

PROCEDURA SELETTIVA DI CHIAMATA PER N.1 POSTO DI RICERCATORE A TEMPO DETERMINATO DI TIPOLOGIA B PER IL SETTORE CONCORSUALE 05/E2 - SETTORE SCIENTIFICO-DISCIPLINARE BIO/11 - PRESSO IL DIPARTIMENTO DI BIOLOGIA E BIOTECNOLOGIE DELL'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI ROMA "LA SAPIENZA" BANDITA CON D.R. N. 3227/2021 DEL 02/12/2021

VERBALE N. 2 – SEDUTA VERIFICA TITOLI

L'anno 2022, il giorno 30 del mese di Maggio in Roma, si è riunita la Commissione giudicatrice della procedura selettiva di chiamata per n. 1 posto di Ricercatore a tempo determinato di tipologia B per il Settore concorsuale 05/E2 – Settore scientifico-disciplinare Bio/11 - presso il Dipartimento di Biologia e Biotecnologie dell'Università degli Studi di Roma "La Sapienza", nominata con D.R. n. 731/2022 del 08/03/2022, successivamente modificato con D.R. 1424/2022 del 27/04/2022, e composta da:

- Prof. Gennaro Ciliberto – professore ordinario presso il Dipartimento di Medicina Sperimentale e Clinica dell'Università degli Studi di Catanzaro (Presidente);
- Prof. Giorgio Dieci – professore ordinario presso il Dipartimento di Scienze Chimiche, della vita e della sostenibilità ambientale dell'Università degli Studi di Parma (componente);
- Prof. Carlo Presutti – professore associato presso il Dipartimento di Biologia e Biotecnologie dell'Università degli Studi di Roma "Sapienza" (Segretario).

La Commissione inizia i propri lavori alle ore 10 (telematicamente via Google Meet - <https://meet.google.com/xfq-ztox-fbn>)

La Commissione prende atto di aver ricevuto in data 20/5/2022 tramite mail inviata dal Responsabile del procedimento dall'indirizzo concorsi.rtdb@uniroma1.it avente oggetto "Trasmissione documentazione candidati 2021RTDB023" la comunicazione della pubblicazione del Verbale n.1 relativo alla procedura in oggetto unitamente alla documentazione presentata dai candidati. Il Presidente informa la Commissione di non aver acquisito dal Responsabile del procedimento nessun provvedimento di esclusione dalla procedura selettiva per mancanza dei requisiti di ammissione previsti o per tardiva presentazione della domanda di partecipazione

I candidati alla procedura selettiva risultano essere i seguenti:

1. Patrizio Di Micco
2. Valerio Licursi
3. Daniele Narzi
4. Livia Perfetto

La Commissione giudicatrice dichiara sotto la propria responsabilità che tra i componenti della Commissione ed i candidati non sussistono rapporti di coniugio, di parentela o di affinità, fino al quarto grado compreso, né altre situazioni di incompatibilità ai sensi degli artt. 51 e 52 del Codice di Procedura Civile e dell'art. 18, primo comma, lett. b) e c), della legge 30 dicembre 2010, n. 240.

La Commissione, quindi, procede ad esaminare le domande di partecipazione alla procedura presentate da parte dei candidati, con i titoli allegati e le pubblicazioni.

Per ogni candidato, la Commissione verifica che i titoli allegati alla domanda siano stati certificati conformemente al bando.

Procede poi ad elencare analiticamente i titoli e le pubblicazioni trasmesse dal candidato.

Successivamente elenca, per ogni candidato, i titoli e le pubblicazioni valutabili (allegato B).

1) Vengono esaminati i titoli e le pubblicazioni del candidato Patrizio Di Micco. Tutti i titoli presentati sono validi e correttamente documentati. Tutte le 18 pubblicazioni presentate sono valutabili.

2) Vengono esaminati i titoli e le pubblicazioni del candidato Valerio Licursi. Tutti i titoli presentati sono validi e correttamente documentati. Tutte le 20 pubblicazioni presentate sono valutabili.

3) Vengono esaminati i titoli e le pubblicazioni del candidato Daniele Narzi. Tutti i titoli presentati sono validi e correttamente documentati. Tutte le 20 pubblicazioni presentate sono valutabili.

4) Vengono esaminati i titoli e le pubblicazioni della candidata Livia Perfetto. Tutti i titoli presentati sono validi e correttamente documentati. Tutte le 19 pubblicazioni presentate sono valutabili.

La Commissione termina i propri lavori alle ore 14:30 e si riconvoca per la valutazione dei titoli e delle pubblicazioni dei candidati, il giorno 1 Giugno 2022 alle ore 18
Letto, confermato e sottoscritto.

Firma del Commissari

Carlo Presutti

.....

.....

[Se non tutti i Commissari sono presenti in sede, ma alcuni sono collegati solo per via telematica, il verbale e i relativi allegati saranno firmati solo dai Commissari fisicamente presenti.

Successivamente dovranno essere allegate le dichiarazioni dei Commissari collegati per via telematica.

Le dichiarazioni, datate, firmate e accompagnate da copia di documento di riconoscimento, saranno poi trasmesse a mezzo fax o e-mail al Commissario che ha redatto materialmente il verbale. Questi dovrà poi trasmetterlo al Responsabile del Procedimento.

Segue un fac-simile di dichiarazione di adesione].

ALLEGATO B AL VERBALE N. 2

PROCEDURA SELETTIVA DI CHIAMATA PER N.1 POSTO DI RICERCATORE A TEMPO DETERMINATO DI TIPOLOGIA B PER IL SETTORE CONCORSUALE 05/E2 - SETTORE SCIENTIFICO-DISCIPLINARE BIO/11 - PRESSO IL DIPARTIMENTO DI BIOLOGIA E BIOTECNOLOGIE DELL'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI ROMA "LA SAPIENZA" BANDITA CON D.R. N. 3227/2021 DEL 02/12/2021

TITOLI E PUBBLICAZIONI VALUTABILI. La Commissione determina come NON VALUTABILI tutti quei titoli prodotti dai candidati ma non rientranti fra quelli esplicitamente menzionati nel Bando e nel verbale n.1. I titoli relativi alla didattica vengono considerati valutabili solo in presenza di incarichi di docenza con indicazione del numero di CFU corrispondenti o partecipazione a collegio docenti di Dottorato di ricerca.

