

VERBALE N. 3 - **ALLEGATO C**  
TITOLI E PUBBLICAZIONI VALUTABILI

**PROCEDURA SELETTIVA DI CHIAMATA PER N. 1 POSTO DI RICERCATORE A TEMPO DETERMINATO DI TIPOLOGIA B PER IL SETTORE CONCORSUALE 05/E2 - SETTORE SCIENTIFICO-DISCIPLINARE BIO/11 - PRESSO IL DIPARTIMENTO DI BIOLOGIA E BIOTECNOLOGIE "CHARLES DARWIN". DELL'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI ROMA "LA SAPIENZA" BANDITA CON D.R. N. 698/2022 DEL 04.03.2022**

L'anno 2022, il giorno 12 del mese di settembre in Roma si è riunita la Commissione giudicatrice della procedura selettiva di chiamata per n. 1 posto di Ricercatore a tempo determinato di tipologia B per il Settore concorsuale 05/E2– Settore scientifico-disciplinare BIO/11 - presso il Dipartimento di Biologia e Biotecnologie "Charles Darwin" dell'Università degli Studi di Roma "La Sapienza", nominata con D.R. n. 698/2022 DEL 04.03.2022 e composta da:

- Prof.ssa Irene Bozzoni – professore ordinario presso il Dipartimento di Biologia e Biotecnologie "Charles Darwin" dell'Università degli Studi di Roma "La Sapienza"
- Prof.ssa Manuela Helmer-Citterich – professore ordinario presso il Dipartimento di Biologia dell'Università degli Studi di Roma Tor Vergata;
- Prof.ssa Mariangela Morlando – professore associato presso il Dipartimento di Scienze Farmaceutiche dell'Università degli Studi di Perugia

La Commissione inizia i propri lavori alle ore 12.10 (telematicamente via Google Meet: [meet.google.com/fpk-erdt-sxf](https://meet.google.com/fpk-erdt-sxf) ).

La Commissione prende atto dei titoli previsti per la valutazione per i quali sia stata presentata idonea documentazione ai sensi dell'art. 3 del bando.

**TITOLI E PUBBLICAZIONI VALUTABILI DEI CANDIDATI in accordo all'Allegato B del Verbale 2**

**CANDIDATO: Ivano Legnini**

1) Titolo di Dottore di Ricerca	VALUTABILE
2) Posizioni di Ricerca	VALUTABILI
3) Attività didattica	VALUTABILE
4) Premi e riconoscimenti	VALUTABILI
5) Attività progettuale	VALUTABILE

VERIFICA PUBBLICAZIONI VALUTABILI Tutte le pubblicazioni presentate dal candidato e indicate di seguito (numerata da 1-15) sono valutabili.

1. **Legnini, I.**, Alles, J., Karaiskos, N., Ayoub, S., Rajewsky, N. FLAM-seq: full-length mRNA sequencing reveals principles of poly(A) tail length control. (2019). Nature Methods **16**, pp. 879–886. DOI: 10.1038/s41592-019-0503-y. **Cited 37 times. Journal IF:30.822**
2. **Legnini, I.**, Di Tomoteo, G Rossi, F., Morlando, M., Briganti, F., Sthandier, O., Fatica, A., Santini, T., Andronache, A., Wade, M., Laneve, P., Rajewsky, N., Bozzoni, I. Circ-ZNF609 Is a Circular RNA that Can Be Translated and Functions in Myogenesis (2017) Molecular Cell,

