

CONCORSO PER COLLABORAZIONE ESTERNA

BANDO 21/2020

VERBALE N.2 (Valutazione dei titoli)

La Commissione si è riunita il giorno 26/03/2021 alle ore 15:00 in via telematica per la valutazione dei titoli.

Sono pervenute n. 2 domande presentate da:

-Dott.ssa Mara Miculam

-Prof.ssa Franca Pelliccia

La Commissione prende visione delle domande di partecipazione al concorso e dei titoli e dichiara che tra i componenti stessi della Commissione e tra i componenti della Commissione ed i candidati non esistono vincoli conosciuti di parentela o affinità entro il IV grado incluso.

Dopo ampia discussione sulla valutazione dei titoli la Commissione assegna i seguenti punteggi:

- | | | | |
|---|---|-------|----|
| ◊ | Nome e cognome MARA MICULAM | | |
| ◊ | Voto di laurea | PUNTI | 20 |
| ◊ | Pubblicazioni (distinta dei punti attribuiti a ciascuna pubblicazione): | | |
| - | Genome-wide association study of agronomic and quality traits in a world collection of the wild wheat relative <i>Triticum urartu</i> . Rebecca F. Talini, Andrea Brandolini, <u>Mara Miculan</u> , Alice Brunazzi, Patrizia Vaccino, Mario Enrico Pè and Matteo Dell'Acqua. <i>The Plant Journal</i> (2019). (Punti 1) | | |
| - | Molecular diversity and landscape genomics of the crop wild relative <i>Triticum urartu</i> across the Fertile Crescent. Alice Brunazzi, Davide Scaglione, Rebecca Fiorella Talini, <u>Mara Miculan</u> , Federica Magni, Jesse Poland, Mario Enrico Pe, Andrea Brandolini and Matteo Dell'Acqua. <i>The Plant Journal</i> (2018) (Punti 2) | | |
| - | Reduction of heterozygosity (ROH) as a method to detect mosaic structural variants Marroni Fabio, Scaglione Davide, Pinosio Sara, Policriti Alberto, <u>Miculan Mara</u> , Di Gaspero Gabriele, Morgante, Michele <i>Plant Biotechnology Journal</i> 2017 (Punti 2) | | |
| - | The limits and potential of paleogenomic techniques for reconstructing grapevine domestication Nathan Wales, Jazmín Ramos Madrigal, Enrico Cappellini, Aldo Carmona Baez, José Alfredo Samaniego Castruita, J. Alberto Romero-Navarro, Christian Carøe, María C. Ávila-Arcos, Fernando Peñaloza, J. Víctor Moreno-Mayar, Boris Gasparyan, Diana Zardaryan, Tamara Bagoyan, Alexia Smith, Ron Pinhasi, Giovanna Bosi, Girolamo Fiorentino, Anna Maria Grasso, Alessandra Celant, Guy Bar-Oz, Yotam Tepper, Allan | | |

Hall, Simone Scalabrin, Mara Miculan, Michele Morgante, Gabriele Di Gaspero, M. Thomas P. Gilbert
Journal of Archaeological Science (2016) (Punti 2)