CANDIDATO: Patrizio Di Micco

1) Vengono esaminati i titoli e le pubblicazioni del candidato **Patrizio Di Micco**

Laurea Triennale in BIOTECNOLOGIE (2007) Università Sapienza di Roma 110/110 NON VALUTABILE

Laurea Magistrale in BIOTECNOLOGIE GENOMICHE (2009) Università Sapienza di Roma 110/110 e lode NON VALUTABILE

Dottorato di ricerca in BIOCHIMICA presso Università Sapienza di Roma e l'Istituto di Biologia e Patologia Molecolari del CNR (IBPM) (2013). VALUTABILE

Posizioni Ricerca –

VALUTABILI

2016-oggi - STRUCTURAL COMPUTATIONAL BIOLOGIST - Institute of Cancer Research (LONDRA)

4/2015-12/2015 - Co.co.co Sapienza Università di Roma

3/2015-4/2015 - Borsa Istituto Pasteur Sapienza Università di Roma

1/2014-12/2014 - Borsa Telethon IBPM/CNR-Sapienza Università di Roma

1/2013-12/2013 - Assegno di Ricerca - Sapienza Università di Roma

NON VALUTABILE

10/2015-12-2015 - MoliRom – Incarico NON VALUTABILE

Attività didattica NON VALUTABILE

2011, 2014, 2015 – Docente al Master in Bioinformatica: Applicazioni Biomediche e Farmaceutiche

Relazione a Congressi (valutabili solo comunicazioni orali)

2010 7th ANNUAL MEETING (2010) OF THE BIOINFORMATICS ITALIAN SOCIETY - poster - NON VALUTABILE

2014- 11th ANNUAL MEETING (2014) OF THE BIOINFORMATICS ITALIAN SOCIETY - poster NON VALUTABILE

2015 - XVIII TELETHON SCIENTIFIC CONVENTION - POSTER NON VALUTABILE

2018 - AACR - Annual Meeting 2018 - poster NON VALUTABILE

2019 - AACR-NCI-EORTC International Conference on Molecular Targets and Cancer Therapeutics in Boston, Massachusetts - RELATORE - VALUTABILE

2011 - 36th FEBS Congress of the Biochemistry for Tomorrows Medicine, Torino (IT) RELATORE - VALUTABILE

Premi e riconoscimenti

2014 - Awarded by Bioinformatics Italian Society (Bits): TRAVEL GRANT: 11th ANNUAL MEETING OF THE BIOINFORMATICS ITALIAN SOCIETY - NON VALUTABILE

2014 Awarded by Bioinformatics Italian Society (Bits): BEST POSTER AWARD: 11th ANNUAL MEETING OF THE BIOINFORMATICS ITALIAN SOCIETY - VALUTABILE

2015 - Awarded by TELETHON: BEST RESEARCH AWARD: TELETHON - XVIII SCIENTIFIC CONVENTION – VALUTABILE

2016 - Institution HUMAN MOLECULAR GENETICS: COPERTINA HUMAN MOLECULAR GENETICS VOLUME 25 NUMBER 5 MARZO 2016 - NON VALUTABILE

2010 oggi - Member of Bioinformatics Italian Society (BITS) NON VALUTABILE

Partecipazione a Progetti di Ricerca: VALUTABILI

2016 -oggi 'canSAR: enhancing the drug discovery knowledgebase' - Institute of Cancer Research (ICR), London (UK)

2009-2013 "Analisi di famiglie proteiche e predizione strutturale di proteine modello" - SAPIENZA – DIP. DI BIOCHIMICA & IBPM – CNR

2010-2013 "Bio-inspired nanoparticles for theragnostic applications in tumor angiogenesis" - AIRC

2012-2015 "Disease due to mitochondrial tRNA mutations: cellular models to evaluate novel therapeutic strategies" - Pasteur Cenci-Bolognetti

2013-2014 "Isolated domains of aminoacyl tRNA syntethases: a novel therapeutic tool for mt tRNA mutation associated disease" - Telethon

2013-2015 "Isolated domains of aminoacyl tRNA syntethases as a novel therapeutic tool for mt tRNA mutation associated disease" - Telethon

2014 "Nanotechnology-based Diagnostics In Neurological diseases and Experimental oncology" - MIUR

Pubblicazioni:

- 1) Colotti G, Failla CM, Lacal PM, Ungarelli M, Ruffini F, **Di Micco P**, Orecchia A, Morea V. Neuropilin-1 is required for endothelial cell adhesion to soluble vascular endothelial growth factor receptor 1. THE FEBS JOURNAL (2021) IF 5.542 Cit. 0
- 2) Paschalis A, Welti J, Neeb AJ, Yuan W, Figueiredo I, Pereira R, Ferreira A, Riisnaes R, Rodrigues DN, Jiménez-Vacas JM, Kim S, Uo T, **Micco PD**, Tumber A, Islam MS, Moesser MA, Abboud M, Kawamura A, Gurel B, Christova R, Gil VS, Buroni L, Crespo M, Miranda S, Lambros MB, Carreira S, Tunariu N, Alimonti A, Al-Lazikani B, Schofield CJ, Plymate SR, Sharp A, de Bono JS. JMJD6 Is a Druggable Oxygenase That Regulates AR-V7 Expression in Prostate Cancer. CANCER RESEARCH (2021) IF 12,701 Cit. 3 IF 6.475 Cit. 1
- 3) Spitaleri A, Zia SR, **Di Micco P**, Al-Lazikani B, Soler MA, Rocchia W. Tuning Local Hydration Enables a Deeper Understanding of Protein-Ligand Binding: The PP1-Src Kinase Case THE JOURNAL OF PHYSICAL CHEMISTRY LETTERS (2021)
- 4) Mitsopoulos C, **Di Micco P**, Fernandez EV, Dolciami D, Holt E, Mica IL, Coker EA, Tym JE, Campbell J, Che KH, Ozer B, Kannas C, Antolin AA, Workman P, Al-Lazikani B. canSAR: update to the cancer translational research and drug discovery knowledgebase. NUCLEIC ACIDS RESEARCH (2021) IF 16.971 Cit. 7
- 5) PDBe-KB consortium. PDBe-KB: a community-driven resource for structural and functional annotations. NUCLEIC ACIDS RESEARCH (2020) IF 16.971 Cit. 28
- 6) Coker EA, Mitsopoulos C, Tym JE, Komianou A, Kannas C, **Di Micco P**, Villasclaras Fernandez E, Ozer B, Antolin AA, Workman P, Al-Lazikani B. canSAR: update to the cancer translational research and drug discovery knowledgebase. NUCLEIC ACIDS RESEARCH (2019) IF 16.971 Cit. 22
- 7) Kinnersley B, Sud A, Coker EA, Tym JE, **Di Micco P**, Al-Lazikani B, Houlston RS. Leveraging Human Genetics to Guide Cancer Drug Development. JCO clinical cancer informatics (2018) IF 2.950 Cit 1
- 8) Falvo E, Malagrino F, Arcovito A, Fazi F, Colotti G, Tremante E, **Di Micco P**, Braca A, Opri R, Giuffrè A, Fracasso G, Ceci P. The presence of glutamate residues on the PAS sequence of the stimuli-sensitive nano- ferritin improves in vivo biodistribution and mitoxantrone encapsulation homogeneity. JOURNAL OF CONTROLLED RELEASE (2018) IF 9.776 Cit. 20
- 9) Laneve P, Piacentini L, Casale AM, Capauto D, Gioia U, Cappucci U, Di Carlo V, Bozzoni I, **Di Micco P**, Morea V, Di Franco CA, Caffarelli E. Drosophila CG3303 is an essential endoribonuclease linked to TDP-43-mediated neurodegeneration. SCIENTIFIC REPORTS (2017) IF 4.379 Cit. 5

