

## VERBALE N. 2 - ALLEGATO B

**PROCEDURA SELETTIVA DI CHIAMATA PER N. 1 POSTO DI RICERCATORE A TEMPO DETERMINATO DI TIPOLOGIA B PER IL SETTORE CONCORSUALE 05/E2 - SETTORE SCIENTIFICO-DISCIPLINARE BIO/11 - PRESSO IL DIPARTIMENTO DI BIOLOGIA E BIOTECNOLOGIE "CHARLES DARWIN" DELL'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI ROMA "LA SAPIENZA" BANDITA CON D.R. N. 698/2022 DEL 04.03.2022**

TITOLI E PUBBLICAZIONI VALUTABILI

**CANDIDATO: Ivano Legnini**

**VERIFICA TITOLI VALUTABILI:**

**presa d'atto dei titoli:**

1. Dottorato di ricerca  
VALUTABILE
  
2. Attività di formazione o di ricerca presso qualificati istituti italiani o stranieri
  - Assegno di ricerca presso Università di Roma (2016-2017)
  - Ricercatore post-doc presso il Max Delbrück Center for Molecular Medicine di Berlino (2017-ad oggi)VALUTABILI
  
3. Attività didattica a livello universitario in Italia e/o all'estero
  - Seminari su "Model systems in biology: cell culture and manipulations" – Scuola Superiore di Studi Avanzati, Università Sapienza.
  - Seminari su "Computational approaches for molecular biology", Master in Biophysics e Laurea Magistrale in Genetics and Molecular Biology, Università SapienzaVALUTABILI
  
4. Premi e riconoscimenti nazionali e internazionali per attività di ricerca
  - Abilitazione a Professore di seconda fascia in Bio-11
  - Long term EMBO fellowship
  - Chiara D'Onofrio giovani award
  - Laureate of the year award – Università Sapienza
  - EMBO short term fellowship
  - Giovanni Armenise Harvard Foundation fellowshipVALUTABILI
  
5. Attività progettuale e partecipazioni ad attività di ricerca di progetti internazionali
  - Grant "Avvio alla ricerca" (starter grant for undergraduate students), Università Sapienza
  - BMBF Erforschung von Covid-19 im Zuge des Ausbruchs von Sars-CoV-2.
  - ERC FP7
  - HFSP Human Frontiers Science Project
  - TelethonVALUTABILI

## VERIFICA PUBBLICAZIONI VALUTABILI

### CONSISTENZA COMPLESSIVA DELLA PRODUZIONE SCIENTIFICA:

Il candidato presenta una produzione complessiva pari a N. 15 pubblicazioni

1. **Legnini, I.**, Alles, J., Karaiskos, N., Ayoub, S., Rajewsky, N. FLAM-seq: full-length mRNA sequencing reveals principles of poly(A) tail length control. (2019). *Nature Methods* **16**, pp. 879–886. DOI: 10.1038/s41592-019-0503-y. **Cited 37 times. Journal IF:30.822**
2. **Legnini, I.**, Di Tomoteo, G Rossi, F., Morlando, M., Briganti, F., Sthandier, O., Fatica, A., Santini, T., Andronache, A., Wade, M., Laneve, P., Rajewsky, N., Bozzoni, I. Circ-ZNF609 Is a Circular RNA that Can Be Translated and Functions in Myogenesis (2017) *Molecular Cell*, **66** (1), pp. 22-37.e9. DOI: 10.1016/j.molcel.2017.02.017. **Cited 1080 times. Journal IF: 14.248**
3. **Legnini, I.**, Morlando, M., Mangiavacchi, A., Fatica, A., Bozzoni, I. A Feedforward Regulatory Loop between HuR and the Long Noncoding RNA linc-MD1 Controls Early Phases of Myogenesis (2014) *Molecular Cell*, **53** (3), pp. 506 - 514. DOI:10.1016/j.molcel.2013.12.012. **Cited 164 times. Journal IF: 14.018**
4. Rossi, F., **Legnini, I.**, Megiorni, F., Colantoni, A., Santini, T., Morlando, M., Di Timoteo, G., Dattilo, D., Dominici, C., Bozzoni, I. Circ-ZNF609 regulates G1-S progression in rhabdomyosarcoma (2019) *Oncogene*, **38** (20), pp. 3843-3854. DOI: 10.1038/s41388-019-0699-4. **Cited 54 times. Journal IF: 7.971**
5. Errichelli, L., Dini Modigliani, S., Laneve, P., Colantoni, A., **Legnini, I.**, Capauto, D., Rosa, A., De Santis, R., Scarfò, R., Peruzzi, G., Lu, L., Caffarelli, E., Shneider, N.A., Morlando, M., Bozzoni, I. FUS affects circular RNA expression in murine embryonic stem cell-derived motor neurons (2017) *Nature Communications*, **8**, art. no. 14741, DOI: 10.1038/ncomms14741. **Cited 232 times. Journal IF: 12.353**
6. Wyler, E., Mösbauer, K., Franke, V., Diag, A., Gottula, L.T., Arsiè, R., Klironomos, F., Koppstein, D., Hönzke, K., Ayoub, S., Buccitelli, C., Hoffmann, K., Richter, A., **Legnini, I.**, Ivanov, A., Mari, T., Del Giudice, S., Papiès, J., Praktiknjo, S., Meyer, T.F., Müller, M.A., Niemeyer, D., Hocke, A., Selbach, M., Akalin, A., Rajewsky, N., Drosten, C., Landthaler, M.  
Transcriptomic profiling of SARS-CoV-2 infected human cell lines identifies HSP90 as target for COVID-19 therapy (2021) *iScience*, **24** (3), art. no. 102151, DOI: 10.1016/j.isci.2021.102151. **Cited 42 times, Journal IF: 5.458**
7. Martone, J., Briganti, F., **Legnini, I.**, Morlando, M., Picillo, E., Sthandier, O., Politano, L., Bozzoni, I. The lack of the Celf2a splicing factor converts a Duchenne genotype into a Becker phenotype (2016) *Nature Communications*, **7**, art. no. 10488, DOI: 10.1038/ncomms10488. **Cited 17 times. Journal IF: 12.124**
8. Gomes-Duarte, A., Venø, M.T., de Wit, M., Senthilkumar, K., Broekhoven, M.H., van den Herik, J., Heeres, F.R., van Rossum, D., Rybiczka-Tesulov, M., **Legnini, I.**, van Rijen, P.C., van Eijsden, P., Gosselaar, P.H., Rajewsky, N., Kijms, J., Vangoor, V.R., Pasterkamp, R.J.