- 66 (1), pp. 22-37.e9. DOI: 10.1016/j.molcel.2017.02.017. **Cited 1080 times. Journal IF: 14.248**
3. **Legnini, I.**, Morlando, M., Mangiacavacchi, A., Fatica, A., Bozzoni, I. A Feedforward Regulatory Loop between HuR and the Long Noncoding RNA linc-MD1 Controls Early Phases of Myogenesis (2014) *Molecular Cell*, 53 (3), pp. 506 - 514. DOI:10.1016/j.molcel.2013.12.012. **Cited 164 times. Journal IF: 14.018**
  4. Rossi, F., **Legnini, I.**, Megiorni, F., Colantoni, A., Santini, T., Morlando, M., Di Timoteo, G., Dattilo, D., Dominici, C., Bozzoni, I. Circ-ZNF609 regulates G1-S progression in rhabdomyosarcoma (2019) *Oncogene*, 38 (20), pp. 3843-3854. DOI: 10.1038/s41388-019-0699-4. **Cited 54 times. Journal IF: 7.971**
  5. Errichelli, L., Dini Modigliani, S., Laneve, P., Colantoni, A., **Legnini, I.**, Caputo, D., Rosa, A., De Santis, R., Scarfò, R., Peruzzi, G., Lu, L., Caffarelli, E., Shneider, N.A., Morlando, M., Bozzoni, I. FUS affects circular RNA expression in murine embryonic stem cell-derived motor neurons (2017) *Nature Communications*, 8, art. no. 14741, DOI: 10.1038/ncomms14741. **Cited 232 times. Journal IF: 12.353**
  6. Wyler, E., Mösbauer, K., Franke, V., Diag, A., Gottula, L.T., Arsiè, R., Klironomos, F., Koppstein, D., Hönzke, K., Ayoub, S., Buccitelli, C., Hoffmann, K., Richter, A., **Legnini, I.**, Ivanov, A., Mari, T., Del Giudice, S., Papiès, J., Praktiknjo, S., Meyer, T.F., Müller, M.A., Niemeyer, D., Hocke, A., Selbach, M., Akalin, A., Rajewsky, N., Drosten, C., Landthaler, M. Transcriptomic profiling of SARS-CoV-2 infected human cell lines identifies HSP90 as target for COVID-19 therapy (2021) *iScience*, 24 (3), art. no. 102151, DOI: 10.1016/j.isci.2021.102151. **Cited 42 times, Journal IF: 5.458**
  7. Martone, J., Briganti, F., **Legnini, I.**, Morlando, M., Picillo, E., Sthandier, O., Politano, L., Bozzoni, I. The lack of the Celf2a splicing factor converts a Duchenne genotype into a Becker phenotype (2016) *Nature Communications*, 7, art. no. 10488, DOI: 10.1038/ncomms10488. **Cited 17 times. Journal IF: 12.124**
  8. Gomes-Duarte, A., Venø, M.T., de Wit, M., Senthilkumar, K., Broekhoven, M.H., van den Herik, J., Heeres, F.R., van Rossum, D., Rybiczka-Tesulov, M., **Legnini, I.**, van Rijen, P.C., van Eijsden, P., Gosselaar, P.H., Rajewsky, N., Kijms, J., Vangoor, V.R., Pasterkamp, R.J. Expression of Circ\_Satb1 Is Decreased in Mesial Temporal Lobe Epilepsy and Regulates Dendritic Spine Morphology (2022) *Frontiers in Molecular Neuroscience*, 15, art. no. 832133, DOI: 10.3389/fnmol.2022.832133. **Cited 0 times. Journal IF: 5.639**
  9. Gasparini, S., Del Vecchio, G., Gioiosa, S., Flati, T., Castrignano, T., **Legnini, I.**, Licursi, V., Ricceri, L., Scattoni, M.L., Rinaldi, A., Presutti, C., Mannironi, C. Differential Expression of Hippocampal Circular RNAs in the BTBR Mouse Model for Autism Spectrum Disorder (2020) *Molecular Neurobiology*, 57 (5), pp. 2301-2313. DOI: 10.1007/s12035-020-01878-6. **Cited 3 times. Journal IF: 5.590**
  10. Petrucci, G., Caputo, D., Lovecchio, N., Costantini, F., **Legnini, I.**, Bozzoni, I., Nascetti, A., de Cesare, G. Multifunctional System-on-Glass for Lab-on-Chip applications (2017) *Biosensors and Bioelectronics*, 93, pp. 315-321. DOI: 10.1016/j.bios.2016.08.060. **Cited 25 times. Journal IF: 8.173**

11. Twayana, S., **Legnini, I.**, Cesana, M., Cacchiarelli, D., Morlando, M., Bozzoni, I. Biogenesis and function of non-coding RNAs in muscle differentiation and in Duchenne muscular dystrophy (2013) *Biochemical Society Transactions*, 41 (4), pp. 844-849. DOI: 10.1042/BST20120353. **Cited 30 times. Journal IF: 3.238**
  
