	
Numerazione delle alternative:		a	
Visualizza il numero delle risposte esatte dopo che la domanda è stata completata:		No	
Penalità per ogni scelta sbagliata:		33.3	
Codice identificativo:			
#	Risposte	Feedback	Valutazione
A.	CNV		100
B.	indel		0
C.	transizione		0
D.	trasversione		0
Feedback generale:			
Per ogni risposta corretta:			
Per ogni risposta errata:			
Per risposte parzialmente esatte:			
Suggerimento 1:			
Visualizza il numero delle risposte esatte (Suggerimento 1):		No	
Pulisci le risposte errate (Suggerimento 1):		No	
Tag:			
Consente l'utilizzo di domande a risposta multipla con una o più risposte esatte. (MC/MA)			