

**PROCEDURA SELETTIVA DI CHIAMATA PER N.1 POSTO DI RICERCATORE A TEMPO DETERMINATO DI TIPOLOGIA B PER IL SETTORE CONCORSUALE 05/E2 - SETTORE SCIENTIFICO-DISCIPLINARE BIO/11 - PRESSO IL DIPARTIMENTO DI BIOLOGIA E BIOTECNOLOGIE DELL'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI ROMA "LA SAPIENZA" BANDITA CON D.R. N. 3227/2021 DEL 02/12/2021**

**VERBALE N. 3 – SEDUTA VALUTAZIONE TITOLI**

L'anno 2022, il giorno 6 del mese di Giugno in Roma, si è riunita la Commissione giudicatrice della procedura selettiva di chiamata per n. 1 posto di Ricercatore a tempo determinato di tipologia B per il Settore concorsuale 05/E2 – Settore scientifico-disciplinare BIO/11 - presso il Dipartimento di Biologia e Biotecnologie dell'Università degli Studi di Roma "La Sapienza", nominata con D.R. n. 731/2022 del 08/03/2022, successivamente modificato con D.R. 1424/2022 del 27/04/2022, e composta da:

- Prof. Gennaro Ciliberto – professore ordinario presso il Dipartimento di Medicina Sperimentale e Clinica dell'Università degli Studi di Catanzaro (Presidente);
- Prof. Giorgio Dieci – professore ordinario presso il Dipartimento di Scienze Chimiche, della Vita e della Sostenibilità Ambientale dell'Università degli Studi di Parma (componente);
- Prof. Carlo Presutti – professore associato presso il Dipartimento di Biologia e Biotecnologie dell'Università degli Studi di Roma "Sapienza" (Segretario).

La Commissione inizia i propri lavori alle ore 12 (telematicamente via Google Meet - <https://meet.google.com/xfq-ztox-fbn>)

I candidati alla procedura selettiva risultano essere i seguenti:

1. Patrizio Di Micco
2. Valerio Licursi
3. Daniele Narzi
4. Livia Perfetto

La Commissione inizia la valutazione dei titoli e delle pubblicazioni dei candidati, seguendo l'ordine alfabetico. Si procede all'esame dei titoli e delle pubblicazioni ai fini della formulazione del giudizio individuale da parte di ciascun commissario e di quello collegiale espresso dalla Commissione (all. D). I giudizi dei singoli commissari e quello collegiale sono allegati al presente verbale quale sua parte integrante (all. E). I candidati sono tutti ammessi alla fase del colloquio che si svolgerà in data 4 Luglio 2022 alle ore 14:30 mediante collegamento telematico al link Google Meet <https://meet.google.com/xfq-ztox-fbn>

La Commissione termina i propri lavori alle ore 14:00 e si riconvoca in data 4/07/2022 alle ore 14:30 per lo svolgimento della prova orale in forma telematica.

Roma, 6/6/2022

Letto approvato e sottoscritto.

Firma del Commissari

Carlo Presutti

ALLEGATO D AL VERBALE N. 3  
TITOLI E PUBBLICAZIONI VALUTABILI

**PROCEDURA SELETTIVA DI CHIAMATA PER N.1 POSTO DI RICERCATORE A TEMPO DETERMINATO DI TIPOLOGIA B PER IL SETTORE CONCORSALE 05/E2 - SETTORE SCIENTIFICO-DISCIPLINARE BIO/11 - PRESSO IL DIPARTIMENTO DI BIOLOGIA E BIOTECNOLOGIE DELL'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI ROMA "LA SAPIENZA" BANDITA CON D.R. N. 3227/2021 DEL 02/12/2021**

L'anno 2022, il giorno 6 del mese di Giugno in Roma, si è riunita la Commissione giudicatrice della procedura selettiva di chiamata per n. 1 posto di Ricercatore a tempo determinato di tipologia B per il Settore concorsuale 05/E2 – Settore scientifico-disciplinare BIO/11 - presso il Dipartimento di Biologia e Biotecnologie dell'Università degli Studi di Roma "La Sapienza", nominata con D.R. n. 731/2022 del 08/03/2022, successivamente modificato con D.R. 1424/2022 del 27/04/2022, e composta da:

- Prof. Gennaro Ciliberto – professore ordinario presso il Dipartimento di Medicina Sperimentale e Clinica dell'Università degli Studi di Catanzaro (Presidente);
- Prof. Giorgio Dieci – professore ordinario presso il Dipartimento di Scienze Chimiche, della Vita e della Sostenibilità Ambientale dell'Università degli Studi di Parma (componente);
- Prof. Carlo Presutti – professore associato presso il Dipartimento di Biologia e Biotecnologie dell'Università degli Studi di Roma "Sapienza" (Segretario).

La Commissione inizia i propri lavori alle ore 12 (telematicamente via Google Meet - <https://meet.google.com/xfq-ztox-fbn> )

La Commissione prende atto dei titoli per i quali sia stata presentata idonea documentazione ai sensi dell'art. 3 del bando.

**TITOLI E PUBBLICAZIONI VALUTABILI DEI CANDIDATI in accordo all'Allegato B del Verbale 2**

**CANDIDATO: Patrizio Di Micco**

- 1) Titolo di Dottore di Ricerca in BIOCHIMICA presso Università Sapienza di Roma e l'Istituto di Biologia e Patologia Molecolari del CNR (IBPM) (2013) VALUTABILE
- 2) Posizioni di Ricerca dal 2013 al 2021 VALUTABILE
- 3) Relazioni orali a Congressi VALUTABILE
- 4) Premi e riconoscimenti VALUTABILE
- 5) Partecipazione a progetti di ricerca VALUTABILE

VERIFICA PUBBLICAZIONI VALUTABILI Tutte le pubblicazioni presentate dal candidato e indicate di seguito (numerare da 1-18) sono valutabili

1) Colotti G, Failla CM, Lacal PM, Ungarelli M, Ruffini F, **Di Micco P**, Orecchia A, Morea V. Neuropilin-1 is required for endothelial cell adhesion to soluble vascular endothelial growth factor receptor 1. THE FEBS JOURNAL (2021) IF 5.542 Cit. 0

2) Paschalis A, Welti J, Neeb AJ, Yuan W, Figueiredo I, Pereira R, Ferreira A, Riisnaes R, Rodrigues DN, Jiménez-Vacas JM, Kim S, Uo T, **Micco PD**, Tumber A, Islam MS, Moesser MA, Abboud M, Kawamura A, Gurel B, Christova R, Gil VS, Buroni L, Crespo M, Miranda S, Lambros MB, Carreira S, Tunariu N, Alimonti A, Al- Lazikani B, Schofield CJ, Plymate SR, Sharp A, de Bono JS. JMJD6 Is a Druggable Oxygenase That Regulates AR-V7 Expression in Prostate Cancer. CANCER RESEARCH (2021) IF 12,701 Cit. 3 IF 6.475 Cit. 1