12. Laneve, P., Po, A., Favia, A., **Legnini, I.**, Alfano, V., Rea, J., Di Carlo, V., Bevilacqua, V., Miele, E., Mastronuzzi, A., Carai, A., Locatelli, F., Bozzoni, I., Ferretti, E., Caffarelli, E. The long noncoding RNA linc-NeD125 controls the expression of medulloblastoma driver genes by microRNA sponge activity (2017) *Oncotarget*, 8 (19), pp. 31003-31015. DOI: 10.18632/oncotarget.16049. **Cited 31 times. Journal IF: 5.168**
  
13. Mangiavacchi, A., Sorci, M., Masciarelli, S., Larivera, S., **Legnini, I.**, Iosue, I., Bozzoni, I., Fazi, F., Fatica, A. The miR-223 host non-coding transcript linc-223 induces IRF4 expression in acute myeloid leukemia by acting as a competing endogenous RNA (2016) *Oncotarget*, 7 (37), pp. 60155-60168. DOI: 10.18632/oncotarget.11165. **Cited 28 times. Journal IF: 5.168**
  
14. Hughes, J.M., **Legnini, I.**, Salvatori, B., Masciarelli, S., Marchioni, M., Fazi, F., Morlando, M., Bozzoni, I., Fatica, A. C/EBP $\alpha$ -p30 protein induces expression of the oncogenic long non-coding RNA UCA1 in acute myeloid leukemia (2015) *Oncotarget*, 6 (21), pp. 18534-18544. DOI: 10.18632/oncotarget.4069. **Cited 61 times. Journal IF: 5.008**
  
15. Voellenkle, C., Perfetti, A., Carrara, M., Fuschi, P., Renna, L.V., Longo, M., Sain, S.B., Cardani, R., Valaperta, R., Silvestri, G., **Legnini, I.**, Bozzoni, I., Furling, D., Gaetano, C., Falcone, G., Meola, G., Martelli, F. Dysregulation of circular RNAs in myotonic dystrophy type 1. (2019) *International Journal of Molecular Sciences*, 20 (8), art. no. 1938, DOI: 10.3390/ijms20081938. **Cited 18 times. Journal IF: 4.556**

**CONSISTENZA COMPLESSIVA DELLA PRODUZIONE SCIENTIFICA:**

Il candidato dichiara una produzione scientifica complessiva pari a N. 15 pubblicazioni,

Total Impact factor	189,418
Total Citations	3978 (as of 13.04.2022 in Scopus)
Average Citations per Product	209,368
Hirsch (H) index	16

**CANDIDATO:** Luana Licata

1) Titolo di Dottore di Ricerca	VALUTABILE
2) Posizioni di Ricerca	VALUTABILI
3) Attività didattica	VALUTABILE
4) Premi e riconoscimenti	VALUTABILI
5) Attività progettuale	VALUTABILE
6) Relazioni a Congressi	VALUTABILE

VERIFICA PUBBLICAZIONI VALUTABILI Tutte le pubblicazioni presentate dal candidato e indicate di seguito (numerata da 1-20) sono valutabili.