- Transcriptome and metabolite profiling reveals that prolonged drought modulates the phenylpropanoid and terpenoid pathway in white grapes (*Vitis vinifera L.*)
Stefania Savoi, Darren C.J.Wong, Panagiotis Arapitas, Mara Miculan, Barbara Bucchetti, Enrico Peterlunger, Aaron Fait, Fulvio Mattivi and Simone D.Castellarin
BMC Plant Biology 2016 (Punti 1)
- Fine mapping and identification of a candidate gene for a major locus controlling maturity date in peach Raul Pirona, Iban Eduardo, Igor Pacheco, Cassia Da Silva Linge, Mara Miculan, Ignazio Verde, Stefano Tartarini, Luca Dondini, Giorgio Pea, Daniele Bassi and Laura Rossini
BMC Plant Biology 2013 (Punti 1)
- The high-quality draft genome of peach (*Prunus persica*) identifies unique patterns of genetic diversity, domestication and genome evolution
The International Peach Genome Initiative*
*(Ignazio Verde, Albert G Abbott, Simone Scalabrin, Sook Jung, Shengqiang shu, Fabio marroni, Tatyana Zhebentyayeva, Maria Teresa Dettori, Jane Grimwood, Federica Cattonaro, Andrea Zuccolo, Laura Rossini, Jerry Jenkins, Elisa Vendramin, Lee A Meisel, Veronique Decroocq, Bryon Sosinski, Simon Prochnik, Therese Mitros, Alberto Policriti, Guido Cipriani, Luca Dondini, Stephen Ficklin, David M Goodstein, Pengfei Xuan, Cristian Del Fabbro, Valeria Aramini, Dario Copetti, Susana Gonzalez, David S Horner, Rachele Falchi, Susan Lucas, Erica Mica, Jonathan Maldonado, Barbara Lazzari, Douglas Bielenberg, Raul Pirona, Mara Miculan, Abdelali Barakat, Raffaele Testolin, Alessandra Stella, Stefano Tartarini, Pietro Tonutti, Pere Arús, Ariel Orellana, Christina Wells, Dorrie Main, Giannina Vizzotto, Herman Silva, Francesco Salamini, Jeremy Schmutz, Michele Morgante & Daniel S Rokhsar)
Nature Genetics 2013 Mar 24 13:166 (Punti 2)
- Evidence that photoactivated Pheophorbide a causes in human cancer cells a photodynamic effect involving lipid peroxidation
Rapozzi V., Miculan M., Xodo LE.
Cancer Biol Ther, 2009. (Punti 0,5)

PUNTI 11,5

◊ Pregressa attività didattica PUNTI 35

◊ altri titoli (distinta dei punti):

- PhD in Agricultural Science and Biotechnology – genomics - Punti 2
- POST-DOC (1 anno) Supporting Human Assets in Research and Mobility (S.H.A.R.M.) - Progetto: Identification of rare functional mutations in plant genomes through Next-Generation-Sequencing – (punti 1)
- Assegno di ricerca (3 anni) presso University of Udine – Department of Agricultural, Food, Environmental and Animal Sciences. Progetto: Phenotypic and genomic characterization of a pink-skinned periclinal mutant in the grapevine variety Merlot – (punti 2)
- Assegno di ricerca (2 anni) presso Sant'Anna School of Advanced Studies – Institute of

Life Sciences. Progetto: Role of non-coding component in plants and animals eukaryotic genomes during development and environmental response – (punti 2)

- Borsa di studio post laurea (6 mesi) presso Sant'Anna School of Advanced Studies – Institute of Life Sciences. Progetto: Project: Biotechnology and genetics approaches to study complex traits of agronomical interests and to analyze natural populations genetic variability – (punti 0,5)
- Contratto di Collaborazione Coordinata e Continuativa (6 mesi) presso Sant'Anna School of Advanced Studies – Institute of Life Sciences. Progetto: Comparison between legumes, fodder and cereals genetic resources and analysis of phenotypic variability in terms of nutritional and agronomic values – (punti 0,5)

PUNTI 8

TOTALE PUNTI 74,5

- ◊ **Nome e cognome** FRANCA PELLICCIA
- ◊ Voto di laurea PUNTI 25
- ◊ Pubblicazioni (distinta dei punti attribuiti a ciascuna pubblicazione):
- BALZANO E, PELLICCIA F, GIUNTA S. 2020. Genome (in)stability at Tandem Repeats. Seminars in Cell and Developmental Biology, Oct 24;S1084-9521(19)30132-6. (Punti 2)
 - MACCARONI K, BALZANO E, MIRIMAO F, GIUNTA S, PELLICCIA F. 2020 Impaired Replication Timing Promotes Tissue-Specific Expression of Common Fragile Sites. Genes 2020, 11, 326; doi:10.3390/genes11030326 (Punti 2)
 - SCARABINO D, PECONI M, PELLICCIA F, CORBO RM. 2019 Analysis of the Association Between TERC and TERT Genetic Variation and Leukocyte Telomere Length and Human Lifespan—A Follow-Up Study Genes 2019, 10, 82; doi:10.3390/genes10020082 (Punti 2)
 - MACCARONI K, BALZANO E, MIRIMAO F, PELLICCIA F. 2019 Genome Instability at Common Fragile Sites. Updating the causes of their variability in different cell tissues. in: Eukaryotic DNA Replication & Genome Maintenance, Cold Spring Harbor Laboratory, September, 3 - 7, 2019, New York, USA. (Punti 2)
 - SCARABINO D, BROGGIO E, GAMBINA G, PELLICCIA F, CORBO RM. 2017. Common variants of human TERT and TERC genes and susceptibility to sporadic Alzheimers disease. Exp Gerontol., 88:19-24. (Punti 1)
 - CAPITANO F, GARGIULI C, ANGERILLI A, MACCARONI K, PELLICCIA F, MELE A, CAMILLONI G. 2016.