Expression of Circ\_Satb1 Is Decreased in Mesial Temporal Lobe Epilepsy and Regulates Dendritic Spine Morphology (2022) *Frontiers in Molecular Neuroscience*, 15, art. no. 832133, DOI: 10.3389/fnmol.2022.832133. **Cited 0 times. Journal IF: 5.639**

9. Gasparini, S., Del Vecchio, G., Gioiosa, S., Flati, T., Castrignano, T., **Legnini, I.**, Licursi, V., Ricceri, L., Scattoni, M.L., Rinaldi, A., Presutti, C., Mannironi, C. Differential Expression of Hippocampal Circular RNAs in the BTBR Mouse Model for Autism Spectrum Disorder (2020) *Molecular Neurobiology*, 57 (5), pp. 2301-2313. DOI: 10.1007/s12035-020-01878-6. **Cited 3 times. Journal IF: 5.590**
10. Petrucci, G., Caputo, D., Lovecchio, N., Costantini, F., **Legnini, I.**, Bozzoni, I., Nascetti, A., de Cesare, G. Multifunctional System-on-Glass for Lab-on-Chip applications (2017) *Biosensors and Bioelectronics*, 93, pp. 315-321. DOI: 10.1016/j.bios.2016.08.060. **Cited 25 times. Journal IF: 8.173**
11. Twayana, S., **Legnini, I.**, Cesana, M., Cacchiarelli, D., Morlando, M., Bozzoni, I. Biogenesis and function of non-coding RNAs in muscle differentiation and in Duchenne muscular dystrophy (2013) *Biochemical Society Transactions*, 41 (4), pp. 844-849. DOI: 10.1042/BST20120353. **Cited 30 times. Journal IF: 3.238**
12. Laneve, P., Po, A., Favia, A., **Legnini, I.**, Alfano, V., Rea, J., Di Carlo, V., Bevilacqua, V., Miele, E., Mastronuzzi, A., Carai, A., Locatelli, F., Bozzoni, I., Ferretti, E., Caffarelli, E. The long noncoding RNA linc-NeD125 controls the expression of medulloblastoma driver genes by microRNA sponge activity (2017) *Oncotarget*, 8 (19), pp. 31003-31015. DOI: 10.18632/oncotarget.16049. **Cited 31 times. Journal IF: 5.168**
13. Mangiavacchi, A., Sorci, M., Masciarelli, S., Larivera, S., **Legnini, I.**, Iosue, I., Bozzoni, I., Fazi, F., Fatica, A. The miR-223 host non-coding transcript linc-223 induces IRF4 expression in acute myeloid leukemia by acting as a competing endogenous RNA (2016) *Oncotarget*, 7 (37), pp. 60155-60168. DOI: 10.18632/oncotarget.11165. **Cited 28 times. Journal IF: 5.168**
14. Hughes, J.M., **Legnini, I.**, Salvatori, B., Masciarelli, S., Marchioni, M., Fazi, F., Morlando, M., Bozzoni, I., Fatica, A. C/EBP $\alpha$ -p30 protein induces expression of the oncogenic long non-coding RNA UCA1 in acute myeloid leukemia (2015) *Oncotarget*, 6 (21), pp. 18534-18544. DOI: 10.18632/oncotarget.4069. **Cited 61 times. Journal IF: 5.008**
15. Voellenkle, C., Perfetti, A., Carrara, M., Fuschi, P., Renna, L.V., Longo, M., Sain, S.B., Cardani, R., Valaperta, R., Silvestri, G., **Legnini, I.**, Bozzoni, I., Furling, D., Gaetano, C., Falcone, G., Meola, G., Martelli, F. Dysregulation of circular RNAs in myotonic dystrophy type 1. (2019) *International Journal of Molecular Sciences*, 20 (8), art. no. 1938, DOI: 10.3390/ijms20081938. **Cited 18 times. Journal IF: 4.556**