- 3) Spitaleri A, Zia SR, **Di Micco P**, Al-Lazikani B, Soler MA, Rocchia W. Tuning Local Hydration Enables a Deeper Understanding of Protein-Ligand Binding: The PP1-Src Kinase Case THE JOURNAL OF PHYSICAL CHEMISTRY LETTERS (2021) IF 6,475 Cit.1
- 4) Mitsopoulos C, **Di Micco P**, Fernandez EV, Dolcianni D, Holt E, Mica IL, Coker EA, Tym JE, Campbell J, Che KH, Ozer B, Kannas C, Antolin AA, Workman P, Al-Lazikani B. canSAR: update to the cancer translational research and drug discovery knowledgebase. NUCLEIC ACIDS RESEARCH (2021) IF 16.971 Cit. 7
- 5) PDBe-KB consortium. PDBe-KB: a community-driven resource for structural and functional annotations. NUCLEIC ACIDS RESEARCH (2020) IF 16.971 Cit. 28
- 6) Coker EA, Mitsopoulos C, Tym JE, Komianou A, Kannas C, **Di Micco P**, Villasclaras Fernandez E, Ozer B, Antolin AA, Workman P, Al-Lazikani B. canSAR: update to the cancer translational research and drug discovery knowledgebase. NUCLEIC ACIDS RESEARCH (2019) IF 16.971 Cit. 22
- 7) Kinnersley B, Sud A, Coker EA, Tym JE, **Di Micco P**, Al-Lazikani B, Houlston RS. Leveraging Human Genetics to Guide Cancer Drug Development. JCO clinical cancer informatics (2018) IF 2.950 Cit 1
- 8) Falvo E, Malagrino F, Arcovito A, Fazi F, Colotti G, Tremante E, **Di Micco P**, Braca A, Opri R, Giuffrè A, Fracasso G, Ceci P. The presence of glutamate residues on the PAS sequence of the stimuli-sensitive nano-ferritin improves in vivo biodistribution and mitoxantrone encapsulation homogeneity. JOURNAL OF CONTROLLED RELEASE (2018) IF 9.776 Cit. 20
- 9) Laneve P, Piacentini L, Casale AM, Caputo D, Gioia U, Cappucci U, Di Carlo V, Bozzoni I, **Di Micco P**, Morea V, Di Franco CA, Caffarelli E. Drosophila CG3303 is an essential endoribonuclease linked to TDP-43-mediated neurodegeneration. SCIENTIFIC REPORTS (2017) IF 4.379 Cit. 5
- 10) Perli E, Fiorillo A, Giordano C, Pisano A, Montanari A, Grazioli P, Campese AF, **Di Micco P**, Tuppen HA, Genovese I, Poser E, Preziuso C, Taylor RW, Morea V, Colotti G, d'Amati G. Short peptides from leucyl-tRNA synthetase rescue disease-causing mitochondrial tRNA point mutations. HUMAN MOLECULAR GENETICS (2016) IF 6.150 Cit. 13
- 11) Donini M, Lombardi R, Lonoce C, Di Carli M, Marusic C, Morea V, **Di Micco P**. Antibody proteolysis: a common picture emerging from plants. BIOENGINEERED (2015) IF 3.269 Cit. 10
- 12) Hehle VK, Lombardi R, van Dolleweerd CJ, Paul MJ, **Di Micco P**, Morea V, Benvenuto E, Donini M, Ma JK. Site-specific proteolytic degradation of IgG monoclonal antibodies expressed in tobacco plants. PLANT BIOTECHNOLOGY JOURNAL (2015) IF 9.803 Cit. 30
- 13) **Di Micco P**, Fazzi D'Orsi M, Morea V, Frontali L, Francisci S, Montanari A. The yeast model suggests the use of short peptides derived from mt LeuRS for the therapy of diseases due to mutations in several mt tRNAs. Biochim Biophys Acta. 2014 Dec;1843(12):3065-74. doi:10.1016/j.bbamcr.2014.09.011. Epub 2014 Sep 28. IF 4.739 Cit. 6
- 14) Perli E, Giordano C, Pisano A, Montanari A, Campese AF, Reyes A, Ghezzi D, Nasca A, Tuppen HA, Orlandi M, **Di Micco P**, Poser E, Taylor RW, Colotti G, Francisci S, Morea V, Frontali L, Zeviani M, d'Amati G. The isolated carboxy-terminal domain of human mitochondrial leucyl-tRNA synthetase rescues the pathological phenotype of mitochondrial tRNA mutations in human cells. EMBO Mol Med. 2014 Feb;6(2):169-82. doi:10.1002/emmm.201303198.Epub 2014 Jan 10. PMID:24413190; PMCID: PMC3927953 IF 12.137 Cit.32
- 15) Vannucci L, Falvo E, Fornara M, **Di Micco P**, Benada O, Krizan J, Svoboda J, Hulikova-Capkova K, Morea V, Boffi A, Ceci P. Selective targeting of melanoma by PEG-masked protein-based multifunctional nanoparticles. Int J Nanomedicine. 2012;7:1489-509. doi: 10.2147/IJN.S28242. Epub 2012 Mar 16. PMID: 22619508; PMCID: PMC3356193. IF 6.4 Cit 62

16) Saccoccia F, **Di Micco P**, Boumis G, Brunori M, Koutris I, Miele AE, Morea V, Sriratana P, Williams DL, Bellelli A, Angelucci F. Moonlighting by different stressors: crystal structure of the chaperone species of a 2-Cys peroxiredoxin. *Structure*. 2012 Mar 7;20(3):429- 39. doi: 10.1016/j.str.2012.01.004. PMID:22405002; PMCID: PMC3299984. IF 5.006 Cit. 79

17) Perli E, Giordano C, Tuppen HA, Montopoli M, Montanari A, Orlandi M, Pisano A, Catanzaro D, Caparrotta L, Musumeci B, Autore C, Morea V, **Di Micco P**, Campese AF, Leopizzi M, Gallo P, Francisci S, Frontali L, Taylor RW, d'Amati G. Isoleucyl-tRNA synthetase levels modulate the penetrance of a homoplasmic m.4277T>C mitochondrial tRNA(Ile) mutation causing hypertrophic cardiomyopathy. *Hum Mol Genet*. 2012 Jan 1;21(1):85-100. doi: 10.1093/hmg/ddr440. Epub 2011 Sep 26. PMID: 21945886. IF 6.15 Cit. 52

18) Montanari A, De Luca C, **Di Micco P**, Morea V, Frontali L, Francisci S. Structural and functional role of bases 32 and 33 in the anticodon loop of yeast mitochondrial tRNA<sup>Ile</sup>. *RNA*. 2011 Nov;17(11):1983- 96. doi: 10.1261/rna.2878711. Epub 2011 Sep 13. PMID: 21914842; PMCID: PMC3198592. IF 4.942 Cit 7

#### CONSISTENZA COMPLESSIVA DELLA PRODUZIONE SCIENTIFICA:

Il candidato dichiara una produzione scientifica complessiva pari a N. 19 pubblicazioni,

H Index=10

IF tot=151.332

IF medio= 8.407

citazioni complessive=378

numero medio di citazioni per pubblicazione=21

#### **CANDIDATO: Valerio Licursi**

- |  |            |
|--|------------|
| 1) Titolo di Dottore di Ricerca in Biologia Cellulare e dello Sviluppo presso Università di Roma "Sapienza" (2011) | VALUTABILE |
| 2) Posizioni di ricerca 2011 al 2021   | VALUTABILE |
| 3) Attività Didattica 2012 al 2021   | VALUTABILE |
| 4) Relazioni orali a congressi   | VALUTABILE |
| 5) Partecipazione a progetti di ricerca  | VALUTABILE |

VERIFICA PUBBLICAZIONI VALUTABILI Tutte le pubblicazioni presentate dal candidato e indicate di seguito (numerate da 1-20) sono valutabili

1) **Licursi V.**, Anzellotti S., Favaro J., Sineri S., Carucci N. Cundari E., Fiore M., Guarguaglini G., Pippa S., Nisi P.S., Verni F., Biagioni S., Cacci E., Amendola R., Lupo G., Negri R. Transcriptional modulations induced by proton irradiation in mice skin in function of adsorbed dose and distance. *Journal of Radiation Research and Applied Sciences* (2021) IF 1.77 Cit. 0

2) Etna M.P., Severa M., **Licursi V.**, Pardini M., Cruciani M., Rizzo F., Giacomini E., Macchia G., Palumbo O., Stallone R., Carella M., Livingstone M., Negri R., Pellegrini S., Coccia E.M. Genome-Wide Gene Expression Analysis of Mtb- Infected DC Highlights the Rapamycin-Driven Modulation of Regulatory Cytokines via the mTOR/GSK-3 $\beta$  Axis. *Front Immunol. Frontiers* (2021) IF 7.561 Cit. 0

3) Di Nisio E, Lupo G, **Licursi V\***, Negri R. The Role of Histone Lysine Methylation in the Response of Mammalian Cells to Ionizing Radiation. *Front Genet.* (2021) IF 4.599 Cit. 0