RNA polymerase I transcription is modulated by spatial learning in different brain regions.
J Neurochem., 136:706-716. (Punti 0,5)

- PELLICCIA F, GENOVESI ML, MACCARONI K. 2015
Fanconi anaemia, chromosome instability, DNA replication and fragile sites. Eur. J Hum Genet, 23, suppl.1, 451. (Punti 2)
- SCARABINO D, PELLICCIA F, PINTO R, CORBO RM. 2015
The genetic basis of the relationship between reproduction and longevity: a study on common variants of three genes in steroid hormone metabolism (CYP17, HSD17B1, COMT). Eur. J Hum Genet, 23, suppl.1, 472-473. (Punti 2)
- PELLICCIA F, UBERTINI V, BOSCO N. 2012
The importance of molecular cytogenetic analysis prior to using cell lines in research:
The case of the KG-1a leukemia cell line
- Oncology Letters 4: 237-240. (Punti 1)
- BALZANO E, PELLICCIA F, GIUNTA S. 2020.
Genome (in)stability at Tandem Repeats.
Seminars in Cell and Developmental Biology, Oct 24;S1084-9521(19)30132-6. (Punti 2)
- PELLICCIA F, ROCCHI A. 2012
Correction of the Wrong Name of a Fragile Site Associated to the DMD Gene Cytogenet Genome Res, 136:235. (Punti 0,5)
- PELLICCIA F, BOSCO N, ROCCHI A. 2010.
Breakages at common fragile sites set boundaries of amplified regions in two leukemia cell lines K562 - molecular characterization of FRA2H and localization of a new CFS FRA2S. Cancer Letters, 299:37-44. (Punti 1)
- BOSCO N, PELLICCIA F, ROCCHI A. 2010
Characterization of FRA7B, a human common fragile site mapped at the 7p chromosome terminal region.
Cancer Genet Cytogenet, 202(1):47-52. (Punti 2)

	PUNTI	20
◊ Pregressa attività didattica	PUNTI	45
◊ altri titoli (distinta dei punti):		

- Specializzazione in Genetica molecolare -punti 2
- Responsabile del laboratorio di Citogenetica Molecolare del Dipartimento di Biologia e Biotecnologie “Charles Darwin” (BBCD), Sapienza Università di Roma- (punti 2)
- Professore Associato di Citogenetica e Mutagenesi ed Evoluzione del Genoma –(punti 3)
- Borsa di Studio di 2 anni presso Centro Genetica Evoluzionistica del C.N.R. Roma – (punti 1)
- Membro del Consiglio Scientifico del Dottorato in Genetica e Biologia Molecolare – (punti 2)

PUNTI 10

TOTALE PUNTI 100

Al termine della valutazione dei titoli la Commissione, visti tutti gli atti del concorso, procede alla formazione della graduatoria degli idonei che sarà subito dopo resa pubblica mediante affissione all'albo della struttura.

GRADUATORIA FINALE

<u>Cognome e nome</u>	<u>Punteggio titoli</u>	<u>Punteggio totale</u>
-MICULAN MARA	74,5	74,5
-PELICCIA FRANCA	100	100

Il giudizio delle Commissione è insindacabile.

Tali risultati saranno resi pubblici mediante affissione all'albo della struttura.

La seduta è tolta alle ore 16:00 del giorno 26/03/2021.

IL PRESIDENTE

Prof. Alessandro Fatica



Roma, 26/03/2021