Tutte le pubblicazioni presentate dal candidato sono ritenute VALUTABILI

## **CANDIDATA: Luana Licata**

### **VERIFICA TITOLI VALUTABILI:**

#### **presa d'atto dei titoli:**

1. Dottorato di ricerca  
VALUTABILE
2. Attività di formazione o di ricerca presso qualificati istituti italiani o stranieri
  - Attività di ricerca post dottorato Università "Tor Vergata (2006-2007)
  - Assegno di Ricerca Università "Tor Vergata" (01/2008-04/2012)
  - Assegno di Ricerca Università "Tor Vergata" (04/2012-09/2015)
  - Assegno di Ricerca Università "Tor Vergata" (09/2015-09/2018)
  - Ricercatore a tempo determinato (RTDA), Università "Tor Vergata" (02/2019-02/2022).
  - Fondazione Human technopole Senior project coordinator (Dal 19/02/2022)
  - Attività consulenza per Reithera
  - Attività di consulenza per la FAOVALUTABILI
3. Attività didattica a livello universitario in Italia e/o all'estero
  - Lezioni per SNS Pisa
  - Corso "Strumenti bioinformatici" per lo studio e l'analisi dei "Big Data" biologici per il Corso di Laurea Magistrale in Biologia Cellulare e Molecolare, Università di Tor Vergata (2 CFU)
  - Supporto alla didattica per corsi di laurea triennale e magistrale presso l'Università di Tor Vergata.VALUTABILI
4. Premi e riconoscimenti nazionali e internazionali per attività di ricerca
  - Abilitazione a Professore di seconda fascia in Bio-11 e Bio-18
  - Membro della International Society for Biocuration (ISB)
  - Socio ordinario della Società Italiana di Bioinformatica (BITS)VALUTABILI
5. Attività progettuale e partecipazioni ad attività di ricerca di progetti internazionali
  - Partecipazione a diversi progetti ELIXIR, come ELIXIR Europa - ELIXIR-IIB in ELIXIR Rare Diseases
  - ELIXIR Data Platform (ELIXIR Implementation study Plan 2018-FAIRCDR)
  - Gestione, annotazione e reti di interazione di banche dati MINT e SIGNOR
  - Vari progetti su Data Integration, Scalable Curation, Community and Data Management network engagement
  - "Oncodiet Project", MIURVALUTABILI
6. Relatore a congressi e convegni nazionali e internazionali
  - MINT and SIGNOR: a collaborative meeting. Fondazione Human Technopole,
  - BITS
  - GREEKC workshop,
  - 2021 UniProt Strategic Partners Meeting,
  - BioNetVisA workshop
  - Gene Regulation Knowledge Commons, GREEKC COST Action workshop (2019 e 2020)
  - ELIXIR Rare Diseases Service Bundles

- Workshop annuale organizzato dal Gruppo SIB, Biologia Computazionale e di Sistema, Bologna
  - Bridging the gap meeting UCL, London
  - HUPO-PSI Spring Meeting 2018, Heidelberg, Germany Heidelberg, Germany.
  - Curation workshop on molecular and causal interactions, (Cnr), Roma.
  - Methods, tools & platforms for Personalized Medicine in the Big Data Era, NETTAB 2017 Workshop, Palermo.
  - HUPO-PSI Spring Meeting, Pechino, Cina.
  - Setting the stage for the Gene Regulation Knowledge Commons, GREEKC Malta workshop, Malta.
  - HUPO-PSI Spring Meeting, (2011, 2015, 2016)
  - Simposio di Neuroscienze "Alessandro Cestelli", V edizione.
- VALUTABILI

#### VERIFICA PUBBLICAZIONI VALUTABILI

#### CONSISTENZA COMPLESSIVA DELLA PRODUZIONE SCIENTIFICA:

La candidata presenta una produzione complessiva pari a N. 20 pubblicazioni

1. Saha D., Iannuccelli M., Brun C., Zanzoni A. and **Licata L.** The intricacy of the viral-human protein interaction networks: resources, data and analyses. Editore: Frontiers in Microbiology, 21 April 2022, Volume 13. Riprodotta per intero e composta di n 9 fogli (IF: 5.640; citazioni Scopus: 0)
2. Del Toro N, Shrivastava A, Ragueneau E, Meldal B, Combe C, Barrera E, Perfetto L, How K, Ratan P, Shirodkar G, Lu O, M.sz.ros B, Watkins X, Pundir S, Licata L, Iannuccelli M, Pellegrini M, Martin MJ, Panni S, Duesbury M, Vallet SD, Rappsilber J, Ricard-Blum S, Cesareni G, Salwinski L, Orchard S, Porras P, Panneerselvam K, Hermjakob H. The IntAct database: efficient access to fine-grained molecular interaction data. Editore: Nucleic Acids Res. 2022 Jan 7;50(D1): D648-D653. Riprodotta per intero/estratto da pag. 648 a pag. 653 e composta di n 6 fogli. (IF: 16,971; citazioni Scopus: 3)
3. Kuiper M., Bonello J., Fernandez-Breis J.T., Bucher P., Futschik M.E., Gaudet P., Kulakovskiy I.V., Licata L., Logie C., Lovering R.C., Makeev V.J., Orchard S., Panni S., Perfetto L., Sant D., Schulz S., Vercruyse S., Zerbino D.R., Lgreid A. The gene regulation knowledge commons: the action area of GREEKC. Editore: Biochimica et Biophysica Acta - Gene Regulatory Mechanisms, 2022 1865(1),194768. Riprodotta per intero e composta di n 9 fogli. (IF: 4,490; citazioni Scopus: 0)
4. Ostaszewski M, et al. COVID-19 Disease Map Community. COVID19 Disease Map, a computational knowledge repository of virus–host interaction mechanisms. Editore: Molecular Systems Biology, 2021, 17(10), e10387.2021 34664389 (IF: 11,4; citazioni Scopus: 7)
5. Perfetto L, Micarelli E, Iannuccelli M, Lo Surdo P, Giuliani G, Latini S, Pugliese GM, Massacci G, Vumbaca S, Riccio F, Fuoco C, Paoluzi S, Castagnoli L, Cesareni G, **Licata L**, Sacco F. A Resource for the Network Representation of Cell Perturbations Caused by SARS-CoV-2 Infection. Editore: Genes (Basel), 12(3), 22 Mar 2021. Riprodotta per intero e composta di n 11 fogli. (IF: 4,096; citazioni Scopus: 1)
6. Palma A, Iannuccelli M, Rozzo I, **Licata L**, Perfetto L, Massacci G, Castagnoli L, Cesareni G, Sacco F. Integrating Patient. Specific Information into Logic Models of Complex Diseases: Application to Acute Myeloid Leukemia. Editore: J Pers Med, 11(2), 10 Feb. 2021. (IF:4,495; citazioni Scopus: 4)
7. Leeming MG, O'Callaghan S, **Licata L**, Iannuccelli M, Surdo PL, Micarelli E, Ang CS, Nie