- 4) Salvi E., Rutten J.P., Di Mambro R., Polverari L., **Licursi V.**, Negri R., Dello Ioio R., Sabatini S., Ten Tusscher K. A Self-Organized PLT/Auxin/ARR-B Network Controls the Dynamics of Root Zonation Development in *Arabidopsis thaliana*. *Developmental Cell* (2020) IF 12.27 Cit. 14
- 5) Paci P., Fiscon G., Conte F., **Licursi V.**, Morrow J., Hersh C., Cho M., Castaldi P., Glass K., Silverman E.K., Farina L. Integrated transcriptomic correlation network analysis identifies COPD molecular determinants. *Sci Rep.* (2020) IF 4.38 Cit. 12
- 6) **Licursi V.**, Anzellotti S., Favaro J., Sineri S., Carucci N., Cundari E., Fiore M., Guarguaglini G., Pippa S., Nisi P.S., Verni F., Biagioni S., Cacci E., Amendola R., Lupo G., Negri R. X-ray irradiated cultures of mouse cortical neural stem/progenitor cells recover cell viability and proliferation with dose-dependent kinetics. *Sci Rep.* (2020) IF 4.38 Cit. 2
- 7) Gasparini S., **Licursi V.**, Presutti C., Mannironi C. The Secret Garden of Neuronal circRNAs. *Cells. Multidisciplinary Digital Publishing Institute;* (2020) IF 6.6 Cit. 2
- 8) Rossi M.N., Pascarella A., **Licursi V.**, Caiello I., Taranta A., Rega L.R., Levchenko E., Emma F., De Benedetti F., Prencipe G. NLRP2 Regulates Proinflammatory and Antiapoptotic Responses in Proximal Tubular Epithelial Cells. *Front Cell Dev Biol.* (2019) IF 5.186 Cit. 11
- 9) Mocavini I., Pippa S., **Licursi V.**, Paci P., Trisciuoglio D., Mannironi C., Presutti C., Negri R. JARID1B expression and its function in DNA damage repair are tightly regulated by miRNAs in breast cancer. *Cancer Sci.* (2019) IF 4.966 Cit. 9
- 10) Luly F.R., Leveque M., **Licursi V.**, Cimino G., Martin- Chouly C., Theret N., Negri R., Cavinato L., Ascenzioni F., Del Porto P. MiR-146a is over-expressed and controls IL-6 production in cystic fibrosis macrophages. *Sci Rep.* (2019) IF 3.998 Cit. 18
- 11) **Licursi V.**, Conte F, Fiscon G, Paci P. MIENTURNET: an interactive web tool for microRNA-target enrichment and network- based analysis. *BMC Bioinformatics* (2019) IF3.242 Cit 52
- 12) Conte F., Fiscon G., **Licursi V.**, Bizzarri D., D'Anto T., Farina L., Paci P. A paradigm shift in medicine: A comprehensive review of network-based approaches. *Biochimica et Biophysica Acta (BBA) - Gene Regulatory Mechanisms* (2019)IF 4.49 Cit. 42
- 13) Fiscon G, Conte F, **Licursi V.**, Nasi S, Paci P. Computational identification of specific genes for glioblastoma stem-like cells identity. *Scientific Reports.* (2018) IF 4.011 Cit. 29
- 14) **Licursi V.**, Cestelli Guidi M., Del Vecchio G., Mannironi C., Presutti C., Amendola R., Negri R. Leptin induction following irradiation is a conserved feature in mammalian epithelial cells and tissues. *Int J Radiat Biol.* (2017) IF 1.97 Cit. 3
- 15) Guadagno N.A., Moriconi C., **Licursi V.**, D'Acunto E., Nisi P.S., Carucci N., De Jaco A., Cacci E., Negri R., Lupo G., Miranda E. Neuroserpin polymers cause oxidative stress in a neuronal model of the dementia FENIB. *Neurobiol Dis.* (2017) IF 5.227 Cit. 15
- 16) Fragale A., Romagnoli G., **Licursi V.**, Buoncervello M., Del Vecchio G., Giuliani C., Parlato S., Leone C., De Angelis M., Canini I., Toschi E., Belardelli F., Negri R., Capone I., Presutti C., Gabriele L. Antitumor Effects of Epidrug/IFN $\alpha$  Combination Driven by Modulated Gene Signatures in Both Colorectal Cancer and Dendritic Cells. *Cancer Immunol Res.* (2017) IF 9.188 Cit. 12
- 17) Simão D., Pinto C., Piersanti S., Weston A., Peddie C.J., Bastos A.E.P., **Licursi V.**, Schwarz S.C., Collinson L.M., Salinas S., Serra M., Teixeira A.P., Saggio I., Lima P.A., Kremer E.J., Schiavo G., Brito C., Alves P.M. Modeling Human Neural Functionality In Vitro: Three-Dimensional Culture for Dopaminergic Differentiation. *Tissue Engineering Part A.* (2014) IF 3.892 Cit. 29

18) **Licursi V.**, Salvi C., De Cesare V., Rinaldi T., Mattei B., Fabbri C., Serino G., Bramasole L., Zimble J.Z., Pick E., Barnes B.M., Bard M., Negri R. The COP9 signalosome is involved in the regulation of lipid metabolism and of transition metals uptake in *Saccharomyces cerevisiae*. FEBS J. (2014) IF 4.001 Cit. 13

19) **Licursi V.**, Caiello I., Lombardi L., De Stefano M.E., Negri R., Paggi P. Lack of dystrophin in mdx mice modulates the expression of genes involved in neuron survival and differentiation. Eur J Neurosci. (2012) if 3,386 Cit.8

20) Fratini E. \*, **Licursi V.\***, Artibani M., Kobos K., Colautti P., Negri R., Amendola R. Dose-dependent onset of regenerative program in neutron irradiated mouse skin. PLoS ONE (2011) IF 4.092 Cit. 14

#### CONSISTENZA COMPLESSIVA DELLA PRODUZIONE SCIENTIFICA:

Il candidato dichiara una produzione scientifica complessiva pari a N. 40 pubblicazioni,

H Index=12

IF tot=188.9

IF medio= 4.7

citazioni complessive=414

numero medio di citazioni per pubblicazione=9.2

#### **CANDIDATO: Daniele Narzi**

- |  |            |
|--|------------|
| 1) Titolo di Dottore di Ricerca University of Erlangen- Nürnberg -Germany (2011) | VALUTABILE |
| 2) Posizioni di Ricerca 2012 al 2021   | VALUTABILE |
| 3) Attività Didattica 2013 e dal 2020 al 2021                                    | VALUTABILE |
| 4) Relazioni orali a congressi   | VALUTABILE |
| 5) Partecipazioni a Progetti di ricerca  | VALUTABILE |

VERIFICA PUBBLICAZIONI VALUTABILI Tutte le pubblicazioni presentate dal candidato e indicate di seguito (numerate da 1-20) sono valutabili

1. **D. Narzi**, and L. Guidoni “Structural and dynamic insights into Mn<sub>4</sub>Ca cluster-depleted Photosystem II” Phys. Chem. Chem. Phys. 23 (2021) 27428-27436 (IF: 3.676 Cit: 0)

2. A. Scortica, M. Capone, **D. Narzi**<sup>‡</sup>, M. Frezzini, V. Scafati, M. Giovannoni, F. Angelucci, L. Guidoni, B. Mattei, M. Benedetti “A molecular dynamics-guided mutagenesis identifies two aspartic acid residues involved in the pH-dependent activity of OG-OXIDASE 1” Plant Physiol. Biochem. 169 (2021) 171-182 (IF: 4.27 Cit: 0)

3. M. Capone, **D. Narzi**<sup>‡</sup> and L. Guidoni “Mechanism of Oxygen Evolution and Mn<sub>4</sub>CaO<sub>5</sub> Cluster Restoration in the Natural Water-Oxidizing Catalyst” Biochemistry 60 (2021) 2341–2348 (IF: 3.163 Cit: 0)

4. **D. Narzi**, S.C. van Keulen and U. Roethlisberger "G $\alpha$ i1 Inhibition Mechanism of ATP-bound Adenylyl Cyclase Type 5" PLoS ONE 16 (2021) e0245197 (IF: 3.24 Cit: 2)

5. M. Capone, L. Guidoni, and **D. Narzi**<sup>‡</sup> “Structural and dynamical characterization of the S<sub>4</sub> state of the Kok-Joliot’s cycle by means of QM/MM Molecular Dynamics Simulations” Chem. Phys. Lett. 742 (2020) 137111 (IF: 2.328 Cit: 2)

6. N. Bruce\*, **D. Narzi\***, D. Trpevski\*, S.C. van Keulen\*, A. Nair, P. Vidossich, U. Roethlisberger, R. Wade, P. Carloni and J.H.Kotaleski “Regulation of adenylyl cyclase 5 in striatal neurons confers the ability to detect coincident neuromodulatory signals” *PLoS. Comp. Biol.* 15 (2019) e1007382 (IF: 4.7 Cit: 8)
7. S.C. van Keulen, **D. Narzi**, U. Roethlisberger “Association of Both Inhibitory and Stimulatory G $\alpha$  Subunits Implies Adenylyl Cyclase 5 Deactivation” *Biochemistry* 58 (2019) 4317-4324 (IF: 2.865 Cit: 7)
8. **D. Narzi\***<sup>‡</sup>, M. Capone\*, D. Bovi and L. Guidoni “Evolution from S3 to S4 state of the oxygen evolving complex in Photosystem II monitored by QM/MM dynamics” *Chem. – Eur. J.* 24 (2018) 10820-10828 (IF: 5.16 Cit: 13)
9. T. Milano, A. Gulzar, **D. Narzi**, L. Guidoni and S. Pascarella “Molecular dynamics simulation unveils the conformational flexibility of the interdomain linker in the bacterial transcriptional regulator GabR from *Bacillus subtilis* bound to pyridoxal 5'-phosphate” *PLoS ONE*. 12 (2017) e0189270 (IF: 2.766 Cit: 6)
10. **D. Narzi\***<sup>‡</sup>, E. Coccia, M. Manzoli and L. Guidoni “Impact of molecular flexibility on the site energy shift of chlorophylls in Photosystem II” *Biophys. Chem.* 229 (2017) 93-98 (IF: 1.87 Cit: 8)
11. **D. Narzi\***<sup>‡</sup>, G. Mattioli\*, D. Bovi and L. Guidoni “A Spotlight on the Compatibility between XFEL and Ab Initio Structures of the Oxygen Evolving Complex in Photosystem II” *Chem. – Eur. J.* 23 (2017) 6969-6973 (IF: 5.16 Cit: 22)
12. M. Capone, **D. Narzi**, D. Bovi, and L. Guidoni “Mechanism of water delivery to the active site of Photosystem II along the S2 to S3 transition” *J. Phys. Chem. Lett.* 7 (2016) 592-596 (IF: 9.353 Cit: 61)
13. **D. Narzi**, D. Bovi, P. De Gaetano and L. Guidoni, “Dynamics of the Special Pair of Chlorophylls of Photosystem II” *J. Am. Chem. Soc.* 138 (2016) 257-264 (IF: 13.858 Cit: 16)
14. M. Capone, D. Bovi, **D. Narzi** and L. Guidoni, “Reorganization of substrate waters between the closed and open cubane conformers during the S2 to S3 transition in the Oxygen Evolving Complex” *Biochemistry*. 54 (2015) 6442 (IF: 2.876 Cit: 49)
15. F. Pitari, D. Bovi, **D. Narzi** and L. Guidoni, “Characterization of Sr<sup>2+</sup> and Cd<sup>2+</sup> substituted Oxygen Evolving Complex of Photosystem II by QM/MM calculations” *Biochemistry*. 54 (2015) 5959 (IF: 2.876 Cit: 21)
16. **D. Narzi\***, D. Bovi\* and L. Guidoni. “Pathway for Mn-cluster oxidation by tyrosine-Z in the S2 state of photosystem II” *Proc. Natl. Ac. Sci. USA* 111 (2014) 8723 – 8728 (IF: 9.674 Cit: 90)
17. D. Bovi\*, **D. Narzi\*** and L. Guidoni. “The S2 state of the Oxygen-Evolving Complex of Photosystem II explored by QM/MM dynamics: spin surfaces and metastable states suggest a reaction path towards the S3 state” *Ang. Chem. Int. Ed.* 52 (2013) 11744–11749 (IF: 11.336 Cit: 113)
18. **D. Narzi**, C. M. Becker, M. T. Fiorillo, A. Ziegler and R. A. Böckmann. “Dynamical characterization of two differentially disease-associated MHC Class I proteins in complex with viral- and self-antigenes” *J. Mol. Biol.* 415 (2012) 429-442 (IF: 3.905 Cit: 57)
19. **D. Narzi**, S. W. I. Siu, J. Kesavan, R. Mohrmann, R. A. Böckmann and D. Bruns. “Membrane-proximal tryptophanes of Synaptobrevin II promote priming of secretory vesicles” *J. Neur. Sci.* 32 (2012) 15983–15997 (IF: 6.908 Cit: 26)
20. E. Nurzia\*, **D. Narzi\***, A. Cauli, A. Mathieu, V. Tedeschi, R. Sorrentino, R. A. Böckmann and M. T. Fiorillo. “Interaction pattern of Arg 62 in the A-pocket of differentially disease-associated HLA-B27 subtypes suggests distinct TCR binding modes” *PLoS ONE* 7 (2012) e32865 (IF: 3.73 Cit: 17)