1. Saha D., Iannuccelli M., Brun C., Zanzoni A. and **Licata L.** The intricacy of the viral-human protein interaction networks: resources, data and analyses. Edito da: *Frontiers in Microbiology*, 21 April 2022, Volume 13. Riprodotta per intero e composta di n 9 fogli (IF: 5.640; citazioni Scopus: 0)
2. Del Toro N, Shrivastava A, Ragueneau E, Meldal B, Combe C, Barrera E, Perfetto L, How K, Ratan P, Shirodkar G, Lu O, M.sz.ros B, Watkins X, Pundir S, Licata L, Iannuccelli M, Pellegrini M, Martin MJ, Panni S, Duesbury M, Vallet SD, Rappsilber J, Ricard-Blum S, Cesareni G, Salwinski L, Orchard S, Porras P, Panneerselvam K, Hermjakob H. The IntAct database: efficient access to fine-grained molecular interaction data. Edito da: *Nucleic Acids Res.* 2022 Jan 7;50(D1): D648-D653. Riprodotta per intero/estratto da pag. 648 a pag. 653 e composta di n 6 fogli. (IF: 16,971; citazioni Scopus: 3)
3. Kuiper M., Bonello J., Fernandez-Breis J.T., Bucher P., Futschik M.E., Gaudet P., Kulakovskiy I.V., Licata L., Logie C., Lovering R.C., Makeev V.J., Orchard S., Panni S., Perfetto L., Sant D., Schulz S., Vercruyse S., Zerbino D.R., L.greid A. The gene regulation knowledge commons: the action area of GREEKC. Edito da: *Biochimica et Biophysica Acta - Gene Regulatory Mechanisms*, 2022 1865(1),194768. Riprodotta per intero e composta di n 9 fogli. (IF: 4,490; citazioni Scopus: 0)
4. Ostaszewski M, et. al. COVID-19 Disease Map Community. COVID19 Disease Map, a computational knowledge repository of virus–host interaction mechanisms. Edito da: *Molecular Systems Biology*, 2021, 17(10), e10387.2021 34664389 (IF: 11,4; citazioni Scopus: 7)
5. Perfetto L, Micarelli E, Iannuccelli M, Lo Surdo P, Giuliani G, Latini S, Pugliese GM, Massacci G, Vumbaca S, Riccio F, Fuoco C, Paoluzi S, Castagnoli L, Cesareni G, **Licata L**, Sacco F. A Resource for the Network Representation of Cell Perturbations Caused by SARS-CoV-2 Infection. Edito da: *Genes (Basel)*, 12(3), 22 Mar 2021. Riprodotta per intero e composta di n 11 fogli. (IF: 4,096; citazioni Scopus: 1)
6. Palma A, Iannuccelli M, Rozzo I, **Licata L**, Perfetto L, Massacci G, Castagnoli L, Cesareni G, Sacco F. Integrating Patient. Specific Information into Logic Models of Complex Diseases: Application to Acute Myeloid Leukemia. Edito da: *J Pers Med*, 11(2), 10 Feb. 2021. (IF:4,495; citazioni Scopus: 4)
7. Leeming MG, O'Callaghan S, **Licata L**, Iannuccelli M, Surdo PL, Micarelli E, Ang CS, Nie S, Varshney S, Ameen S, Cheng HC, Williamson NA. Phosphomatics: Interactive interrogation of substrate-kinase networks in global phosphoproteomics datasets. Edito da: *Bioinformatics (Oxford, England)*, 37(11), 2021. (IF: 6,937; citazioni Scopus: 0)
8. Porras P, Barrera E, Bridge A, Del-Toro N, Cesareni G, Duesbury M, Hermjakob H, Iannuccelli M, Jurisica I, Kotlyar M, **Licata L**, Lovering RC, Lynn DJ, Meldal B, Nanduri B, Panneerselvam K, Panni S, Pastrello C, Pellegrini M, Perfetto I, Rahimzadeh N, Ratan P, Ricard-Blum S, Salwinski L, Shirodkar L, Shrivastava A, Orchard S. Towards a unified open access dataset of molecular interactions. *Nature Communications*, 11(1):6144, 01 Dec 2020. (IF: 14,919; citazioni Scopus: 20)
9. Perfetto L, Pastrello C, Del-Toro N, Duesbury M, Iannuccelli M, Kotlyar M, **Licata L**, Meldal B, Panneerselvam K, Panni S, Rahimzadeh N, Ricard-Blum S, Salwinski L, Shrivastava A, Cesareni G, Pellegrini M, Orchard S, Jurisica I, Hermjakob H, Porras P. The IMEx coronavirus interactome: an evolving map of Coronaviridae-host molecular interactions. *Database (Oxford)*, 01 Jan 2020. (IF: 3,451; citazioni Scopus:17)
10. **Licata L**, Lo Surdo P, Iannuccelli M, Palma A, Micarelli E, Perfetto L, Castagnoli L, Cesareni G. SIGNOR 2.0, the SIGNaling Network Open Resource 2.0: 2019 update. Edito da: *Nucleic Acids Research*, 48(D1), 2020. (IF:16,971; citazioni Scopus:73)