- S, Varshney S, Ameen S, Cheng HC, Williamson NA. Phosphomatics: Interactive interrogation of substrate-kinase networks in global phosphoproteomics datasets. *Edito da: Bioinformatics (Oxford, England)*, 37(11), 2021. (IF: 6,937; citazioni Scopus: 0)
8. Porras P, Barrera E, Bridge A, Del-Toro N, Cesareni G, Duesbury M, Hermjakob H, Iannuccelli M, Jurisica I, Kotlyar M, **Licata L**, Lovering RC, Lynn DJ, Meldal B, Nanduri B, Paneerselvam K, Panni S, Pastrello C, Pellegrini M, Perfetto I, Rahimzadeh N, Ratan P, Ricard-Blum S, Salwinski L, Shirodkar L, Shrivastava A, Orchard S. Towards a unified open access dataset of molecular interactions. *Nature Communications*, 11(1):6144, 01 Dec 2020. (IF: 14,919; citazioni Scopus: 20)
  9. Perfetto L, Pastrello C, Del-Toro N, Duesbury M, Iannuccelli M, Kotlyar M, **Licata L**, Meldal B, Panneerselvam K, Panni S, Rahimzadeh N, Ricard-Blum S, Salwinski L, Shrivastava A, Cesareni G, Pellegrini M, Orchard S, Jurisica I, Hermjakob H, Porras P. The IMEx coronavirus interactome: an evolving map of Coronaviridae-host molecular interactions. *Database (Oxford)*, 01 Jan 2020. (IF: 3,451; citazioni Scopus:17)
  10. **Licata L**, Lo Surdo P, Iannuccelli M, Palma A, Micarelli E, Perfetto L, Castagnoli L, Cesareni G. SIGNOR 2.0, the SIGNaling Network Open Resource 2.0: 2019 update. *Edito da: Nucleic Acids Research*, 48(D1), 2020. (IF:16,971; citazioni Scopus:73)
  11. Iannuccelli M, Micarelli E, Surdo PL, Palma A, Perfetto L, Rozzo I, Castagnoli L, **Licata L**, Cesareni G, Titolo: CancerGeneNet: linking driver genes to cancer hallmarks. *Edito da: Nucleic Acids Research*, 48(D1), 2020. (IF: 16,971; citazioni Scopus: 11).
  12. IMEx Consortium Curators, Del-Toro N, Duesbury M, Koch M, Koch M, Perfetto L, Shrivastava A, Ochoa D, Wagih O, Pi.ero J, Kotlyar M, Pastrello C, Beltrao P, Furlong LI, Jurisica I, Hermjakob H, Hermjakob H, Orchard S, Porras P. Capturing variation impact on molecular interactions in the IMEx Consortium mutations data set. *Nature Communications*, 10(1), 10. IF: 12,121; citazioni Scopus: 30
  13. Perfetto L, Acencio ML, Bradley G, Cesareni G, Del Toro N, Fazekas D, Hermjakob H, Korcsmaros T, Kuiper M, L.greid A, Lo Surdo P, Lovering RC, Orchard S, Porras P, Thomas PD, Tour. V, Zobolas J, **Licata L**. CausalTAB: the PSI-MITAB 2.8 updated format for signalling data representation and dissemination. *Bioinformatics*, 2019, 35(19). (IF:5,610; citazioni Scopus: 13)
  14. Palma A, Cerquone Perpetuini A, Ferrentino F, Fuoco C, Gargioli C, Giuliani G, Iannuccelli M, **Licata L**, Micarelli E, Paoluzi S, Perfetto L, Petrilli LL, Reggio A, Rosina M, Sacco F, Vumbaca S, Zuccotti A, Castagnoli L, Cesareni G. Myo-REG: A Portal for Signaling Interactions in Muscle Regeneration. *Frontiers in Physiology*, 2019, 10(SEP), 121. (IF: 3.367; citazioni Scopus: 5)
  15. Lo Surdo P, Calderone A, Iannuccelli M, **Licata L**, Peluso D, Castagnoli L, Cesareni G, Perfetto L. Titolo: DISNOR: a disease network open resource. *Nucleic Acids Res.* 2018, 46(D1). (IF:11,147; citazioni Scopus: 20)
  16. Ison J, et al. Tools and data services registry: a community effort to document bioinformatics resources. *Nucleic Acids Research*, 2016, 44(D1). (IF: 10,162;citazioni Scopus: 81)
  17. Perfetto L, Briganti L, Calderone A, Cerquone Perpetuini A, Iannuccelli M, Langone F, **Licata L**, Marinkovic M, Mattioni A, Pavlidou T, Peluso D, Petrilli LL, Pirr. S, Posca D, Santonico E, Silvestri A, Spada F, Castagnoli L, Cesareni G. SIGNOR: a database of causal relationships between biological entities. *Nucleic Acids Research*, 2016, 44(D1). (IF:10,162; citazioni Scopus: 138)