Il candidato dichiara una produzione scientifica complessiva pari a N. 29 pubblicazioni,

H Index=13

IF tot=140,47

IF medio= 4.84

citazioni complessive=650

numero medio di citazioni per pubblicazione=22.4

### **CANDIDATA: Livia Perfetto**

- 1) Titolo di Dottore di Ricerca in Biologia Molecolare e Cellulare - Università di Roma Tor Vergata (2015)

VALUTABILE

- 2) Posizioni di Ricerca 2014 al 2021

VALUTABILE

- 3) Attività Didattica 2021

VALUTABILE

- 4) Partecipazione a Progetti di Ricerca

VALUTABILE

- 5) Premi e Riconoscimenti

VALUTABILE

VERIFICA PUBBLICAZIONI VALUTABILI Tutte le pubblicazioni presentate dalla candidata e indicate di seguito (numerare da 1-19) sono valutabili

1) De Marinis, I., Lo Surdo, P., Cesareni, G., & **Perfetto, L.** SIGNORApp: a Cytoscape 3 application to access SIGNOR data 2021. *Bioinformatics* Vol:10.1093/bioinformatics/btab865 Article. citations: 0; IF of 2021: 6.937

2) Cesareni G., Sacco F., & **Perfetto L.** Assembling Disease Networks From Causal Interaction Resources 2021. *Frontiers in Genetics* Vol: 1210.3389/fgene.2021.694468 Review. citations: 0; IF of 2021: 4.599

3) **Perfetto L.**, Micarelli E., Iannuccelli M., Lo Surdo P., Giuliani G., Latini S., Pugliese G.M., Massacci G., Vumbaca S., Riccio F., Fuoco C., Paoluzi S., Castagnoli L., Cesareni G., Licata L., Sacco F. A resource for the network representation of cell perturbations caused by SARS-CoV-2 infection 2021. *Genes* Vol: 12 10.3390/genes12030450 Article. citations: 1; IF of 2021: 4.096

4) Palma A., Iannuccelli M., Rozzo I., Licata L., **Perfetto L.**, Massacci G., Castagnoli L., Cesareni G., Sacco F. Integrating patient-specific information into logic models of complex diseases: Application to acute myeloid leukemia 2021. *Journal of Personalized Medicine* Vol: 11 10.3390/jpm11020117 Article. citations: 4; IF of 2021: 4.945

5) Pugliese G.M., Latini S., Massacci G., **Perfetto L.**, Sacco F. Combining mass spectrometry-based phosphoproteomics with a network-based approach to reveal flt3-dependent mechanisms of chemoresistance 2021. *Proteomes* Vol: 9 10.3390/proteomes9020019 Review. citations: 0; no IF

6) Porras P., Barrera E., Bridge A., del-Toro N., Cesareni G., Duesbury M., Hermjakob H., Iannuccelli M., Jurisica I., Kotlyar M., Licata L., Lovering R.C., Lynn D.J., Meldal B., Nanduri B., Paneerselvam K., Panni S., Pastrello C., Pellegrini M., **Perfetto L.**, Rahimzadeh N., Ratan P., Ricard-Blum S., Salwinski L., Shirodkar G., Shrivastava A., Orchard S. Towards a unified open access dataset of molecular interactions 2020. *Nature Communications* Vol: 11 10.1038/s41467-020-19942-z Article. citations: 12; IF of 2020: 14.919

7) **Perfetto L.**, Pastrello C., Del-Toro N., Duesbury M., Iannuccelli M., Kotlyar M., Licata L., Meldal B., Paneerselvam K., Panni S., Rahimzadeh N., Ricard-Blum S., Salwinski L., Shrivastava A., Cesareni G., Pellegrini M., Orchard S., Jurisica I., Hermjakob H., Porras P. The IMEx coronavirus interactome: An

evolving map of Coronaviridae-host molecular interactions 2020. Database Vol: 2020<sup>[1]</sup><sub>SEP</sub>;10.1093/database/baaa096 Article. citations: 13; IF of 2020: 3.451

8) Iannuccelli M., Micarelli E., Surdo P.L., Palma A., **Perfetto L.**, Rozzo I., Castagnoli L., Licata L., Cesareni G. CancerGeneNet: Linking driver genes to cancer hallmarks 2020. Nucleic Acids Research Vol: 48 10.1093/nar/gkz871 Article. citations: 7; IF of 2020: 16.971

9) del-Toro N., Duesbury M., Koch M., **Perfetto L.**, Shrivastava A., Ochoa D., Wagih O., Piñero J., Kotlyar M., Pastrello C., Beltrao P., Furlong L.I., Jurisica I., Hermjakob H., Orchard S., Porras P., Khadake J., Meldal B., Panni S., Thorneycroft D., van Roey K., Abbani S., Salwinski L., Pellegrini M., Iannuccelli M., Licata L., Cesareni G., Roechert B., Bridge A., Ammari M.G., McCarthy F., Broackes-Carter F., Campbell N.H., Melidoni A.N., Rodriguez-Lopez M., Lovering R.C., Jagannathan S., Chen C., Lynn D.J., Ricard-Blum S., Mahadevan U., Raghunath A., IMEx Consortium contributing authors Capturing variation impact on molecular interactions in the IMEx Consortium mutations data set 2019. Nature Communications Vol: 1010.1038/s41467-018-07709-6 Article. citations: 26; IF of 2019: 12.121

10) **Perfetto L.**, Acencio M.L., Bradley G., Cesareni G., Del Toro N., Fazekas D., Hermjakob H., Korcsmaros T., Kuiper M., Lægreid A., Lo Surdo P., Lovering R.C., Orchard S., Porras P., Thomas P.D., Touré V., Zobolas J., Licata L.<sup>[1]</sup><sub>SEP</sub>CausalTAB: The PSI-MITAB 2.8 updated format for signalling data representation and dissemination 2019. Bioinformatics Vol: 3510.1093/bioinformatics/btz132 Article. citations: 11; IF of 2019: 5.61

11) Meldal B.H.M., Bye-A-Jee H., Gajdoš L., Hammerová Z., Horáčková A., Melicher F., **Perfetto L.**, Pokorný D., Lopez M.R., Türková A., Wong E.D., Xie Z., Casanova E.B., Del-Toro N., Koch M., Porras P., Hermjakob H., Orchard S. Complex Portal 2018: Extended content and enhanced visualization tools for macromolecular complexes 2019. Nucleic Acids Research Vol: 47 10.1093/nar/gky1001 Article. citations: 37; IF of 2019: 11.502

12) Sacco F., **Perfetto L.**, Cesareni G. Combining Phosphoproteomics Datasets and Literature Information to Reveal the Functional Connections in a Cell Phosphorylation Network 2018. Proteomics Vol: 18 10.1002/pmic.201700311 Review. citations: 12; IF of 2018: 3.106