- 10) Perli E, Fiorillo A, Giordano C, Pisano A, Montanari A, Grazioli P, Campese AF, **Di Micco P**, Tuppen HA, Genovese I, Poser E, Preziuso C, Taylor RW, Morea V, Colotti G, d'Amati G. Short peptides from leucyl-tRNA synthetase rescue disease-causing mitochondrial tRNA point mutations. *HUMAN MOLECULAR GENETICS* (2016) IF 6.150 Cit. 13
- 11) Donini M, Lombardi R, Lonoce C, Di Carli M, Marusic C, Morea V, **Di Micco P**. Antibody proteolysis: a common picture emerging from plants. *BIOENGINEERED* (2015) IF 3.269 Cit. 10
- 12) Hehle VK, Lombardi R, van Dolleweerd CJ, Paul MJ, **Di Micco P**, Morea V, Benvenuto E, Donini M, Ma JK. Site-specific proteolytic degradation of IgG monoclonal antibodies expressed in tobacco plants. *PLANT BIOTECHNOLOGY JOURNAL* (2015) IF 9.803 Cit. 30
- 13) **Di Micco P**, Fazzi D'Orsi M, Morea V, Frontali L, Francisci S, Montanari A. The yeast model suggests the use of short peptides derived from mt LeuRS for the therapy of diseases due to mutations in several mt tRNAs. *Biochim Biophys Acta*. 2014 Dec;1843(12):3065-74. doi:10.1016/j.bbamcr.2014.09.011. Epub 2014 Sep 28. IF 4.739 Cit. 6
- 14) Perli E, Giordano C, Pisano A, Montanari A, Campese AF, Reyes A, Ghezzi D, Nasca A, Tuppen HA, Orlandi M, **Di Micco P**, Poser E, Taylor RW, Colotti G, Francisci S, Morea V, Frontali L, Zeviani M, d'Amati G. The isolated carboxy-terminal domain of human mitochondrial leucyl-tRNA synthetase rescues the pathological phenotype of mitochondrial tRNA mutations in human cells. *EMBO Mol Med*. 2014 Feb;6(2):169-82. doi:10.1002/emmm.201303198. Epub 2014 Jan 10. PMID:24413190; PMCID: PMC3927953 IF 12.137 Cit.32
- 15) Vannucci L, Falvo E, Fornara M, **Di Micco P**, Benada O, Krizan J, Svoboda J, Hulikova-Capkova K, Morea V, Boffi A, Ceci P. Selective targeting of melanoma by PEG-masked protein-based multifunctional nanoparticles. *Int J Nanomedicine*. 2012;7:1489-509. doi: 10.2147/IJN.S28242. Epub 2012 Mar 16. PMID: 22619508; PMCID: PMC3356193. IF 6.4 Cit 62
- 16) Saccoccia F, **Di Micco P**, Boumis G, Brunori M, Koutris I, Miele AE, Morea V, Sriratana P, Williams DL, Bellelli A, Angelucci F. Moonlighting by different stressors: crystal structure of the chaperone species of a 2-Cys peroxiredoxin. *Structure*. 2012 Mar 7;20(3):429-39. doi: 10.1016/j.str.2012.01.004. PMID:22405002; PMCID: PMC3299984. IF 5.006 Cit. 79
- 17) Perli E, Giordano C, Tuppen HA, Montopoli M, Montanari A, Orlandi M, Pisano A, Catanzaro D, Caparrotta L, Musumeci B, Autore C, Morea V, **Di Micco P**, Campese AF, Leopizzi M, Gallo P, Francisci S, Frontali L, Taylor RW, d'Amati G. Isoleucyl-tRNA synthetase levels modulate the penetrance of a homoplasmic m.4277T>C mitochondrial tRNA(Ile) mutation causing hypertrophic cardiomyopathy. *Hum Mol Genet*. 2012 Jan 1;21(1):85-100. doi: 10.1093/hmg/ddr440. Epub 2011 Sep 26. PMID: 21945886. IF 6.15 Cit. 52
- 18) Montanari A, De Luca C, **Di Micco P**, Morea V, Frontali L, Francisci S. Structural and functional role of bases 32 and 33 in the anticodon loop of yeast mitochondrial tRNA^{Ile}.

RNA. 2011 Nov;17(11):1983- 96. doi: 10.1261/rna.2878711. Epub 2011 Sep 13. PMID: 21914842; PMCID: PMC3198592. IF 4.942 Cit 7

TUTTE LE PUBBLICAZIONI PRESENTATE RISULTANO VALUTABILI

Il candidato presenta 18 pubblicazioni ai fini della valutazione

CONSISTENZA COMPLESSIVA DELLA PRODUZIONE SCIENTIFICA: Il candidato ha una produzione scientifica complessiva pari a N. 19 pubblicazioni, h-ind:10, cit. 426 (Scopus)

CANDIDATO: Valerio Licursi

2) Vengono esaminati i titoli e le pubblicazioni del candidato **Valerio Licursi**

Titolo di Dottore di Ricerca in Biologia Cellulare e dello Sviluppo presso Università di Roma "Sapienza"
- 2011 VALUTABILE

Posizioni di Ricerca VALUTABILI

2019 - oggi - Ricercatore a tempo determinato (RTDA BIO/11) – Dipartimento di Biologia e Biotecnologie "C. Darwin" Sapienza Università di Roma

15/09/2016 – 14/09/2018 - Assegno di ricerca - Institute for System Analysis and Computer Science "Antonio Ruberti" (IASI), CNR

01/05/2016 – 31/07/2016 – Borsa Istituto Pasteur – Fondazione Cenci Bolognetti - Dipartimento di Biologia e Biotecnologie "C. Darwin" Sapienza Università di Roma

01/05/2015 – 30/04/2016 - Assegno di ricerca - Dipartimento di Biologia e Biotecnologie "C. Darwin" Sapienza Università di Roma

01/10/2014 – 30/04/2015 - Borsa Istituto Pasteur – Fondazione Cenci Bolognetti - Dipartimento di Biologia e Biotecnologie "C. Darwin" Sapienza Università di Roma

01/10/2011 – 30/09/2014 - Assegno di ricerca - Dipartimento di Biologia e Biotecnologie "C. Darwin" Sapienza Università di Roma

01/01/2011 – 31/08/2011 - Borsa Istituto Pasteur – Fondazione Cenci Bolognetti - Dipartimento di Biologia e Biotecnologie "C. Darwin" Sapienza Università di Roma

Attività didattica VALUTABILE

2020 – oggi - titolare del corso: Bioinformatics I (6 CFU, Bio11) per laurea triennale in Bioinformatics (L-270 - Ordin. 2020, CdS: 30422, classe: L-2) Sapienza Università di Roma

2020 – oggi – membro del Consiglio dei Docenti del dottorato in Biologia Cellulare e dello Sviluppo, Sapienza Università di Roma