18. Meldal BH, Forner-Martinez O, Costanzo MC, Dana J, Demeter J, Dumousseau M, Dwight SS, Gaulton A, **Licata L**, Melidoni AN, Ricard-Blum S, Roechert B, Skyzypek MS, Tiwari M, Velankar S, Wong ED, Hermjakob H, Orchard S. The complex portal—an encyclopaedia of macromolecular complexes. *Nucleic Acids Research*, 2015, 43(D1). (IF:9,202; citazioni Scopus: 56)
19. Calderone A, **Licata L**, Cesareni G. Virus Mentha: a new resource for virus-host protein interactions. *Nucleic Acids Res.* 2015, 43(D1) (IF:9,202; citazioni Scopus: 87)
20. Orchard S. et al. The MIntAct project—IntAct as a common curation platform for 11 molecular interaction databases. *Nucleic Acids Res.* 2014, 42(D1). (IF: 9,112; citazioni Scopus: 1017).

Tutte le pubblicazioni presentate dalla candidata sono ritenute VALUTABILI

### **CANDIDATA: Daniela Palacios Garcia**

#### VERIFICA TITOLI VALUTABILI:

##### **presa d'atto dei titoli:**

1. Dottorato di ricerca  
VALUTABILE
2. Attività di formazione o di ricerca presso qualificati istituti italiani o stranieri
  - Post-doc presso Instituto de Investigaciones Biomedicas, CSIC, Madrid, Spain (9 mesi, 2004)
  - Post-doc presso Dulbecco Telethon Institute (2005-2012)
  - Visiting scientist presso Sanford Burnham, La Jolla, CA, USA (3 mesi, 2007)
  - Ricercatore presso IRCCS Fondazione Santa Lucia, Rome, Italy (2013-2020)
  - RTD-A (BIO-13) Università Cattolica del Sacro Cuore  
VALUTABILI
3. Attività didattica a livello universitario in Italia e/o all'estero
  - Pharmaceutical Biology, Università Cattolica del Sacro Cuore (2 CFU)
  - Experimental Biology, Università Cattolica del Sacro Cuore (4 CFU)
  - Stem Cell Isolation and Characterization, Università Cattolica del Sacro Cuore (1.5 CFU)
  - Stem Cell Isolation and Culture, Cosmetology Degree, 2 CFU
  - Laboratory of Experimental Biology, Medicine & Surgery Degree
  - Laboratory of Experimental Biology, Medicine and Surgery Degree (International English Program)
  - Teacher in the Master in Complex Actions - Sissa
  - Tecniche di ricerca basica ed applicata nell'ambito delle scienze biomediche, CSIC, Madrid, Spain
  - Corso sulle Tecnologie Emergenti per la Genomica Funzionale, CNR
  - Partecipazioni a 4 commissioni di PhD  
VALUTABILI
4. Premi e riconoscimenti nazionali e internazionali per attività di ricerca
  - Abilitazione a Professore di seconda fascia in 05/E2 e 05/F1
  - Member of the Cancer Epigenetics Society
  - COST action member: Delivery of Antisense RNA Therapeutics (DARTER)
  - Member of the European Paediatric Soft Tissue Sarcoma Group (EpSSG)
  - Faculty of 1000 top 2% most relevant papers in Biology and Medicine
  - 2000 Serono Prize in Endocrinology and Nutrition

## VALUTABILI

5. Attività progettuale e partecipazioni ad attività di ricerca di progetti internazionali
  - French Association Against Myopathies, AFM-Ignition.
  - Eranet-Euronanomed Joint Call 2016
  - Italian Ministry of Health (Young Researchers).
  - Italian Association for Cancer Research (AIRC)
  - Worldwide Cancer Research (WWCR)
  - French Association Against Myopathies, AFM
  - Italian Ministry of Foreign Affairs (Italy-Israel collaborative projects).
  
6. Relatore a congressi e convegni nazionali e internazionali
  - Virtual Rhabdomyosarcoma Early Investigators Retreat, 2020.
  - Frontiers in myogenesis meeting, San José, Costa Rica.
  - Euronanomed report meeting 2019. Bratislava.
  - IDIBELL, Barcelona, Spain.
  - Barcelona Conference of Epigenetics and Cancer (BCEC), Barcelona, Spain.
  - Manchester University, Manchester, UK.
  - Weizmann Institute, Rehovot, Israel.
  - Integer meeting. Athens, Greece.
  - 1st Myograd Summer School, Berlin, Germany (workshop).
  - 3rd SIBBM National Seminar.