11. Iannuccelli M, Micarelli E, Surdo PL, Palma A, Perfetto L, Rozzo I, Castagnoli L, **Licata L**, Cesareni G, Titolo: CancerGeneNet: linking driver genes to cancer hallmarks. Edito da: Nucleic Acids Research, 48(D1), 2020. (IF: 16,971; citazioni Scopus: 11).
12. IMEx Consortium Curators, Del-Toro N, Duesbury M, Koch M, Koch M, Perfetto L, Shrivastava A, Ochoa D, Wagih O, Pi.ero J, Kotlyar M, Pastrello C, Beltrao P, Furlong LI, Jurisica I, Hermjakob H, Hermjakob H, Orchard S, Porras P Capturing variation impact on molecular interactions in the IMEx Consortium mutations data set. Nature Communications, 10(1), 10. IF: 12,121; citazioni Scopus: 30
13. Perfetto L, Acencio ML, Bradley G, Cesareni G, Del Toro N, Fazekas D, Hermjakob H, Korcsmaros T, Kuiper M, L.greid A, Lo Surdo P, Lovering RC, Orchard S, Porras P, Thomas PD, Tour. V, Zobolas J, **Licata L**. CausalTAB: the PSI-MITAB 2.8 updated format for signalling data representation and dissemination. Bioinformatics, 2019, 35(19). (IF:5,610; citazioni Scopus: 13)
14. Palma A, Cerquone Perpetuini A, Ferrentino F, Fuoco C, Gargioli C, Giuliani G, Iannuccelli M, **Licata L**, Micarelli E, Paoluzi S, Perfetto L, Petrilli LL, Reggio A, Rosina M, Sacco F, Vumbaca S, Zuccotti A, Castagnoli L, Cesareni G. Myo-REG: A Portal for Signaling Interactions in Muscle Regeneration. Frontiers in Physiology, 2019, 10(SEP), 121. (IF: 3.367; citazioni Scopus: 5
15. Lo Surdo P, Calderone A, Iannuccelli M, **Licata L**, Peluso D, Castagnoli L, Cesareni G, Perfetto L. Titolo: DISNOR: a disease network open resource. Nucleic Acids Res. 2018, 46(D1). (IF:11,147; citazioni Scopus: 20)
16. Ison J, et al. Tools and data services registry: a community effort to document bioinformatics resources. Nucleic Acids Research, 2016, 44(D1). (IF: 10,162;citazioni Scopus: 81)
17. Perfetto L, Briganti L, Calderone A, Cerquone Perpetuini A, Iannuccelli M, Langone F, **Licata L**, Marinkovic M, Mattioni A, Pavlidou T, Peluso D, Petrilli LL, Pirr. S, Posca D, Santonico E, Silvestri A, Spada F, Castagnoli L, Cesareni G. SIGNOR: a database of causal relationships between biological entities. Nucleic Acids Research, 2016, 44(D1). (IF:10,162; citazioni Scopus: 138)
18. Meldal BH, Forner-Martinez O, Costanzo MC, Dana J, Demeter J, Dumousseau M, Dwight SS, Gaulton A, **Licata L**, Melidoni AN, Ricard-Blum S, Roechert B, Skyzypek MS, Tiwari M, Velankar S, Wong ED, Hermjakob H, Orchard S. The complex portal—an encyclopaedia of macromolecular complexes. Nucleic Acids Research, 2015, 43(D1). (IF:9,202; citazioni Scopus: 56)
19. Calderone A, **Licata L**, Cesareni G. Virus Mentha: a new resource for virus-host protein interactions. Nucleic Acids Res. 2015, 43(D1) (IF:9,202; citazioni Scopus: 87)
20. Orchard S. et al. The MIntAct project--IntAct as a common curation platform for 11 molecular interaction databases. Nucleic Acids Res. 2014, 42(D1). (IF: 9,112; citazioni Scopus: 1017).

**CONSISTENZA COMPLESSIVA DELLA PRODUZIONE SCIENTIFICA:**

Il candidato dichiara una produzione scientifica complessiva pari a N. 20 pubblicazioni.

Total Impact factor	324,678
Total Citations	3214
Average Citations per Product	78,39
Hirsch (H) index	20

**CANDIDATA:** Daniela Palacios Garcia

1) Titolo di Dottore di Ricerca	VALUTABILE
2) Posizioni di Ricerca	VALUTABILI
3) Attività didattica	VALUTABILE
4) Premi e riconoscimenti	VALUTABILI
5) Attività progettuale	VALUTABILE
6) Relazioni a Congressi	VALUTABILE

VERIFICA PUBBLICAZIONI VALUTABILI Tutte le pubblicazioni presentate dal candidato e indicate di seguito (numerata da 1-16) sono valutabili.