13) Lo Surdo P., Calderone A., Iannuccelli M., Licata L., Peluso D., Castagnoli L., Cesareni G., & **Perfetto L.** DISNOR: A disease network open resource 2018. Nucleic Acids Research Vol: 46 10.1093/nar/gkx876 Article. citations: 18; IF of 2018: 11.147

14) Surdo P.L., Calderone A., Cesareni G., & **Perfetto L.**, SIGNOR: A database of causal relationships between biological entities-a short guide to searching and browsing 2017. Current Protocols in Bioinformatics Vol: 2017 10.1002/cpbi.28 Article. citations: 6; no IF

15) **Perfetto L.**, Briganti L., Calderone A., Perpetuini A.C., Iannuccelli M., Langone F., Licata L., Marinkovic M., Mattioni A., Pavlidou T., Peluso D., Petrilli L.L., Pirró S., Posca D., Santonico E., Silvestri A., Spada F., Castagnoli L., Cesareni G. SIGNOR: A database of causal relationships between biological entities 2016. Nucleic Acids Research Vol: 44 10.1093/nar/gkv1048 Article. citations: 129; IF of 2016: 10.162

16) **Perfetto L.**, Gherardini P.F., Davey N.E., Diella F., Helmer-Citterich M., Cesareni G. Exploring the diversity of SPRY/B30.2-mediated interactions 2013. Trends in Biochemical Sciences Vol: 3810.1016/j.tibs.2012.10.001 Review. citations: 52; IF of 2013: 13.522

17) Sacco F. & **Perfetto L.**, Castagnoli L., Cesareni G. The human phosphatase interactome: An intricate family portrait 2012. FEBS Letters Vol: 58610.1016/j.febslet.2012.05.008 Review. citations: 122; IF of 2012: 3.582

18) Orchard S., Kerrien S., Abbani S., Aranda B., Bhate J., Bidwell S., Bridge A., Briganti L., Brinkman F., Cesareni G., Chatr-Aryamontri A., Chautard E., Chen C., Dumousseau M., Goll J., Hancock R., Hannick L.I., Jurisica I., Khadake J., Lynn D.J., Mahadevan U., **Perfetto L.**, Raghunath A., Ricard-Blum S., Roechert B.,

Salwinski L., Stämpflen V., Tyers M., Uetz P., Xenarios I., Hermjakob H. Protein interaction data curation: The International Molecular Exchange (IMEx) consortium 2012. Nature Methods Vol: 9<sup>FEB</sup>10.1038/nmeth.1931 Review. citations: 334; IF of 2012: 23.565

19) Carducci M. & **Perfetto L.**, Briganti L., Paoluzi S., Costa S., Zerweck J., Schutkowski M., Castagnoli L., Cesareni G. The protein interaction network mediated by human SH3 domains 2012. Biotechnology Advances Vol: 30 10.1016/j.biotechadv.2011.06.012 Article. citations: 37; IF of 2012: 9.599

La Candidata dichiara una produzione scientifica complessiva pari a N. 38 pubblicazioni,

H Index=18

IF tot=358,101

IF medio= 9.67

citazioni complessive=4772

numero medio di citazioni per pubblicazione=125,6

La Commissione termina i propri lavori alle ore 14:00

Letto, approvato e sottoscritto.

Firma del Commissari

| Carlo Presutti .....

.....

.....

ALLEGATO E AL VERBALE N. 3  
GIUDIZI INDIVIDUALI E COLLEGIALI SU TITOLI E PUBBLICAZIONI

**PROCEDURA SELETTIVA DI CHIAMATA PER N.1 POSTO DI RICERCATORE A TEMPO DETERMINATO DI TIPOLOGIA B PER IL SETTORE CONCORSALE 05/E2 - SETTORE SCIENTIFICO-DISCIPLINARE BIO/11 - PRESSO IL DIPARTIMENTO DI BIOLOGIA E BIOTECNOLOGIE DELL'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI ROMA "LA SAPIENZA" BANDITA CON D.R. N. 3227/2021 DEL 02/12/2021**

L'anno 2022, il giorno 6 del mese di Giugno in Roma, si è riunita la Commissione giudicatrice della procedura selettiva di chiamata per n. 1 posto di Ricercatore a tempo determinato di tipologia B per il Settore concorsuale 05/E2 – Settore scientifico-disciplinare BIO/11 - presso il Dipartimento di Biologia e Biotecnologie dell'Università degli Studi di Roma "La Sapienza", nominata con D.R. n. 731/2022 del 08/03/2022, successivamente modificato con D.R. 1424/2022 del 27/04/2022, e composta da:

- Prof. Gennaro Ciliberto – professore ordinario presso il Dipartimento di Medicina Sperimentale e Clinica dell'Università degli Studi di Catanzaro (Presidente);
- Prof. Giorgio Dieci – professore ordinario presso il Dipartimento di Scienze Chimiche, della Vita e della Sostenibilità Ambientale dell'Università degli Studi di Parma (componente);
- Prof. Carlo Presutti – professore associato presso il Dipartimento di Biologia e Biotecnologie dell'Università degli Studi di Roma "Sapienza" (Segretario).

La Commissione inizia i propri lavori alle ore 12 (telematicamente via Google Meet - <https://meet.google.com/xfq-ztox-fbn> ) e procede ad elaborare la valutazione individuale e collegiale dei candidati.

**1) CANDIDATO: Patrizio DI MICCO**

Profilo curriculare sintetico come da elenco titoli valutabili indicati nell'allegato D

Valutazione dei titoli:

Il candidato Patrizio Di Micco ha ottenuto la laurea magistrale in Biotecnologie genomiche nel 2009 presso Sapienza Università di Roma e il Dottorato in Biochimica nel 2013 presso lo stesso ateneo. Dal 2013 ha lavorato prima come assegnista presso il Dipartimento di Scienze Biochimiche (Sapienza), poi come borsista Telethon e Pasteur presso Dipartimento di Scienze Radiologiche, Oncologiche e Anatomo-Patologiche della stessa Università. Dal 2016 è Research Scientist presso Institute of Cancer Research (Londra, UK). Complessivamente alla data di scadenza del Bando aveva occupato per circa 9 anni posizioni di ricerca presso qualificate istituzioni. Ha svolto attività di tutoraggio nell'ambito del Master in Bioinformatica presso Sapienza Università di Roma. Ha partecipato a progetti di ricerca finanziati da qualificate istituzioni nazionali ed internazionali. Dichiaro partecipazione a convegni scientifici internazionali, anche in qualità di relatore, per cui ha conseguito alcuni premi.

**COMMISSARIO Gennaro Ciliberto**

Valutazione delle pubblicazioni

Art. n.	Congruità SSD	Originalità\innovatività\rigore metodologico\rilevanza	Primo (incluso co- first)/ultimo
---------	------------------	---	-------------------------------------

			autore/corresponding (incluso co- corresponding)
1	si	Buona	No
2	si	Buona	No
3	parziale	Buona	No
4	Si	Ottima	No
5	Si	Ottima	No
6	Si	Ottima	No
7	Si	Buona	No
8	Si	Ottima	No
9	Si	Buona	No
10	Si	Buona	No
11	Si	Discreta	Si
12	Si	Ottima	No
13	Si	Discreta	Si
14	Si	Ottima	No
15	Si	Buona	No
16	Si	Discreta	No
17	Si	Buona	No
18	Si	Buona	No

#### Valutazione complessiva

Il Candidato presenta per la valutazione 18 pubblicazioni scientifiche, ampiamente congruenti con il SSD BIO/11, e su riviste internazionali di livello mediamente buono. L'attività di ricerca più recente è incentrata sullo studio di proteine e peptidi e loro complessi studiati con approcci di biologia computazionale, con un particolare interesse per le implicazioni biomediche traslazionali. Nelle pubblicazioni presentate il candidato occupa una posizione come autore primo/ultimo o corrispondente solo in 2 lavori su 18. Il candidato documenta attività di ricerca presso istituzioni italiane ed estere di ottimo livello, e una intensa attività congressuale. Il candidato ha partecipato a progetti di ricerca ed ha ricevuto alcuni premi nell'ambito di convegni scientifici. L'attività didattica è limitata. Nell'insieme si configura un profilo scientifico di buon livello.