## VALUTABILI

### VERIFICA PUBBLICAZIONI VALUTABILI

#### CONSISTENZA COMPLESSIVA DELLA PRODUZIONE SCIENTIFICA:

Il candidato presenta una produzione complessiva pari a N. 16 pubblicazioni

1. Catale C, Lo Iacono L, Martini A, Heil C, Guatteo E, Mercuri NB, Viscomi MT, **Palacios D.**, Carola V. Early life social stress causes sex- and region-dependent dopaminergic changes that are prevented by minocycline. *Molecular Neurobiology* 2022 Apr. 18 (DOI: 10.1007/s12035-022-02830-6). Equal senior author. **IF: 5.59; Citations: 0.**
2. Bisicchia E, Mastrantonio R, Nobili A, Palazzo C, La Barbera L, Latini L, Millozzi F, Sasso V, **Palacios D**, D'Amelio M, and Viscomi MT. Restoration of ER proteostasis attenuates remote apoptotic cell death after spinal cord injury by reducing autophagosome overload. *Cell Death and Disease* 2022 13(4), 381. (DOI:10.1038/s41419-022-04830-9). **IF: 8.469; Citations: 0.**
3. Colapicchioni V, Millozzi F, Parolini O, **Palacios D.** Nanomedicine, a valuable tool for skeletal muscle disorders: challenges, promises and limitations. *Wiley Interdiscip Rev Nanomed Nanobiotechnol*, 2022 Jan 29;e1777. (DOI: 10.1002/wnan.1777). **IF: 9.182; Citations: 0.**
4. Di Pietro L, Barba M, **Palacios D**, Tiberio F, Prampolini C, Baranzini M, Parolini O, Arcovito A, Lattanzi W. Shaping modern human skull through epigenetic, transcriptional and post-transcriptional regulation of the RUNX2 master bone gene. *Scientific Reports*, 2021 11 (1) 1-15. (DOI: 10.1038/s41598-021-00511-3). **IF: 4.380; Citations: 0.**
5. Catale C, Bussone S, Lo Iacono L, Viscomi MT, Palacios D, Troisi A, Carola V. (2020). Exposure to different early-life stress experiences results in differentially altered DNA methylation in the brain and immune system. *Neurobiol Stress*, 2020 Sep 2;13:100249. (DOI: 10.1016/j.ynstr.2020.100249). **IF: 5.441; Citations: 8.**



6. Pigna E, Simonazzi E, Sanna K, Bernadzki KM, Proszynski T, Heil C, **Palacios D**, Adamo S, Moresi V. Histone deacetylase 4 protects from denervation and skeletal muscle atrophy in a murine model of amyotrophic lateral sclerosis. *Ebiomed*, 2019 Feb;40:717-732. (DOI: 10.1016/j.ebiom.2019.01.038). **IF: 5.736; Citations: 22.**
  7. Marroncelli N, Bianchi M, Berti M, Consalvi S, Saccone V, De Bardi M, Puri PL, **Palacios D**, Adamo S, Moresi V. HDAC4 regulates satellite cells proliferation and differentiation by targeting p21 and Sharp1 genes. *Scientific Reports*, 2018 8(1):3448. (DOI: 10.1038/s41598-018-21835-7). **IF: 4.011; Citations: 23.**
  8. Consalvi S, Brancaccio A, Dall'Agnese A, Puri PL and **Palacios D**. Praja1 E3 ubiquitin ligase promotes skeletal myogenesis through degradation of EZH2 upon p38a activation. *Nat Communications*, 2017 7,13956. (DOI: 10.1038/ncomms13956). **IF: 12.353; Citations: 32.**
  9. Cesarini E, Mozzetta C, Marullo F, Gregoretti F, Gargiulo A, Columbaro M, Cortesi A, Antonelli L, Di Pelino S, Squarzone S, **Palacios D**, Zippo A, Bodega B, Oliva G and Lanzuolo C. Lamin A/C sustains Polycomb protein architecture maintaining transcriptional repression at target genes. *J Cell Biol*, 2015 Nov 9;211(3):533-51. (DOI: 10.1083/jcb.201504035). **IF: 8.717; Citations: 69.**
  10. Brancaccio A and **Palacios D**. Chromatin signalling in muscle stem cells: interpreting the regenerative microenvironment. *Frontiers in Aging Neurosciences*, 2015 Apr 7;7:36. (DOI: 10.3389/fnagi.2015.00036). **IF: 4.348; Citations: 10.**
  11. Ciarapica R, De Salvo M, Carcarino E, Bracaglia G, Adesso L, Leoncini P, Dall'Agnese A, Walters ZS, Verginelli F, De Sio L, Boldrini R, Inserra A, Bisogno G, Rosolen A, Alaggio R, Ferrari A, Collini P, Locatelli M, Stifani S, Screpanti I, Rutella S, Yu Q, Marquez VE, Shipley J, Valente S, Mai A, Miele L, Puri PL, Locatelli F, **Palacios D**. and Rota R. The Polycomb group (PcG) protein EZH2 supports the survival of PAX3-FOXO1 alveolar rhabdomyosarcoma by repressing FBXO32 (Atrogin1/MAFbx). *Oncogene*, 2014 Aug 7;33(32):4173-84. (DOI: 10.1038/onc.2013.471). \* Corresponding author. **IF: 8.459; Citations: 54.**
  12. Ciarapica R, Carcarino E, Bracaglia G, De Salvo M, Leoncini P, Dall'Agnese A, Walters ZS, Verginelli F, Boldrini R, Inserra A, Stifani S, Screpanti I, Marquez VE, Shipley J, Valente S, Mai A, Puri PL, Locatelli F, **Palacios D**. and Rota R (2014). Pharmacological inhibition of EZH2 as a promising differentiation therapy in embryonal RMS. *BMC Cancer*, 2014 Feb 27;14:1(DOI: 10.1186/1471-2407-14-139). **IF: 3.362; Citations:47.**
  13. **Palacios D** Epigenetics and Regeneration: an overview. Book chapter, *Epigenetics and Regeneration*, 2019, edited by Elsevier. ISBN: 9780128148792. **IF: N.A; Citations: 0**
  14. **Palacios D**. and Viscomi MT\* (2019). The intrinsic role of epigenetics in axonal regeneration. Book chapter, *Epigenetics and Regeneration*, 2019, edited by Elsevier. ISBN: 9780128148792. \* Corresponding author. **IF: N.A; Citations: 0**
  15. **Palacios D**. The dynamics of Polycomb proteins. Book chapter, *Polycomb group proteins: Methods and protocols*, 2016, edited by Springer. ISBN: 978-1-4939-6378-2; 139-142. **IF: N.A; Citations: 0**
  16. Heil C and **Palacios D**. Epigenetics and regenerative medicine: neural and skeletal muscle perspectives. Book chapter, *Medical Epigenetics*, 2016 edited by Elsevier. ISBN: 978-0-1280-3239-8; 859-876. **IF: N.A; Citations: 1**
- Tutte le pubblicazioni presentate dalla candidata sono ritenute VALUTABILI