2021 – Titolare del corso “Hands-on training in statistics with R” (1 CFU) in "Statistics for Biologists" - Scuola di Dottorato in Biologia e Medicina Molecolare (BEMM), Sapienza Università di Roma

2019 – Titolare del corso “Hands-on training in statistics with R” (1 CFU) in "Statistics for Biologists" - Scuola di Dottorato in Biologia e Medicina Molecolare (BEMM), Sapienza Università di Roma

2015 – Titolare del corso “Hands-on training in statistics with R” (1 CFU) in "Statistics for Biologists" - Scuola di Dottorato in Biologia e Medicina Molecolare (BEMM), Sapienza Università di Roma

2014-2015 – Tutor, supervisore tesi e docente (“Transcriptomics” - 1 CFU) per il programma Master in “Bioinformatica applicazioni biomediche e farmaceutiche” della Sapienza Università di Roma

2012 – Tutor, supervisore tesi e docente (“Transcriptomics” - 1 CFU) per il programma Master in “Bioinformatica applicazioni biomediche e farmaceutiche” della Sapienza Università di Roma

2011 – oggi – supervisore di due tesi di dottorato e 10 tesi corsi di laurea Triennale in Bioinformatics o in Biotecnologie o per la laurea magistrale in Biotecnologie Genomiche, Industriali e Ambientali della Sapienza Università di Roma.

Relazione a Congressi (comunicazioni orali) VALUTABILE

2011 8th IBRO World Congress of Neuroscience Transcriptome analysis in the superior cervical ganglion of dystrophic mdx mice - Firenze

Premi e riconoscimenti

Nessuno

Partecipazione a Progetti di Ricerca: VALUTABILI

2021 – oggi – Partecipante al progetto di Ateneo della Sapienza Università di Roma: “Molecular mechanisms involved in adapting root grow to abiotic stress”. Budget 50000 euro. PI, Prof. Sabrina Sabatini

2021 – oggi - Partecipante al progetto Italia-Giappone finanziato Ministero degli Affari Esteri e della Cooperazione Internazionale, nr. PGR07001: “The proteoglycan Tsukushi in neural stem cells and hydrocephalus: cellular and pathological mechanisms” PI, Prof. Giuseppe Lupo

2020 – oggi - Partecipante al progetto finanziato da “Lazioinnova” – in collaborazione con la società GENOMEUP - Titolo: “Progetto Genoma Trisomia 21 (HGP-T21)

2019 – oggi - Partecipante al progetto nazionale dell’Agenzia Spaziale Italiana - MARS-PRE: “MARcatori biologici e funzionali per la medicina aStronautica di PREcisione”. Budget: 1496000 euro. PI, Prof. Marco Narici (Unipd).

2019 – oggi - Partecipante al progetto MIUR – PRIN 2017 n° 20178L3P38 “Regulation of gene expression in grapevine: analysis of genetic and epigenetic determinants”

2019 – 2021 PI del progetto medio di Ateneo della Sapienza Università di Roma: “Role of the chromatin remodeller histone demethylase KDM5B and its isoforms in breast cancer and melanoma”. Budget 13000 euro

2017 – 2019 Partecipante al progetto finanziato dalla Fondazione “Vaincre la Mucoviscidose”: “Modulation épigénétique de l’inflammation par les miARN dans les macrophages de patients atteints de mucoviscidose”. Budget 75000 euro. PI, prof. Paola Del Porto

2016 – 2017 Partecipante al progetto finanziato dall’Istituto Pasteur Fondazione Cenci Bolognetti: “In vivo selection of JARID histone demethylases inhibitors and their use to enlighten the biological role of these enzymes in yeast and mammalian cells with focus on transcriptional regulation”. Budget: 60000 euro. PI, Prof. Rodolfo Negri

2015 – 2016 PI del progetto finanziato dalla Sapienza Università di Roma, “Avvio alla ricerca”: “The Cop9 Signalosome Complex as a therapeutic target in human cancer”.

2011 – 2013 – Partecipante al progetto MIUR - PRIN n° 200973ST5Y_002. “Ruolo dei Fattori Regolativi Generali (GRF) di *S. cerevisiae* nell’organizzazione strutturale e dinamica della cromatina”. PI, Prof. G. Dieci

2010 – 2013 Partecipante al progetto FIRB grant n° RBIN06E9Z8: “Molecular basis of diseases”. Budget 519000 euro. Coordinator: Prof. Rodolfo Negri

Publicazioni:

1) **Licursi V.**, Anzellotti S., Favaro J., Sineri S., Carucci N. Cundari E., Fiore M., Guarguaglini G., Pippa S., Nisi P.S., Verni F., Biagioni S., Cacci E., Amendola R., Lupo G., Negri R. Transcriptional modulations induced by proton irradiation in mice skin in function of adsorbed dose and distance. *Journal of Radiation Research and Applied Sciences* (2021) IF 1.77 Cit. 0

2) Etna M.P., Severa M., **Licursi V.**, Pardini M., Cruciani M., Rizzo F., Giacomini E., Macchia G., Palumbo O., Stallone R., Carella M., Livingstone M., Negri R., Pellegrini S., Coccia E.M. Genome-Wide Gene Expression Analysis of Mtb- Infected DC Highlights the Rapamycin-Driven Modulation of Regulatory Cytokines via the mTOR/GSK-3 β Axis. *Front Immunol. Frontiers* (2021) IF 7.561 Cit. 0

3) Di Nisio E, Lupo G, **Licursi V.**, Negri R. The Role of Histone Lysine Methylation in the Response of Mammalian Cells to Ionizing Radiation. *Front Genet.* (2021) IF 4.599 Cit. 0

4) Salvi E., Rutten J.P., Di Mambro R., Polverari L., Licursi V., Negri R., Dello Ioio R., Sabatini S., Ten Tusscher K. A Self-Organized PLT/Auxin/ARR-B Network Controls the Dynamics of Root Zonation Development in *Arabidopsis thaliana*. *Developmental Cell* (2020) IF 12.27 Cit. 14

5) Paci P., Fiscon G., Conte F., **Licursi V.**, Morrow J., Hersh C., Cho M., Castaldi P., Glass K., Silverman E.K., Farina L. Integrated transcriptomic correlation network analysis identifies COPD molecular determinants. *Sci Rep.* (2020) IF 4.38 Cit. 12