1. Catale C, Lo Iacono L, Martini A, Heil C, Guatteo E, Mercuri NB, Viscomi MT, **Palacios D**, Carola V. Early life social stress causes sex- and region-dependent dopaminergic changes that are prevented by minocycline. *Molecular Neurobiology* 2022 Apr. 18 (DOI: 10.1007/s12035-022-02830-6). Equal senior author. **IF: 5.59; Citations: 0.**
2. Bisicchia E, Mastrantonio R, Nobili A, Palazzo C, La Barbera L, Latini L, Millozzi F, Sasso V, **Palacios D**, D'Amelio M, and Viscomi MT. Restoration of ER proteostasis attenuates remote apoptotic cell death after spinal cord injury by reducing autophagosome overload. *Cell Death and Disease* 2022 13(4), 381. (DOI:10.1038/s41419-022-04830-9). **IF: 8.469; Citations: 0.**
3. Colapicchioni V, Millozzi F, Parolini O, **Palacios D**. Nanomedicine, a valuable tool for skeletal muscle disorders: challenges, promises and limitations. *Wiley Interdiscip Rev Nanomed Nanobiotechnol*, 2022 Jan 29;e1777. (DOI: 10.1002/wnan.1777). **IF: 9.182; Citations: 0.**
4. Di Pietro L, Barba M, **Palacios D**, Tiberio F, Prampolini C, Baranzini M, Parolini O, Arcovito A, Lattanzi W. Shaping modern human skull through epigenetic, transcriptional and post-transcriptional regulation of the RUNX2 master bone gene. *Scientific Reports*, 2021 11 (1) 1-15. (DOI: 10.1038/s41598-021-00511-3). **IF: 4.380; Citations: 0.**
5. Catale C, Bussone S, Lo Iacono L, Viscomi MT, Palacios D, Troisi A, Carola V. (2020). Exposure to different early-life stress experiences results in differentially altered DNA methylation in the brain and immune system. *Neurobiol Stress*, 2020 Sep 2;13:100249. (DOI: 10.1016/j.ynstr.2020.100249). **IF: 5.441; Citations: 8.**
6. Pigna E, Simonazzi E, Sanna K, Bernadzki KM, Proszynski T, Heil C, **Palacios D**, Adamo S, Moresi V. Histone deacetylase 4 protects from denervation and skeletal muscle atrophy in a murine model of amyotrophic lateral sclerosis. *Ebiomed*, 2019 Feb;40:717-732. (DOI: 10.1016/j.ebiom.2019.01.038). **IF: 5.736; Citations: 22.**
7. Marroncelli N, Bianchi M, Berti M, Consalvi S, Saccone V, De Bardi M, Puri PL, **Palacios D**, Adamo S, Moresi V. HDAC4 regulates satellite cells proliferation and differentiation by targeting p21 and Sharp1 genes. *Scientific Reports*, 2018 8(1):3448. (DOI: 10.1038/s41598-018-21835-7). **IF: 4.011; Citations: 23.**
8. Consalvi S, Brancaccio A, Dall'Agnese A, Puri PL and **Palacios D**. Praja1 E3 ubiquitin ligase promotes skeletal myogenesis through degradation of EZH2 upon p38a activation. *Nat Communications*, 2017 7,13956. (DOI: 10.1038/ncomms13956). **IF: 12.353; Citations: 32.**
9. Cesarini E, Mozzetta C, Marullo F, Gregoretti F, Gargiulo A, Columbaro M, Cortesi A, Antonelli L, Di Pelino S, Squarzone S, **Palacios D**, Zippo A, Bodega B, Oliva G and Lanzuolo C. Lamin A/C sustains Polycomb protein architecture maintaining transcriptional repression at target genes. *J Cell Biol*, 2015 Nov 9;211(3):533-51. (DOI: 10.1083/jcb.201504035). **IF: 8.717; Citations: 69.**