**CANDIDATO: Domenico Sanfelice**

VERIFICA TITOLI VALUTABILI:

**presa d'atto dei titoli:**

1. Dottorato di ricerca  
VALUTABILE
  
2. Attività di formazione o di ricerca presso qualificati istituti italiani o stranieri
  - Research Assistant Università di Napoli 'Federico II' (2007-2009)
  - Post-Doctoral Researcher European Molecular Biology Laboratory, Heidelberg (2009-2010)
  - Senior Postdoc - MRC National Institute for Medical Research, London (2011-2016)
  - Senior Research Associate, University College of London (2016-2018)
  - Project Coordinator and Chemical Biology Curator, Institute of Cancer Research, Sutton (2019-ad oggi)VALUTABILI
  
3. Attività didattica a livello universitario in Italia e/o all'estero
  - Bioinformatics course for postgraduate and graduate students: "NMR techniques in DrugDiscovery", "ICR, London
  - Seminario "protein biophysics", Applied Biochemistry module, Department of Chimica e Tecnologia Farmaceutica, Università di Torino,
  - Enzymology practical, Metabolism Module, Biochemistry, KCL, London
  - Marking activity, Metabolism Module, Biochemistry, KCL, London
  - Seminari su " Protein NMR", Dipartimento di Chimica, Università di Napoli Federico II
  - Tutor of Numeracy, School of Medicine, KCL, London, Class of 10 first year Medicine students
  - Teaching Assistant. Practical classes of various subjects in the first-year curriculum of Biomedical, Dental and Medical students at KCL, London.
  - Supervision of MRes Student, UCL, London (student Dipesh Balshod)
  - Supervision of PhD Students, NIMR and KCL, LondonVALUTABILI
  
4. Attività progettuale e partecipazioni ad attività di ricerca di progetti internazionali
  - Management of the data abstraction project to provide bioactivities for canSAR database.VALUTABILE
  
5. Premi e riconoscimenti nazionali e internazionali per attività di ricerca
  - Abilitazione a Professore di seconda fascia in 05/E2
  - Solver of InnoCentive challenge n. 9933675 - Incorporating Drugs into Exosomes.
  - Career Development Fellowship, MRC.
  - Graffinity Pharmaceuticals grant for Fragment-Based Drug Design.
  - Winner of "Futuro in Ricerca" fellowship in collaboration with Novartis (Siena, Italy).
  - FIRB Fellowship.
  - Best Poster Presentation Award, King's College London, Post-Graduate Symposium.
  - Member of the Biochemical Society, UKVALUTABILI
  
6. Relatore a congressi e convegni nazionali e internazionali
  - CRUK–AACR Joint Conference on Engineering and Physical Sciences in Oncology, London (UK) (Poster Presentation)
  - 2019 AACR-NCI-EORTC International Conference On Molecular Targets And Cancer Therapeutics, Boston (US) (Poster Presentation)

- 2017 UCL Professional Development Courses: Preparing for leadership, Leadership in Action, Getting the best out of people.
- 2016 EMBO Practical Course on Solution Scattering from Biological Macromolecules, EMBL Hamburg (Germany) (Oral Communication).
- 2013 SRC Workshop on Molecular Crowding, The Effect of Crowding and Confinement: Comparing Yfh1 Stability in
- Different Environments, Telluride, Colorado (USA) (Invited Speaker).
- 2013 Alpbach Workshop on Molecular Motors, Structural characterization of the F1/F2 isoforms of Troponin C from *Lethocerus indicus*, Alpbach (Austria) (Invited Speaker).
- 2012 26th Annual Symposium of the Protein Society, From protein stability to protein aggregation: an NMR analysis in crowded environments, San Diego (USA) (Invited Speaker).
- 2012 International Conference on Molecular Crowding: Chemistry and Physics meet Biology, Crowding versus molecular seeding: NMR studies of protein aggregation in hen egg white, Monte Verità, Ascona (Switzerland) (Invited Speaker).