- 6) **Licursi V.**, Anzellotti S., Favaro J., Sineri S., Carucci N., Cundari E., Fiore M., Guarguaglini G., Pippa S., Nisi P.S., Verni F., Biagioni S., Cacci E., Amendola R., Lupo G., Negri R. X-ray irradiated cultures of mouse cortical neural stem/progenitor cells recover cell viability and proliferation with dose-dependent kinetics. *Sci Rep.* (2020) IF 4.38 Cit. 2
- 7) Gasparini S., **Licursi V.**, Presutti C., Mannironi C. The Secret Garden of Neuronal circRNAs. *Cells. Multidisciplinary Digital Publishing Institute;* (2020) IF 6.6 Cit. 2
- 8) Rossi M.N., Pascarella A., **Licursi V.**, Caiello I., Taranta A., Rega L.R., Levchenko E., Emma F., De Benedetti F., Prencipe G. NLRP2 Regulates Proinflammatory and Antiapoptotic Responses in Proximal Tubular Epithelial Cells. *Front Cell Dev Biol.* (2019) IF 5.186 Cit. 11
- 9) Mocavini I., Pippa S., **Licursi V.**, Paci P., Trisciuglio D., Mannironi C., Presutti C., Negri R. JARID1B expression and its function in DNA damage repair are tightly regulated by miRNAs in breast cancer. *Cancer Sci.* (2019) IF 4.966 Cit. 9
- 10) Luly F.R., Leveque M., **Licursi V.**, Cimino G., Martin- Chouly C., Theret N., Negri R., Cavinato L., Ascenzioni F., Del Porto P. MiR-146a is over-expressed and controls IL-6 production in cystic fibrosis macrophages. *Sci Rep.* (2019) IF 3.998 Cit. 18
- 11) **Licursi V.**, Conte F, Fiscon G, Paci P. MIENTURNET: an interactive web tool for microRNA-target enrichment and network- based analysis. *BMC Bioinformatics* (2019) IF3.242 Cit 52
- 12) Conte F., Fiscon G., **Licursi V.**, Bizzarri D., D'Anto T., Farina L., Paci P. A paradigm shift in medicine: A comprehensive review of network-based approaches. *Biochimica et Biophysica Acta (BBA) - Gene Regulatory Mechanisms* (2019)IF 4.49 Cit. 42
- 13) Fiscon G, Conte F, **Licursi V.**, Nasi S, Paci P. Computational identification of specific genes for glioblastoma stem-like cells identity. *Scientific Reports.* (2018) IF 4.011 Cit. 29
- 14) **Licursi V.**, Cestelli Guidi M., Del Vecchio G., Mannironi C., Presutti C., Amendola R., Negri R. Leptin induction following irradiation is a conserved feature in mammalian epithelial cells and tissues. *Int J Radiat Biol.* (2017) IF 1.97 Cit. 3
- 15) Guadagno N.A., Moriconi C., **Licursi V.**, D'Acunto E., Nisi P.S., Carucci N., De Jaco A., Cacci E., Negri R., Lupo G., Miranda E. Neuroserpin polymers cause oxidative stress in a neuronal model of the dementia FENIB. *Neurobiol Dis.* (2017) IF 5.227 Cit. 15
- 16) Fragale A., Romagnoli G., **Licursi V.**, Buoncervello M., Del Vecchio G., Giuliani C., Parlato S., Leone C., De Angelis M., Canini I., Toschi E., Belardelli F., Negri R., Capone I., Presutti C., Gabriele L. Antitumor Effects of Epidrug/IFN α Combination Driven by Modulated Gene Signatures in Both Colorectal Cancer and Dendritic Cells. *Cancer Immunol Res.* (2017) IF 9.188 Cit. 12
- 17) Simão D., Pinto C., Piersanti S., Weston A., Peddie C.J., Bastos A.E.P., **Licursi V.**, Schwarz S.C., Collinson L.M., Salinas S., Serra M., Teixeira A.P., Saggio I., Lima P.A., Kremer E.J., Schiavo G., Brito C., Alves P.M. Modeling Human Neural Functionality In Vitro: Three-Dimensional Culture for Dopaminergic Differentiation. *Tissue Engineering Part A.* (2014) IF 3.892 Cit. 29
- 18) **Licursi V.**, Salvi C., De Cesare V., Rinaldi T., Mattei B., Fabbri C., Serino G., Bramasole L., Zimblar J.Z., Pick E., Barnes B.M., Bard M., Negri R. The COP9 signalosome is involved in the regulation of lipid metabolism and of transition metals uptake in *Saccharomyces cerevisiae*. *FEBS J.* (2014) IF 4.001 Cit. 13

19) Licursi V., Caiello I., Lombardi L., De Stefano M.E., Negri R., Paggi P. Lack of dystrophin in mdx mice modulates the expression of genes involved in neuron survival and differentiation. Eur J Neurosci. (2012)

20) Fratini E., **Licursi V.**, Artibani M., Kobos K., Colautti P., Negri R., Amendola R. Dose-dependent onset of regenerative program in neutron irradiated mouse skin. PLoS ONE (2011) IF 4.092 Cit. 14

TUTTE LE PUBBLICAZIONI PRESENTATE RISULTANO VALUTABILI

Il candidato presenta 20 pubblicazioni ai fini della valutazione

CONSISTENZA COMPLESSIVA DELLA PRODUZIONE SCIENTIFICA: Il candidato ha una produzione scientifica complessiva pari a N. 40 pubblicazioni, h-ind:13, cit. 499 (Scopus)

CANDIDATO: Daniele Narzi

3) Vengono esaminati i titoli e le pubblicazioni del candidato **Daniele Narzi**

2004 - Laurea in Chimica - Università di Roma "Sapienza" NON VALUTABILE

2011 - Titolo di Dottore di Ricerca University of Erlangen- Nürnberg (Germany) VALUTABILE

Attività Didattica

2013 - University of L'Aquila— Lecture/Course "Computer Modelling and Simulations of Biomolecules" 60 hours, 6 CFU - valutabile

2014 - University of L'Aquila -Lecturer for the Poisson-Boltzmann equation module in "Computer Modelling and Simulations of Chemical and Biological Systems" NON VALUTABILE

2020 - University of L'Aquila - Teaching Assistant of "Physical Chemistry I" NON VALUTABILE

Since 2020 - University of L'Aquila "Computer Modelling and Simulations of Biomolecules" 60 hours, 6 CFU - VALUTABILE

Since 2022 - University of L'Aquila, "CHIMICA (Canale A-G)" 60 hours, 6 CFU (Faculty of Industrial Engineering.) - VALUTABILE

Posizioni Ricerca: VALUTABILI

Since 29.10.2019 University of L'Aquila RTD-A

15.5.2016 - 31.7.2019 Ecole polytechnique fédérale de Lausanne (EPFL) PostDoc

1.2.2016 - 30.4.2016 University of L'Aquila Assegnista di ricerca

1.1.2015 - 31.12.2015 University of L'Aquila Assegnista di ricerca

1.2.2013 - 31.12.2014 University of Rome "La Sapienza" Assegnista di ricerca

2.1.2012 - 31.1.2013 University of L'Aquila Assegnista di ricerca

Relazione a Congressi (comunicazioni orali) VALUTABILE

2021 XXVII Congresso nazionale della SCI On line

2021 XII Convegno AICIng

2021 RENews – Renewable Energy News 2021

2018 CDP6 – Modeling for Drug Discovery

2017 BUR workshop 2017

2016 79th Harden Conference 2016

2015 BUUR meeting 2015

2015 5th Annual World Congress of Molecular & Cell Biology

2014 BUUR meeting 2014

2014 4th Visegrad Symposium on Structural Systems Biology

2014 Biophysics@Rome 2014

2013 BUUR meeting 2013

2009 Molecular Model(l)ing Workshop

2009 Computer simulation and theory of macromolecules 2009

2007 Computer simulation and theory of macromolecules 2007

Grants (PI): VALUTABILI

2021 - IsC95_S1RMUTMD: "Exploring the effect of pathogenic mutations in Sigma-1 receptor by means of Classical MD simulations" - ISCRA