10. Brancaccio A and **Palacios D**. Chromatin signalling in muscle stem cells: interpreting the regenerative microenvironment. *Frontiers in Aging Neurosciences*, 2015 Apr 7;7:36. (DOI: 10.3389/fnagi.2015.00036). **IF: 4.348; Citations: 10.**
11. Ciarapica R, De Salvo M, Carcarino E, Bracaglia G, Adesso L, Leoncini P, Dall'Agnese A, Walters ZS, Verginelli F, De Sio L, Boldrini R, Inserra A, Bisogno G, Rosolen A, Alaggio R, Ferrari A, Collini P, Locatelli M, Stifani S, Screpanti I, Rutella S, Yu Q, Marquez VE, Shipley J, Valente S, Mai A, Miele L, Puri PL, Locatelli F, **Palacios D**. and Rota R. The Polycomb group (PcG) protein EZH2 supports the survival of PAX3-FOXO1 alveolar rhabdomyosarcoma by repressing FBXO32 (Atrogin1/MAFbx). *Oncogene*, 2014 Aug 7;33(32):4173-84. (DOI: 10.1038/onc.2013.471). \* Corresponding author. **IF: 8.459; Citations: 54.**
12. Ciarapica R, Carcarino E, Bracaglia G, De Salvo M, Leoncini P, Dall'Agnese A, Walters ZS, Verginelli F, Boldrini R, Inserra A, Stifani S, Screpanti I, Marquez VE, Shipley J, Valente S, Mai A, Puri PL, Locatelli F, **Palacios D**. and Rota R (2014). Pharmacological inhibition of EZH2 as a promising differentiation therapy in embryonal RMS. *BMC Cancer*, 2014 Feb 27;14:1(DOI: 10.1186/1471-2407-14-139). **IF: 3.362; Citations:47.**
13. **Palacios D** Epigenetics and Regeneration: an overview. Book chapter, *Epigenetics and Regeneration*, 2019, edited by Elsevier. ISBN: 9780128148792. **IF: N.A; Citations: 0**
14. **Palacios D**. and Viscomi MT\* (2019). The intrinsic role of epigenetics in axonal regeneration. Book chapter, *Epigenetics and Regeneration*, 2019, edited by Elsevier. ISBN: 9780128148792. \* Corresponding author. IF: N.A; Citations: 0
15. **Palacios D**. The dynamics of Polycomb proteins. Book chapter, *Polycomb group proteins: Methods and protocols*, 2016, edited by Springer. ISBN: 978-1-4939-6378-2; 139-142. **IF: N.A; Citations: 0**
16. Heil C and **Palacios D**. Epigenetics and regenerative medicine: neural and skeletal muscle perspectives. Book chapter, *Medical Epigenetics*, 2016 edited by Elsevier. ISBN: 978-0-1280-3239-8: 859-876. **IF: N.A; Citations: 1**

#### CONSISTENZA COMPLESSIVA DELLA PRODUZIONE SCIENTIFICA:

Il candidato dichiara una produzione scientifica complessiva pari a N. 16 pubblicazioni.

Total Impact factor	198,905
Total Citations	1046
Average Citations per Product	37,35
Hirsch (H) index	14

#### **CANDIDATO:** Domenico Sanfelice

1) Titolo di Dottore di Ricerca	VALUTABILE
2) Posizioni di Ricerca	VALUTABILI
3) Attività didattica	VALUTABILE
4) Attività progettuale	VALUTABILE
5) Premi e riconoscimenti	VALUTABILI
6) Relazioni a Congressi	VALUTABILE

VERIFICA PUBBLICAZIONI VALUTABILI Tutte le pubblicazioni presentate dal candidato e indicate di seguito (numerate da 1-14) sono valutabili.