#### **COMMISSARIO Giorgio Dieci**

#### Valutazione delle pubblicazioni

Art. n.	Congruità SSD	Originalità\innovatività\rigore metodologico\rilevanza	Primo/ultimo autore/corresponding
1	si	Molto buona	No

2	si	Molto buona	No
3	parziale	Buona	No
4	Si	Ottima	No
5	Si	Ottima	No
6	Si	Ottima	No
7	Si	Buona	No
8	Si	Ottima	No
9	Si	Molto Buona	No
10	Si	Molto Buona	No
11	Si	Buona	Si
12	Si	Molto Buona	No
13	Si	Buona	Si
14	Si	Ottima	No
15	Si	Molto Buona	No
16	Parziale	Buona	No
17	Si	Molto buona	No
18	Si	Buona	No

#### Valutazione complessiva

Il Candidato presenta per la valutazione 18 pubblicazioni scientifiche, per la maggior parte congruenti con il SSD BIO/11, su riviste di livello complessivamente alto. L'attività di ricerca più recente è incentrata sullo studio di proteine e peptidi e loro complessi studiati con approcci di biologia computazionale, con un particolare interesse per le implicazioni biomediche traslazionali. Nelle pubblicazioni presentate il candidato occupa una posizione preminente nella lista degli autori in solo 2 lavori su 18. Il candidato documenta attività di ricerca presso istituzioni italiane ed estere di alto livello, e una notevole attività congressuale. Il candidato ha partecipato a progetti di ricerca ed ha ricevuto alcuni premi nell'ambito di convegni scientifici. L'attività didattica appare limitata. Nell'insieme si configura un profilo scientifico di buon livello, prevalentemente connotato da contributi specifici a lavori di équipe riferiti a svariati ambiti di ricerca.

#### **COMMISSARIO Carlo Presutti**

#### Valutazione delle pubblicazioni

Art. n.	Congruità SSD	Originalità\innovatività\rigore metodologico\rilevanza	Primo (incluso co-first)/ultimo autore/corresponding (incluso co-corresponding)
1	si	Molto buona	No
2	si	Molto buona	No

3	parziale	Buona	No
4	Si	Ottima	No
5	Si	Ottima	No
6	Si	Ottima	No
7	Si	Buona	No
8	Si	Ottima	No
9	Si	Molto Buona	No
10	Si	Molto Buona	No
11	Si	Buona	Si
12	Si	Molto Buona	No
13	Si	Buona	Si
14	Si	Ottima	No
15	Si	Molto Buona	No
16	Parziale	Buona	No
17	Si	Molto buona	No
18	Si	Buona	No

#### Valutazione complessiva

Il candidato presenta per la valutazione 18 pubblicazioni scientifiche, quasi completamente congruenti con il SSD BIO/11 su riviste di livello complessivamente molto buono. L'attività di ricerca è incentrata sullo studio di proteine e peptidi e loro complessi studiati con approccio di biologia computazionale. Nelle pubblicazioni presentate il candidato occupa una posizione preminente nella lista degli autori in solo 2 lavori su 18. Il candidato documenta attività di ricerca presso istituzioni italiane ed estere, quali l'Institute of Cancer Research (Londra, UK), accompagnata alla partecipazione a diverse conferenze internazionali. Il candidato ha partecipato a progetti di ricerca ed ha ricevuto alcuni premi nell'ambito di convegni. L'attività didattica appare limitata. Nell'insieme si configura un profilo di buon livello.

#### GIUDIZIO COLLEGALE

**Il Candidato Di Micco Patrizio presenta 18 pubblicazioni quasi completamente congruenti con il SSD BIO/11. Solamente in due delle pubblicazioni presentate è possibile individuare un apporto individuale preminente. La produzione scientifica globale del candidato evidenzia una buona maturità e conoscenza delle tecniche computazionali connesse alle proteine ed all'analisi di big data. La produzione scientifica complessiva ammonta a 19 lavori nel periodo 2011-2021, con H-Index=10, IF tot=151.332 e Cit.tot=378.**

**L'attività di ricerca è continuativa ed è caratterizzata da una buona produttività ed originalità. L'IF medio della produzione scientifica è 8,407, indicando che in generale le pubblicazioni del candidato si collocano in una fascia editoriale di livello alto. La partecipazione a congressi in ambito nazionale ed internazionale è buona. L'attività didattica appare limitata. Si configura un profilo di attività scientifica-didattica di buon livello e congruente con il SSD BIO/11.**

#### **2) CANDIDATO Valerio LICURSI**

Profilo curriculare sintetico come da elenco titoli valutabili indicati nell'allegato D

Valutazione sui titoli:

Il candidato Valerio Licursi ha ottenuto la Laurea Magistrale in Biotecnologie Genomiche presso Sapienza Università di Roma nel 2007 ed il Dottorato in Biologia Cellulare e dello Sviluppo presso lo stesso ateneo nel 2011. In seguito ha ricoperto diverse posizioni di ricerca all'Università e al CNR. Dal 2019 è Ricercatore a tempo determinato di tipo A (RTD-A) presso il Dipartimento di Biologia e Biotecnologie "C.Darwin" di Sapienza Università di Roma. Complessivamente alla data di scadenza del bando aveva occupato per circa 10 anni posizioni di ricerca presso qualificate istituzioni. L'attività di ricerca è stata particolarmente (ma non esclusivamente) focalizzata sull'analisi bioinformatica applicata alla ricerca in Biologia Molecolare.

L'attività didattica risulta intensa e continuativa, focalizzata sulla Bioinformatica e completamente coerente con il settore disciplinare BIO/11. In particolare: il candidato è stato titolare negli ultimi 2 anni accademici del corso: Bioinformatics I (6 CFU, BIO/11) per il corso di laurea triennale in Bioinformatics e membro del Collegio dei Docenti del Dottorato in Biologia Cellulare e dello Sviluppo di Sapienza Università di Roma. E' stato supervisore di numerose Tesi Magistrali e di Dottorato.

Ha partecipato a progetti di ricerca finanziati da qualificate istituzioni nazionali ed internazionali. Dichiara partecipazione a convegni scientifici internazionali, anche in qualità di relatore.

## COMMISSARIO Gennaro Ciliberto

Valutazione delle pubblicazioni

Art. n.	Congruità SSD	Originalità\innovatività\rigore metodologico\rilevanza	Primo (incluso co-first)/ultimo autore/corresponding (incluso co-corresponding)
1	Si	Discreta	Si
2	Si	Buona	No
3	Si	Discreta	Si
4	Si	Ottima	No
5	Si	Discreta	No
6	Si	Discreta	Si
7	Si	Buona	No
8	Si	Buona	No
9	Si	Discreta	No
10	Si	Discreta	No
11	Si	Discreta	Si
12	Si	Discreta	No
13	Si	Discreta	No
14	Si	Discreta	Si
15	Si	Buona	No
16	Si	Ottima	No
17	Parz	Discreta	No
18	Si	Discreta	Si
19	Si	Discreta	Si
20	Si	Discreta	Si

## Valutazione complessiva

Il candidato Valerio Licursi presenta 20 pubblicazioni largamente congruenti con il SSD BIO/11. La produzione scientifica ha una collocazione editoriale di discreto livello. I lavori ricoprono diverse tematiche nell'ambito della biologia molecolare, e riguardano prevalentemente analisi di tipo bioinformatico. Il candidato ricopre una posizione come primo/ultimo o autore corrispondente in 8 lavori su 20. L'attività didattica svolta appare intensa e coerente con il settore scientifico disciplinare oggetto della procedura. In conclusione, il candidato Licursi dimostra un profilo di livello molto buono pienamente congruente con le caratteristiche del SSD BIO/11.

## COMMISSARIO Giorgio Dieci

### Valutazione delle pubblicazioni

Art. n.	Congruità SSD	Originalità\innovatività\rigore metodologico\rilevanza	Primo (incluso co-first)/ultimo autore/corresponding (incluso co-corresponding)
1	Si	Buona	Si
2	Si	Molto buona	No
3	Si	Buona	Si
4	Si	Ottima	No
5	Si	Molto Buona	No
6	Si	Molto Buona	Si
7	Si	Ottima	No
8	Si	Molto Buona	No
9	Si	Molto Buona	No
10	Si	Molto Buona	No
11	Si	Molto Buona	Si
12	Si	Molto Buona	No
13	Si	Molto Buona	No
14	Si	Buona	Si
15	Si	Molto Buona	No
16	Si	Ottima	No
17	Si	Buona	No
18	Si	Molto Buona	Si
19	Si	Buona	Si
20	Si	Molto Buona	Si

## Valutazione complessiva

Il candidato Valerio Licursi presenta 20 pubblicazioni tutte congruenti con il SSD BIO/11. Prevalentemente la produzione scientifica ha una collocazione editoriale di livello molto alto. I lavori affrontano in modo originale diverse tematiche di frontiera nell'ambito della biologia molecolare, e testimoniano spesso un importante contributo bioinformatico. Considerando il contributo individuale alle pubblicazioni, il candidato ricopre una posizione preminente in 8 lavori su 20 a testimonianza di un ruolo di diretta responsabilità.

Da uno sguardo complessivo sui lavori scientifici e sui relativi temi di ricerca, si evidenzia che il candidato ha partecipato a numerosi lavori collaborativi, fornendo come contributo originale un approccio metodologico volto a valorizzare nei diversi ambiti il potenziale conoscitivo delle analisi di Genomica Funzionale. L'attività didattica svolta appare intensa e coerente con l'approccio e le competenze evidenziate dall'attività scientifica. In conclusione, il candidato Licursi dimostra un profilo di ottimo livello pienamente congruente con le peculiarità del SSD BIO/11 dal punto di vista sia della ricerca sia della didattica.