2020 - IsC83_APOPSII: "Characterization of the protonation and the hydration states in the active site of apo Photosystem II" - ISCRA

2019 - IsC77_BBEMDS: "Exploring substrate specificity of BBE-like enzymes by means of MD simulations" - ISCRA

2015 - IsC37_QMMMS3S4: "Evolution of the oxidized S3 state of the Kok cycle in Photosystem II explored by QM/MM Molecular Dynamics simulations" - ISCRA

2013 - sB06_QMMPSII: "Multilevel theoretical investigation of the Photosystem II" - ISCRA

Attività editoriale NON VALUTABILE

Chemical Science

Frontiers in Chemistry

Chemical Physics Letters

Catalysts

European Biophysics Journal

Nederlandse Organisatie voor Wetenschappelijk Onderzoek (NWO)

Member of the editorial board of the journal "Frontiers in Chemistry" (IF 5.221) as "Review Editor" in the "Theoretical and Computational Chemistry" section

Premi e riconoscimenti

Abilitazione Scientifica Nazionale alle funzioni di professore universitario di seconda fascia nel settore concorsuale 05/E2 – BIOLOGIA MOLECOLARE conseguita in data 13.05.2019 NON VALUTABILE

Pubblicazioni:

1. **D. Narzi**, and L. Guidoni "Structural and dynamic insights into Mn₄Ca cluster-depleted Photosystem II" Phys. Chem. Chem. Phys. 23 (2021) 27428-27436 (IF: 3.676 Cit: 0)
2. A. Scortica, M. Capone, **D. Narzi**, M. Frezzini, V. Scafati, M. Giovannoni, F. Angelucci, L. Guidoni, B. Mattei, M. Benedetti "A molecular dynamics-guided mutagenesis identifies two aspartic acid residues involved in the pH-dependent activity of OG-OXIDASE 1" Plant Physiol. Biochem. 169 (2021) 171-182 (IF: 4.27 Cit: 0)
3. M. Capone, **D. Narzi** and L. Guidoni "Mechanism of Oxygen Evolution and Mn₄CaO₅ Cluster Restoration in the Natural Water-Oxidizing Catalyst" Biochemistry 60 (2021) 2341–2348 (IF: 3.163 Cit: 0)
4. **D. Narzi**, S.C. van Keulen and U. Roethlisberger "Gai1 Inhibition Mechanism of ATP-bound Adenylyl Cyclase Type 5" PLoS ONE 16 (2021) e0245197 (IF: 3.24 Cit: 2)

5. M. Capone, L. Guidoni, and **D. Narzi** "Structural and dynamical characterization of the S₄ state of the Kok-Joliot's cycle by means of QM/MM Molecular Dynamics Simulations" *Chem. Phys. Lett.* 742 (2020) 137111 (IF: 2.328 Cit: 2)
6. N. Bruce, **D. Narzi**, D. Trpevski, S.C. van Keulen, A. Nair, P. Vidossich, U. Roethlisberger, R. Wade, P. Carloni and J.H.Kotaleski "Regulation of adenylyl cyclase 5 in striatal neurons confers the ability to detect coincident neuromodulatory signals" *PLoS. Comp. Biol.* 15 (2019) e1007382 (IF: 4.7 Cit: 8)
7. S.C. van Keulen, **D. Narzi**, U. Roethlisberger "Association of Both Inhibitory and Stimulatory G α Subunits Implies Adenylyl Cyclase 5 Deactivation" *Biochemistry* 58 (2019) 4317-4324 (IF: 2.865 Cit: 7)
8. **D. Narzi**, M. Capone, D. Bovi and L. Guidoni "Evolution from S₃ to S₄ state of the oxygen evolving complex in Photosystem II monitored by QM/MM dynamics" *Chem. – Eur. J.* 24 (2018) 10820-10828 (IF: 5.16 Cit: 13)
9. T. Milano, A. Gulzar, **D. Narzi**, L. Guidoni and S. Pascarella "Molecular dynamics simulation unveils the conformational flexibility of the interdomain linker in the bacterial transcriptional regulator GabR from *Bacillus subtilis* bound to pyridoxal 5'-phosphate" *PLoS ONE.* 12 (2017) e0189270 (IF: 2.766 Cit: 6)
10. **D. Narzi**, E. Coccia, M. Manzoli and L. Guidoni "Impact of molecular flexibility on the site energy shift of chlorophylls in Photosystem II" *Biophys. Chem.* 229 (2017) 93-98 (IF: 1.87 Cit: 8)
11. **D. Narzi**, G. Mattioli, D. Bovi and L. Guidoni "A Spotlight on the Compatibility between XFEL and Ab Initio Structures of the Oxygen Evolving Complex in Photosystem II" *Chem. – Eur. J.* 23 (2017) 6969-6973 (IF: 5.16 Cit: 22)
12. M. Capone, **D. Narzi**, D. Bovi, and L. Guidoni "Mechanism of water delivery to the active site of Photosystem II along the S₂ to S₃ transition" *J. Phys. Chem. Lett.* 7 (2016) 592-596 (IF: 9.353 Cit: 61)
13. **D. Narzi**, D. Bovi, P. De Gaetano and L. Guidoni, "Dynamics of the Special Pair of Chlorophylls of Photosystem II" *J. Am. Chem. Soc.* 138 (2016) 257-264 (IF: 13.858 Cit: 16)
14. M. Capone, D. Bovi, **D. Narzi** and L. Guidoni, "Reorganization of substrate waters between the closed and open cubane conformers during the S₂ to S₃ transition in the Oxygen Evolving Complex" *Biochemistry.* 54 (2015) 6442 (IF: 2.876 Cit: 49)
15. F. Pitari, D. Bovi, **D. Narzi** and L. Guidoni, "Characterization of Sr²⁺ and Cd²⁺ substituted Oxygen Evolving Complex of Photosystem II by QM/MM calculations" *Biochemistry.* 54 (2015) 5959 (IF: 2.876 Cit: 21)
16. **D. Narzi**, D. Bovi and L. Guidoni. "Pathway for Mn-cluster oxidation by tyrosine-Z in the S₂ state of photosystem II" *Proc. Natl. Ac. Sci. USA* 111 (2014) 8723 – 8728 (IF: 9.674 Cit: 90)
17. D. Bovi, **D. Narzi** and L. Guidoni. "The S₂ state of the Oxygen-Evolving Complex of Photosystem II explored by QM/MM dynamics: spin surfaces and metastable states

suggest a reaction path towards the S3 state” Ang. Chem. Int. Ed. 52 (2013) 11744–11749 (IF: 11.336 Cit: 113)