1. **Sanfelice D.**, Koss H, Bunney TD, Thompson GS, Farrell B, Katan M, Breeze AL\*. NMR backbone assignments of the tyrosine kinase domain of human fibroblast growth factor receptor 3 in apo state and in complex with inhibitor PD173074. *Biomol NMR Assign.* 2018 Mar 26. doi: 10.1007/s12104-018-9814-7 (\* Co-Corresponding Authors) Journal **IF 0.77, Citations 1**
2. Bunney TD, Inglis AJ, **Sanfelice D**, Farrell B, Kerr CJ, Thompson GS, Masson GR, Thiyagarajan N, Svergun DI, Williams RL, Breeze AL, Katan M. Disease variants of FGFR3 reveal molecular basis for the recognition and new roles for Cdc3in Hsp90 chaperone system. *Structure* 2018 Mar 6;26(3):446-458.e8. doi: 10.1016/j.str.2018.01.016. Journal **IF 4.86, Citations 6**
3. Alfano C, **Sanfelice D**, Temussi PA. An optimized strategy to measure protein stability highlights differences between cold and hot unfolded states. *Nature Communications* 2017 May 18;8:15428. doi: 10.1038/ncomms15428 Journal **IF 14.92, Citations 19**
4. Chiki A, DeGuire SM, Ruggeri FS, **Sanfelice D**, Ansaloni A, Wang ZM, Cendrowska U, Burai R, Vieweg S, Pastore A, Dietler G, Lashuel HA. Mutant Exon1 Huntingtin Aggregation is Regulated by T3 Phosphorylation- Induced Structural Changes and Crosstalk between T3 Phosphorylation and Acetylation at K6. *Angew Chem Int Ed Engl.* 2017 Mar 23. doi: 10.1002/anie.201611750. Journal **IF 15.34, Citations 36**
5. **Sanfelice D.**, Sanz-Hernández M., de Simone A., Bullard B., Pastore A. Towards Understanding the Molecular Bases of Stretch Activation: A Structural Comparison of the Two Troponin C Isoforms of *Lethocerus*. *Journal of Biological Chemistry.* 2016 VOL. 291, NO. 31, pp. 16090 –16099. Journal **IF 5.16, Citations 2**
6. **Sanfelice D**, Morandi E, Pastore A, Niccolai N, Temussi PA. Cold Denaturation Unveiled: Molecular Mechanism of the Asymmetric Unfolding of Yeast Frataxin. *ChemPhysChem.* 2015 Oct 1. doi: 10.1002/cphc.201500765 Journal **IF 3.144, Citations 16**
7. **Sanfelice D**, Temussi PA Cold denaturation as a tool to measure protein stability. *Biophysical Chemistry* 2015 May 22. pii: S0301-4622(15)00106-4. doi: 10.1016/j.bpc.2015.05.007. Journal **IF 2.35, Citations 28**
8. Popovic M, **Sanfelice D**, Pastore C, Prischi F, Temussi PA, Pastore A. Selective observation of the disordered import signal of a globular protein by in-cell NMR: The example of Frataxins. *Protein Science* 2015 *Protein Sci.* 2015 Mar 12. doi: 10.1002/pro.2679 Journal **IF 6.72, Citations 12**
9. **Sanfelice D**, De Simone A, Cavalli A, Faggiano S, Vendruscolo M, Pastore A. Characterization of the conformational fluctuations in the Josephin domain of ataxin-3. *Biophysical Journal.* 2014 Dec 16;107(12):2932-40. Journal **IF 4.03, Citations 11**
10. **Sanfelice D**, Temussi PA. The conformation of enkephalin bound to its receptor: an “elusive goal” becoming reality. *Frontiers Molecular Biosciences* 2014 Oct 7; 1:14 Journal **IF 4.62, Citations 6**
11. **Sanfelice D**, Puglisi R, Martin SR, Di Bari L, Pastore A, Temussi PA. Yeast frataxin is stabilized by low salt concentrations: cold denaturation disentangles ionic strength effects from specific interactions. *PLoS One.* 2014 May 6;9(5):e95801 Journal **IF 3.84, Citations 13**
12. Bonetti D, Toto A, Giri R, Morrone A, **Sanfelice D**, Pastore A, Temussi P, Gianni S, Brunori M. The kinetics of folding of frataxin. *Phys Chem Chem Phys.* 2014 Apr 14;16(14):6391-7 Journal **IF 3.56, Citations 11**
13. **Sanfelice D**, Politou A, Martin SR, De Los Rios P, Temussi P, Pastore A. The effect of crowding and confinement: a comparison of Yfh1 stability in different environments. *Physical Biology.* 2013 Aug 2; 10(4):045002. Journal **IF 2, Citations 20**



14. **Sanfelice D**, Adrover M, Martorell G, Pastore A and Temussi PA. Crowding versus molecular seeding: NMR studies of protein aggregation in hen egg white. Journal of Physics: Condensed Matter, 2012 20; 24(24):244107. Journal **IF 2.33, Citations 6**

**CONSISTENZA COMPLESSIVA DELLA PRODUZIONE SCIENTIFICA:**

Il candidato dichiara una produzione scientifica complessiva pari a N. 14 pubblicazioni,

Total Impact factor	133.4
Total Citations	568
Average Citations per Product	23.7
Hirsch (H) index	14

La Commissione termina i propri lavori alle ore 12.40

Letto, approvato e sottoscritto.

Il Presidente della Commissione

Prof. Irene Bozzoni