VALUTABILI

#### VERIFICA PUBBLICAZIONI VALUTABILI

#### CONSISTENZA COMPLESSIVA DELLA PRODUZIONE SCIENTIFICA:

Il candidato presenta una produzione complessiva pari a N. 14 pubblicazioni

1. **Sanfelice D.**, Koss H, Bunney TD, Thompson GS, Farrell B, Katan M, Breeze AL\*. NMR backbone assignments of the tyrosine kinase domain of human fibroblast growth factor receptor 3 in apo state and in complex with inhibitor PD173074. *Biomol NMR Assign.* 2018 Mar 26. doi: 10.1007/s12104-018-9814-7 (\* Co-Corresponding Authors) **Journal IF 0.77, Citations 1**
2. Bunney TD, Inglis AJ, **Sanfelice D**, Farrell B, Kerr CJ, Thompson GS, Masson GR, Thiyagarajan N, Svergun DI, Williams RL, Breeze AL, Katan M. Disease variants of FGFR3 reveal molecular basis for the recognition and new roles for Cdc3in Hsp90 chaperone system. *Structure* 2018 Mar 6;26(3):446-458.e8. doi: 10.1016/j.str.2018.01.016. **Journal IF 4.86, Citations 6**
3. Alfano C, **Sanfelice D**, Temussi PA. An optimized strategy to measure protein stability highlights differences between cold and hot unfolded states. *Nature Communications* 2017 May 18;8:15428. doi: 10.1038/ncomms15428 **Journal IF 14.92, Citations 19**
4. Chiki A, DeGuire SM, Ruggeri FS, **Sanfelice D**, Ansaloni A, Wang ZM, Cendrowska U, Burai R, Vieweg S, Pastore A, Dietler G, Lashuel HA. Mutant Exon1 Huntingtin Aggregation is Regulated by T3 Phosphorylation- Induced Structural Changes and Crosstalk between T3 Phosphorylation and Acetylation at K6. *Angew Chem Int Ed Engl.* 2017 Mar 23. doi: 10.1002/anie.201611750. **Journal IF 15.34, Citations 36**
5. **Sanfelice D.**, Sanz-Hernández M., de Simone A., Bullard B., Pastore A. Towards Understanding the Molecular Bases of Stretch Activation: A Structural Comparison of the Two Troponin C Isoforms of *Lethocerus*. *Journal of Biological Chemistry.* 2016 VOL. 291, NO. 31, pp. 16090 – 16099. **Journal IF 5.16, Citations 2**
6. **Sanfelice D**, Morandi E, Pastore A, Niccolai N, Temussi PA. Cold Denaturation Unveiled: Molecular Mechanism of the Asymmetric Unfolding of Yeast Frataxin. *ChemPhysChem.* 2015 Oct 1. doi: 10.1002/cphc.201500765 **Journal IF 3.144, Citations 16**
7. **Sanfelice D**, Temussi PA Cold denaturation as a tool to measure protein stability. *Biophysical Chemistry* 2015 May 22. pii: S0301-4622(15)00106-4. doi: 10.1016/j.bpc.2015.05.007. **Journal IF 2.35, Citations 28**

8. Popovic M, **Sanfelice D**, Pastore C, Prischi F, Temussi PA, Pastore A. Selective observation of the disordered import signal of a globular protein by in-cell NMR: The example of Frataxins. Protein Science 2015 Protein Sci. 2015 Mar 12. doi: 10.1002/pro.2679 Journal **IF 6.72, Citations 12**
9. **Sanfelice D**, De Simone A, Cavalli A, Faggiano S, Vendruscolo M, Pastore A. Characterization of the conformational fluctuations in the Josephin domain of ataxin-3. Biophysical Journal. 2014 Dec 16;107(12):2932-40. Journal **IF 4.03, Citations 11**
10. **Sanfelice D**, Temussi PA. The conformation of enkephalin bound to its receptor: an “elusive goal” becoming reality. Frontiers Molecular Biosciences 2014 Oct 7; 1:14 Journal **IF 4.62, Citations 6**
11. **Sanfelice D**, Puglisi R, Martin SR, Di Bari L, Pastore A, Temussi PA. Yeast frataxin is stabilized by low salt concentrations: cold denaturation disentangles ionic strength effects from specific interactions. PLoS One. 2014 May 6;9(5):e95801 Journal **IF 3.84, Citations 13**
12. Bonetti D, Toto A, Giri R, Morrone A, **Sanfelice D**, Pastore A, Temussi P, Gianni S, Brunori M. The kinetics of folding of frataxin. Phys Chem Chem Phys. 2014 Apr 14;16(14):6391-7 Journal **IF 3.56, Citations 11**
13. **Sanfelice D**, Politou A, Martin SR, De Los Rios P, Temussi P, Pastore A. The effect of crowding and confinement: a comparison of Yfh1 stability in different environments. Physical Biology. 2013 Aug 2; 10(4):045002. Journal **IF 2, Citations 20**
14. **Sanfelice D**, Adrover M, Martorell G, Pastore A and Temussi PA. Crowding versus molecular seeding: NMR studies of protein aggregation in hen egg white. Journal of Physics: Condensed Matter, 2012 20; 24(24):244107. Journal **IF 2.33, Citations 6**

Tutte le pubblicazioni presentate dal candidato sono ritenute VALUTABILI

Letto, confermato e sottoscritto.

Firma del Presidente della Commissione  
Prof. Irene Bozzoni