18. **D. Narzi**, C. M. Becker, M. T. Fiorillo, A. Ziegler and R. A. Böckmann. “Dynamical characterization of two differentially disease-associated MHC Class I proteins in complex with viral- and self-antigenes” J. Mol. Biol. 415 (2012) 429-442 (IF: 3.905 Cit: 57)

19. **D. Narzi**, S. W. I. Siu, J. Kesavan, R. Mohrmann, R. A. Böckmann and D. Bruns. “Membrane-proximal tryptophanes of Synaptobrevin II promote priming of secretory vesicles” J. Neur. Sci. 32 (2012) 15983–15997 (IF: 6.908 Cit: 26)

20. E. Nurzia, **D. Narzi**, A. Cauli, A. Mathieu, V. Tedeschi, R. Sorrentino, R. A. Böckmann and M. T. Fiorillo. “Interaction pattern of Arg 62 in the A-pocket of differentially disease-associated HLA-B27 subtypes suggests distinct TCR binding modes” PLoS ONE 7 (2012) e32865 (IF: 3.73 Cit: 17)

TUTTE LE PUBBLICAZIONI PRESENTATE RISULTANO VALUTABILI

Il candidato presenta 20 pubblicazioni ai fini della valutazione

CONSISTENZA COMPLESSIVA DELLA PRODUZIONE SCIENTIFICA: Il candidato ha una produzione scientifica complessiva pari a N. 29 pubblicazioni, h-ind:13, cit. 650 (Scopus)

CANDIDATA: Livia Perfetto

4) Vengono esaminati i titoli e le pubblicazioni della candidata **Livia Perfetto**

2010 - Laurea in Biologia Molecolare e Cellulare - Università di Roma Tor Vergata NON VALUTABILE

2015 - Titolo di Dottore di Ricerca in Biologia Molecolare e Cellulare - Università di Roma Tor Vergata VALUTABILE

2017 - Master in Clinical Research in Hematology and Oncology” - Università di Roma Tor Vergata NON VALUTABILE

Attività Didattica

2017-20 University of Cambridge - Trainer for bioinformatics and systems biology courses. NON VALUTABILE

2017-20 - European Bioinformatic Institute (EMBL-EBI) - Trainer for bioinformatics and systems biology courses. NON VALUTABILE

2020-21 - University of Rome 'Tor Vergata' - Member of the exam commission for the “Systems Biology and physic-Chemistry” and for the “Systems Biology and parasitology” courses (3 CFU, MED03), for the “Bioinformatics” and “Cellular and Molecular Biology” curricula (LM6 DM-270' and LM-6 DM-270). NON VALUTABILE

2021-22 - University of Rome 'Tor Vergata' - Lecturer for the “Molecular Biology” course (6 CFU, BIO/11), for the “Biotechnology” curriculum. VALUTABILE

Posizioni Ricerca:

VALUTABILI

2014-16 University of Rome 'Tor Vergata' - Post-doc

2016-17 University of Rome 'Tor Vergata' - Post-doc (AIRC fellow)

2017-20 - European Bioinformatic Institute (EMBL- EBI) - Staff member (senior curator and bioinformatician)

2020 -oggi Fondazione Human Technopole - Scientific Consultant (SIGNOR project leader)

NON VALUTABILI

2020 -oggi European Bioinformatic Institute (EMBL- Visitor Scientist EBI)

2021 -oggi University of Cambridge Visitor Scientist

2021 -oggi University of Rome 'Tor Vergata' Teaching assignment

Grants (PI): VALUTABILE

2015-18 SIGNOR, a tool for patient stratification and diagnosis in personalized oncology - AIRC

Attività Editoriale NON VALUTABILE

2021 - oggi - 'Frontiers in Bioinformatics' Editorial Board

Affiliazione a Società Scientifiche NON VALUTABILI

2016-2022 Member of the GREEKC consortium (COST action CA15205) (<https://www.greekc.org/people/>)

2022-oggi Member of the Elixir focus-groups/systems-biology/members) Systems Biology Focus Group (<https://elixir-europe.org/>)

2017 Member of the ISB (International Society of Biocuration)

2010-Present Member of the HUPO-PSI (Proteomic Standard Initiative) community

2020-Present Member of the Variopath consortium

Abilitazioni **NON VALUTABILI**

2018 Abilitazione Scientifica Nazionale alle funzioni di professore di II fascia per il Settore concorsuale 05/I1

2017 Abilitazione Scientifica Nazionale alle funzioni di professore di II fascia per il Settore concorsuale 05/F1

Premi e riconoscimenti

2011 5000.00 € Special Prize "Sebastiano and Rita Raeli" . **VALUTABILE**

Pubblicazioni

- 1) De Marinis, I., Lo Surdo, P., Cesareni, G., & **Perfetto, L.** SIGNORApp: a Cytoscape 3 application to access SIGNOR data 2021. *Bioinformatics*
Vol:10.1093/bioinformatics/btab865 Article. citations: 0; IF of 2021: 6.937
- 2) Cesareni G., Sacco F., & **Perfetto L.** Assembling Disease Networks From Causal Interaction Resources 2021. *Frontiers in Genetics* Vol: 12 10.3389/fgene.2021.694468 Review. citations: 0; IF of 2021: 4.599
- 3) **Perfetto L.**, Micarelli E., Iannuccelli M., Lo Surdo P., Giuliani G., Latini S., Pugliese G.M., Massacci G., Vumbaca S., Riccio F., Fuoco C., Paoluzi S., Castagnoli L., Cesareni G., Licata L., Sacco F. A resource for the network representation of cell perturbations caused by SARS-CoV-2 infection 2021. *Genes* Vol: 12 10.3390/genes12030450 Article. citations: 1; IF of 2021: 4.096
- 4) Palma A., Iannuccelli M., Rozzo I., Licata L., **Perfetto L.**, Massacci G., Castagnoli L., Cesareni G., Sacco F. Integrating patient-specific information into logic models of complex diseases: Application to acute myeloid leukemia 2021. *Journal of Personalized Medicine* Vol: 11 10.3390/jpm11020117 Article. citations: 4; IF of 2021: 4.945
- 5) Pugliese G.M., Latini S., Massacci G., **Perfetto L.**, Sacco F. Combining mass spectrometry-based phosphoproteomics with a network-based approach to reveal flt3-dependent mechanisms of chemoresistance 2021. *Proteomes* Vol: 9 10.3390/proteomes9020019 Review. citations: 0; no IF
- 6) Porras P., Barrera E., Bridge A., del-Toro N., Cesareni G., Duesbury M., Hermjakob H., Iannuccelli M., Jurisica I., Kotlyar M., Licata L., Lovering R.C., Lynn D.J., Meldal B., Nanduri B., Paneerselvam K., Panni S., Pastrello C., Pellegrini M., **Perfetto L.**, Rahimzadeh N., Ratan P., Ricard-Blum S., Salwinski L., Shirodkar G., Shrivastava A., Orchard S. Towards a unified open access dataset of molecular interactions 2020. *Nature Communications* Vol: 11 10.1038/s41467-020-19942-z Article. citations: 12; IF of 2020: 14.919