### **COMMISSARIO Carlo Presutti**

#### Valutazione delle pubblicazioni

Art. n.	Congruità SSD	Originalità\innovatività\rigore metodologico\rilevanza	Primo/ultimo autore/corresponding
1	Si	Buona	Si
2	Si	Molto buona	No
3	Si	Buona	Si (review)
4	Si	Ottima	No
5	Si	Molto Buona	No
6	Si	Molto Buona	Si
7	Si	Ottima	No
8	Si	Molto Buona	No
9	Si	Molto Buona	No
10	Si	Molto Buona	No
11	Si	Ottima	Si
12	Si	Molto Buona	No
13	Si	Molto Buona	No
14	Si	Buona	Si
15	Si	Molto Buona	No
16	Si	Ottima	No
17	Si	Buona	No
18	Si	Molto Buona	Si
19	Si	Buona	Si
20	Si	Molto Buona	Si

Valutazione complessiva:

Il candidato Valerio Licursi presenta 20 pubblicazioni pienamente congruenti con il SSD BIO/11, complessivamente la produzione scientifica di apparenza di ottima qualità. I lavori sono originali, molto interessanti e presentano spesso un importante contributo bioinformatico. Il candidato ricopre una posizione preminente in 8 lavori su 20 a testimonianza di un ruolo di diretta responsabilità.

Le diverse tematiche di ricerca affrontate nelle pubblicazioni evidenziano l'esistenza di numerose collaborazioni scientifiche nelle quali si evidenzia un chiaro e coerente approccio metodologico volto ad aumentare lo spessore delle analisi di Genomica Funzionale. In conclusione, il candidato Licursi dimostra un profilo di ottimo livello pienamente congruente con il settore BIO/11 sia dal punto di vista di ricerca che didattico.

## **GIUDIZIO COLLEGALE**

**Il Candidato Licursi Valerio presenta 20 pubblicazioni completamente congruenti con il SSD BIO/11. In 8 delle pubblicazioni presentate è possibile individuare un apporto individuale preminente ad indicare un ruolo di responsabilità. La produzione scientifica globale del candidato evidenzia una ottima maturità e conoscenza delle tecniche computazionali relative soprattutto alla analisi di big data. La produzione scientifica complessiva ammonta a 40 lavori nel periodo 2011-2021, con H-Index=12, IF tot=188.9 e Cit.tot=414.**

**L'attività di ricerca è continuativa e caratterizzata da una produttività ed originalità molto elevate che spaziano su tematiche diverse in differenti ambiti di ricerca. L'IF medio della produzione scientifica è 4.7, indicando che in generale le pubblicazioni del candidato si collocano in una fascia editoriale di livello medio. La partecipazione a congressi in ambito nazionale ed internazionale è buona. L'attività didattica appare ottima, continuata nel tempo e perfettamente incentrata sulle tematiche proprie del settore BIO/11. Si configura un profilo di attività scientifica-didattica di ottimo livello e congruente con il SSD BIO/11**

### **3) CANDIDATO: Daniele NARZI**

Valutazione sui titoli:

Il candidato Daniele Narzi ha ottenuto la laurea in Chimica nel 2004 presso l'Università "Sapienza" di Roma ed il Dottorato di Ricerca presso la University of Erlangen- Nürnberg (Germany) nel 2011. In seguito ha ricoperto diverse posizioni di ricerca come assegnista presso l'Università dell'Aquila e presso Sapienza Università di Roma e poi come post-doc presso la École Polytechnique Fédérale de Lausanne (EPFL) dal 2016 al 2019. Dall'Ottobre 2019 ricopre il ruolo di Ricercatore a tempo determinato di tipo A (RTD-A) presso l'Università dell'Aquila. Complessivamente alla data di scadenza del bando aveva occupato per circa 8 anni posizioni di ricerca presso qualificate istituzioni. La attività didattica risulta cospicua sebbene solo parzialmente congruente con il Settore BIO/11-Biologia molecolare. Ha partecipato ed è stato titolare di progetti di ricerca finanziati da qualificate istituzioni nazionali ed internazionali. Dichiara numerose partecipazioni a convegni scientifici internazionali in qualità di relatore.

**COMMISSARIO Gennaro Ciliberto**

## Valutazione delle pubblicazioni

Art. n.	Congruità SSD	Originalità\innovatività\rigore metodologico\rilevanza	Primo/ultimo autore/corresponding
1	parziale	Discreta	Si
2	si	Discreta	Si
3	parziale	Discreta	Si
4	parziale	Discreta	Si
5	parziale	Discreta	Si
6	Si	Discreta	Si
7	Si	Discreta	No
8	parziale	Buona	Si
9	Si	Discreta	No
10	parziale	Discreta	Si
11	Si	Buona	Si
12	parziale	Ottima	No
13	Si	Ottima	Si
14	parziale	Discreta	No
15	parziale	Discreta	No
16	Parziale	Ottima	Si
17	parziale	Ottima	Si
18	Si	Discreta	Si
19	Si	Buona	Si
20	Si	Discreta	Si

## Valutazione complessiva

Il candidato Daniele Narzi presenta 20 pubblicazioni di cui più della metà parzialmente congruenti con il settore BIO/11 Biologia Molecolare. La produzione scientifica appare complessivamente di discreta qualità ed il candidato ricopre una posizione come primo/ultimo o autore corrispondente nella maggior parte dei lavori (15 su 20). Il candidato ha partecipato a numerosi congressi in qualità di relatore ed è titolare di vari finanziamenti di ricerca. L'attività didattica è preminentemente focalizzata su contenuti riguardanti l'ambito biochimico e chimico-fisico e non strettamente attinenti la biologia molecolare. Nel complesso il profilo del candidato, in riferimento sia all'attività scientifica che all'attività didattica, appare di buon livello, benché non pienamente congruente con le tematiche del SSD BIO/11 oggetto della procedura.

**COMMISSARIO Giorgio Dieci**

## Valutazione delle pubblicazioni

Art. n.	Congruità SSD	Originalità\innovatività\rigore metodologico\rilevanza	Primo (incluso co-first)/ultimo autore/corresponding (incluso co-corresponding)
1	parziale	Buona	Si
2	Si	Molto buona	Si
3	parziale	Buona	Si
4	Si	Buona	Si
5	parziale	Buona	Si
6	Si	Molto Buona	Si
7	Si	Buona	No
8	parziale	Molto Buona	Si
9	Si	Buona	No
10	parziale	Buona	Si
11	parziale	Molto Buona	Si
12	parziale	Molto Buona	No
13	parziale	Ottima	Si
14	parziale	Buona	No
15	parziale	Buona	No
16	parziale	Buona	Si
17	parziale	Ottima	Si
18	Si	Molto Buona	Si
19	Si	Molto Buona	Si
20	Si	Molto Buona	Si

#### Valutazione complessiva

Il candidato Daniele Narzi presenta 20 pubblicazioni solo parzialmente congruenti con il settore BIO/11 Biologia Molecolare. La produzione scientifica appare complessivamente di qualità molto buona ed il candidato ricopre molto spesso una posizione preminente: 15 su 20 lavori. Il candidato dimostra una ottima maturità scientifica come indicato dalle numerose partecipazioni a congressi in qualità di relatore e dai finanziamenti dei quali è stato ed è titolare. L'attività didattica, sebbene intensa, appare focalizzata su contenuti che sono più facilmente ascrivibili all'ambito biochimico e chimico-fisico che a quello della biologia molecolare. Nel complesso il profilo del candidato, in riferimento sia all'attività scientifica sia all'attività didattica, appare di livello molto buono, anche se non pienamente centrato sulle tematiche peculiari del SSD BIO/11.

**COMMISSARIO Carlo Presutti**

Valutazione delle pubblicazioni

Art. n.	Congruità SSD	Originalità\innovatività\rigore metodologico\rilevanza	Primo/ultimo autore/corresponding
1	parziale	Buona	Si
2	si	Molto buona	Si
3	parziale	Buona	Si
4	parziale	Buona	Si
5	parziale	Buona	Si
6	Si	Molto Buona	Si
7	Si	Buona	No
8	parziale	Molto Buona	Si
9	Si	Buona	No
10	parziale	Buona	Si
11	Si	Molto Buona	Si
12	parziale	Molto Buona	No
13	Si	Ottima	Si
14	parziale	Buona	No
15	parziale	Buona	No
16	Parziale	Buona	Si
17	parziale	Ottima	Si
18	Si	Molto Buona	Si
19	Si	Molto Buona	Si
20	Si	Molto Buona	Si

#### Valutazione complessiva

Il candidato Daniele Narzi presenta 20 pubblicazioni parzialmente congruenti con il SSD BIO/11-Biologia Molecolare. La produzione scientifica appare complessivamente di ottima qualità ed il candidato ricopre spesso una posizione preminente: 15 su 20 lavori. Il candidato dimostra una ottima maturità scientifica come indicato dalle numerose partecipazioni a congressi in qualità di relatore ed ai finanziamenti dei quali è stato ed è titolare. La attività didattica, sebbene intensa e continuativa, appare focalizzata su tematiche solo parzialmente congruenti con il settore BIO/11-Biologia Molecolare. Nel complesso il profilo del candidato appare di livello molto buono sebbene non perfettamente congruente con il settore scientifico disciplinare BIO/11