7) **Perfetto L.**, Pastrello C., Del-Toro N., Duesbury M., Iannuccelli M., Kotlyar M., Licata L., Meldal B., Panneerselvam K., Panni S., Rahimzadeh N., Ricard-Blum S., Salwinski L., Shrivastava A., Cesareni G., Pellegrini M., Orchard S., Jurisica I., Hermjakob H., Porras P. The IMEx coronavirus interactome: An evolving map of Coronaviridae-host molecular interactions 2020. Database Vol: 202010.1093/database/baaa096 Article. citations: 13; IF of 2020: 3.451

8) Iannuccelli M., Micarelli E., Surdo P.L., Palma A., **Perfetto L.**, Rozzo I., Castagnoli L., Licata L., Cesareni G. CancerGeneNet: Linking driver genes to cancer hallmarks 2020. Nucleic Acids Research Vol: 48 10.1093/nar/gkz871 Article. citations: 7; IF of 2020: 16.971

9) del-Toro N., Duesbury M., Koch M., **Perfetto L.**, Shrivastava A., Ochoa D., Wagih O., Piñero J., Kotlyar M., Pastrello C., Beltrao P., Furlong L.I., Jurisica I., Hermjakob H., Orchard S., Porras P., Khadake J., Meldal B., Panni S., Thorneycroft D., van Roey K., Abbani S., Salwinski L., Pellegrini M., Iannuccelli M., Licata L., Cesareni G., Roechert B., Bridge A., Ammari M.G., McCarthy F., Broackes-Carter F., Campbell N.H., Melidoni A.N., Rodriguez-Lopez M., Lovering R.C., Jagannathan S., Chen C., Lynn D.J., Ricard-Blum S., Mahadevan U., Raghunath A., IMEx Consortium contributing authors Capturing variation impact on molecular interactions in the IMEx Consortium mutations data set 2019. Nature Communications Vol: 1010.1038/s41467-018-07709-6 Article. citations: 26; IF of 2019: 12.121

10) **Perfetto L.**, Acencio M.L., Bradley G., Cesareni G., Del Toro N., Fazekas D., Hermjakob H., Korcsmaros T., Kuiper M., Lægreid A., Lo Surdo P., Lovering R.C., Orchard S., Porras P., Thomas P.D., Touré V., Zabolos J., Licata L. CausalTAB: The PSI-MITAB 2.8 updated format for signalling data representation and dissemination 2019. Bioinformatics Vol: 3510.1093/bioinformatics/btz132 Article. citations: 11; IF of 2019: 5.61

11) Meldal B.H.M., Bye-A-Jee H., Gajdoš L., Hammerová Z., Horáčková A., Melicher F., **Perfetto L.**, Pokorný D., Lopez M.R., Türková A., Wong E.D., Xie Z., Casanova E.B., Del-Toro N., Koch M., Porras P., Hermjakob H., Orchard S. Complex Portal 2018: Extended content and enhanced visualization tools for macromolecular complexes 2019. Nucleic Acids Research Vol: 47 10.1093/nar/gky1001 Article. citations: 37; IF of 2019: 11.502

12) Sacco F., **Perfetto L.**, Cesareni G. Combining Phosphoproteomics Datasets and Literature Information to Reveal the Functional Connections in a Cell Phosphorylation Network 2018. Proteomics Vol: 18 10.1002/pmic.201700311 Review. citations: 12; IF of 2018: 3.106

13) Lo Surdo P., Calderone A., Iannuccelli M., Licata L., Peluso D., Castagnoli L., Cesareni G., & **Perfetto L.** DISNOR: A disease network open resource 2018. Nucleic Acids Research Vol: 46 10.1093/nar/gkx876 Article. citations: 18; IF of 2018: 11.147

14) Surdo P.L., Calderone A., Cesareni G., & **Perfetto L.** SIGNOR: A database of causal relationships between biological entities-a short guide to searching and browsing 2017. Current Protocols in Bioinformatics Vol: 2017 10.1002/cpbi.28 Article. citations: 6; no IF

15) **Perfetto L.**, Briganti L., Calderone A., Perpetuini A.C., Iannuccelli M., Langone F., Licata L., Marinkovic M., Mattioni A., Pavlidou T., Peluso D., Petrilli L.L., Pirró S., Posca D., Santonico E., Silvestri A., Spada F., Castagnoli L., Cesareni G. SIGNOR: A database

of causal relationships between biological entities 2016. Nucleic Acids Research Vol: 44 10.1093/nar/gkv1048 Article. citations: 129; IF of 2016: 10.162

16) **Perfetto L.**, Gherardini P.F., Davey N.E., Diella F., Helmer-Citterich M., Cesareni G. Exploring the diversity of SPRY/B30.2-mediated interactions 2013. Trends in Biochemical Sciences Vol: 3810.1016/j.tibs.2012.10.001 Review. citations: 52; IF of 2013: 13.522

17) Sacco F. & **Perfetto L.**, Castagnoli L., Cesareni G. The human phosphatase interactome: An intricate family portrait 2012. FEBS Letters Vol: 58610.1016/j.febslet.2012.05.008 Review. citations: 122; IF of 2012: 3.582

18) Orchard S., Kerrien S., Abbani S., Aranda B., Bhate J., Bidwell S., Bridge A., Briganti L., Brinkman F., Cesareni G., Chatr-Aryamontri A., Chautard E., Chen C., Dumousseau M., Goll J., Hancock R., Hannick L.I., Jurisica I., Khadake J., Lynn D.J., Mahadevan U., **Perfetto L.**, Raghunath A., Ricard-Blum S., Roechert B., Salwinski L., Stümpflen V., Tyers M., Uetz P., Xenarios I., Hermjakob H. Protein interaction data curation: The International Molecular Exchange (IMEx) consortium 2012. Nature Methods Vol: 910.1038/nmeth.1931 Review. citations: 334; IF of 2012: 23.565

19) Carducci M. & **Perfetto L.**, Briganti L., Paoluzi S., Costa S., Zerweck J., Schutkowski M., Castagnoli L., Cesareni G. The protein interaction network mediated by human SH3 domains 2012. Biotechnology Advances Vol: 30 10.1016/j.biotechadv.2011.06.012 Article. citations: 37; IF of 2012: 9.599

TUTTE LE PUBBLICAZIONI PRESENTATE RISULTANO VALUTABILI

La candidata presente 19 pubblicazioni ai fini della valutazione

CONSISTENZA COMPLESSIVA DELLA PRODUZIONE SCIENTIFICA: La candidata ha una produzione scientifica complessiva pari a N. 38 pubblicazioni, h-ind:18, cit. 4772 (Scopus)

Letto, confermato e sottoscritto.

Firma del Commissari

Carlo Presutti

.....

.....