#### GIUDIZIO COLLEGALE

**Il Candidato Narzi Daniele presenta 20 pubblicazioni parzialmente congruenti con il SSD BIO/11. In molte delle pubblicazioni presentate (15/20) è possibile individuare un apporto individuale preminente. La produzione scientifica globale del candidato evidenzia una ottima maturità e conoscenza delle tecniche computazionali utilizzate soprattutto in ambito biochimico e chimico-fisico. La produzione scientifica complessiva ammonta a 29 lavori nel periodo 2008-2021, con H-Index=13, IF tot=140,47 e Cit.tot=650.**

**L'attività di ricerca è continuativa ed è caratterizzata da una buona produttività ed originalità. L'IF medio della produzione scientifica è 4.84, indicando che in generale le pubblicazioni del candidato si collocano in una fascia editoriale di livello medio. La partecipazione a congressi in ambito nazionale ed internazionale è ottima così come la capacità di reperire finanziamenti per**

**il proprio lavoro di ricerca. L'attività didattica appare buona sebbene spesso focalizzata su tematiche chimico-fisiche. Si configura un profilo di attività scientifico-didattica di livello molto buono non completamente congruente con il SSD BIO/11**

#### **4) CANDIDATO: Livia PERFETTO**

Valutazione sui titoli:

La candidata Livia Perfetto si è laureata in Biologia Cellulare e Molecolare alla Università di Tor Vergata – Roma nel 2010 ed ha ottenuto il titolo di Dottore di Ricerca in Biologia Cellulare e Molecolare presso la stessa Università nel 2015. Successivamente ha ricoperto diversi incarichi di ricerca: dal 2014 al 2017 come assegnista e borsista AIRC alla Università di Tor Vergata, poi all'EBI-EMBL dal 2017 al 2020. La candidata mantiene incarichi e collaborazioni di ricerca presso Human Technopole e Cambridge University. Complessivamente alla data di scadenza del bando aveva occupato per circa 8 anni posizioni di ricerca presso qualificate istituzioni. La candidata dichiara un'attività didattica focalizzata sulla Bioinformatica e coerente con il SSD BIO/11. In particolare nell'A.A. 2021/22 ha avuto un contratto di insegnamento in Biologia Molecolare all'Università di Roma, Tor Vergata. La candidata è stata vincitrice di un premio ("Sebastiano and Rita Raeli") ed è stata titolare di un finanziamento come PI.

#### **COMMISSARIO Gennaro Ciliberto**

Valutazione delle pubblicazioni

Art. n.	Congruità SSD	Originalità\innovatività\rigore metodologico\rilevanza	Primo/ultimo autore/corresponding
1	Si	Buona	Si
2	Si	Discreta	Si
3	Si	Discreta	Si
4	Si	Discreta	No
5	Si	Discreta	No
6	Si	Ottima	No
7	Si	Discreta	Si
8	Si	Ottima	No
9	Si	Ottima	No
10	Si	Buona	Si
11	Si	Ottima	No
12	Si	Discreta	No
13	Si	Ottima	Si
14	Si	Discreta	Si

15	Si	Ottima	Si
16	Si	Ottima	Si
17	Si	Discreta	Si
18	Si	Eccellente	No
19	Si	Ottima	Si

#### Valutazione complessiva

La candidata presenta 19 pubblicazioni su riviste internazionali con una collocazione editoriale di livello mediamente molto elevato. La tematica affrontata è principalmente la proteomica e la systems biology. I lavori denotano una competenza della candidata soprattutto in ambito di biologia computazionale. I lavori sono tutti congruenti con il settore concorsuale BIO/11 oggetto della procedura e mediamente hanno un ottimo indice citazionale. La candidata ricopre una posizione come primo/ultimo o autore corrispondente in 11 lavori su 20. L'attività didattica è solo recente ma congruente con il SSD BIO/11. Complessivamente la candidata presenta un ottimo profilo pienamente congruente con il SSD BIO/11-Biologia Molecolare

#### COMMISSARIO Giorgio Dieci

#### Valutazione delle pubblicazioni

Art. n.	Congruità SSD	Originalità\innovatività\rigore metodologico\rilevanza	Primo/ultimo autore/corresponding
1	Si	Molto Buona	Si
2	Si	Molto Buona	Si
3	Si	Buona	Si
4	Si	Molto Buona	No
5	Si	Buona	No
6	Si	Ottima	No
7	Si	Buona	Si
8	Si	Ottima	No
9	Si	Ottima	No
10	Si	Molto Buona	Si
11	Si	Ottima	No
12	Si	Buona	No
13	Si	Ottima	Si
14	Si	Buona	Si
15	Si	Ottima	Si
16	Si	Ottima	Si
17	Si	Molto buona	Si
18	Si	Ottima	No
19	Si	Molto Buona	Si

### Valutazione complessiva

La produzione scientifica presentata dalla candidata ha prevalentemente una collocazione editoriale di livello molto alto. Dei 19 lavori presentati, 13 sono studi originali e 6 sono review, in gran parte relative ad aspetti avanzati della proteomica. I lavori affrontano in modo originale diverse tematiche di frontiera nell'ambito della biologia molecolare, e testimoniano spesso un significativo contributo bioinformatico. Considerando il contributo individuale alle pubblicazioni, la candidata ricopre una posizione preminente in 11 lavori su 20 a testimonianza di un ruolo di diretta responsabilità. Per quanto riguarda l'attività didattica, limitatamente all'AA 2021-22 essa è stata significativa e congruente con il SSD BIO/11. Complessivamente la candidata presenta un ottimo profilo pienamente congruente con il SSD BIO/11-Biologia Molecolare

### COMMISSARIO Carlo Presutti

### Valutazione delle pubblicazioni

Art. n.	Congruità SSD	Originalità\innovatività\rigore metodologico\rilevanza	Primo/ultimo autore/corresponding
1	Si	Molto Buona	Si
2	Si	Molto Buona	Si
3	Si	Buona	Si
4	Si	Molto Buona	No
5	Si	Buona	No
6	Si	Ottima	No
7	Si	Buona	Si
8	Si	Ottima	No
9	Si	Ottima	No
10	Si	Molto Buona	Si
11	Si	Molto Buona	No
12	Si	Buona	No
13	Si	Ottima	Si
14	Si	Buona	Si
15	Si	Ottima	Si
16	Si	Ottima	Si
17	Si	Molto buona	Si
18	Si	Ottima	No
19	Si	Molto Buona	Si

### Valutazione complessiva

La candidata Livia Perfetto riporta una produzione scientifica di elevata qualità. I lavori sono originali, molto interessanti e congruenti con il SSD BIO/11 – Biologia Molecolare, e presentano spesso un approccio spiccatamente bioinformatico.

Ottima è la collocazione editoriale della produzione scientifica. Le pubblicazioni presentate sono di ottimo livello, pubblicate in riviste internazionali di impatto notevole (come Nature Communications e Nucleic Acid Research) e ben conosciute in ambito scientifico.

In diversi lavori si delinea un ruolo di diretta responsabilità nella ricerca. La candidata è infatti primo nome in 9 pubblicazioni e ultimo autore in altre due. Negli argomenti di ricerca è possibile evidenziare una linea di ricerca preminente della candidata applicata allo studio delle interazioni geniche e alla messa a punto di tools applicabili alla ricerca biomedica e alla medicina personalizzata. Complessivamente la candidata presenta un ottimo profilo pienamente congruente con il SSD BIO/11- Biologia Molecolare

### **Giudizio collegiale**

**La candidata Perfetto Livia presenta 19 pubblicazioni congruenti con il SSD BIO/11. In molte delle pubblicazioni presentate (11/19) è possibile individuare un apporto individuale preminente. La produzione scientifica globale della candidata, evidenzia una ottima maturità e conoscenza delle tecniche computazionali utilizzate soprattutto in approcci innovativi in proteomica funzionale. La produzione scientifica complessiva dichiarata ammonta a 38 lavori nel periodo 2009-2021, con H-Index=18, IF tot=358,1 e Cit.tot=4772.**

**L'attività di ricerca è continuativa ed è caratterizzata da una buona produttività ed originalità. L'IF medio della produzione scientifica è 9,67, indicando che in generale le pubblicazioni della candidata si collocano in una fascia editoriale di livello ottimo. La partecipazione a congressi in ambito nazionale ed internazionale è ottima così come la partecipazione a progetti di ricerca finanziati. L'attività didattica appare buona sebbene limitata all'ultimo anno accademico. Si configura un profilo di attività scientifico-didattica di livello ottimo, pienamente congruente con il SSD BIO/11.**

La Commissione termina i propri lavori alle ore 14:00

Letto, approvato e sottoscritto.

Firma del Commissari

Prof. Gennaro Ciliberto (Presidente) .....

Prof. Giorgio Dieci (Membro).....

Prof. Carlo Presutti (Segretario).....