

INFORMAZIONI PERSONALI

Virginia Valentini

mail virginia.valentini@uniroma1.it

ATTIVITÀ DI RICERCA

Analisi multi-omica delle alterazioni molecolari coinvolte nell'insorgenza e nella progressione tumorale, per l'identificazione di sottogruppi molecolari e potenziali biomarcatori diagnostici, prognostici e/o predittivi di risposta a strategie terapeutiche innovative e personalizzate. Analisi di signature genomiche prognostiche e predittive basate sul carico mutazionale tumorale e instabilità dei microsatelliti nel carcinoma mammario maschile.

ESPERIENZA PROFESSIONALE

Data
Nome e indirizzo del datore di lavoro
Tipo di attività
Posizione ricoperta
Focus della ricerca

Marzo 2025 – Febbraio 2026
Dipartimento di Medicina Molecolare, "Sapienza" Università di Roma.
Viale Regina Elena 324, 00161 Roma

Epidemiologia Molecolare del Cancro

Assegnista di Ricerca (categoria B - Tipologia II, SSD MEDS-02/A)

Analisi del carcinoma mammario maschile attraverso un approccio multi-omico, che integra le caratteristiche biologiche specifiche del tumore al seno negli uomini per migliorare la diagnosi, il trattamento e la gestione personalizzata della malattia, sviluppando approcci di oncologia di precisione mirati e gender-specifici.

Visiting researcher presso il Centre de Recherche des Cordeliers, Hôpital Européen Georges Pompidou, a Parigi dal 22 al 25 Aprile 2025, per una collaborazione scientifica sulla genetica dei tumori.

Data
Nome e indirizzo del datore di lavoro
Tipo di attività
Posizione ricoperta
Focus della ricerca

Marzo 2024 – Febbraio 2025
Dipartimento di Medicina Molecolare, "Sapienza" Università di Roma.
Viale Regina Elena 324, 00161 Roma

Epidemiologia Molecolare del Cancro

Assegnista di Ricerca (Bando BE FOR ERC 2023, SSD MED/04)

Stabilizzazione di modelli cellulari bidimensionali e tridimensionali derivati da tumori primari di casi con diagnosi di carcinoma mammario maschile per lo studio della biologia e della genetica della neoplasia

Data
Nome e indirizzo del datore di lavoro
Tipo di attività
Posizione ricoperta
Focus della ricerca

Agosto – Novembre 2024

Faculty of Medicine, Health and Life Sciences, School of Medicine, Dentistry and Biomedical Sciences, The Patrick G Johnston Centre for Cancer Research, Queen's University of Belfast (UK)

Colture cellulari

Visiting researcher (Vincitrice di short-term fellowship AIRC)

Acquisizione di metodi e condizioni di base per la stabilizzazione e la manipolazione di modelli di coltura cellulare (inclusa la prima linea cellulare primaria stabilizzata da un paziente maschio con diagnosi di carcinoma mammario maschile). Esperimenti funzionali di Dual Luciferase Reporter Assay e STARR-seq per lo studio delle funzioni degli SNPs non codificanti e precedentemente identificati da studi di GWAS in regioni genomiche associate al rischio di carcinoma mammario femminile e maschile.

Data
Tipo di attività
Nome e indirizzo del datore di lavoro
Tipo di attività
Posizione ricoperta
Focus della ricerca

Marzo 2023 – Febbraio 2024

Epidemiologia Molecolare del Cancro

Dipartimento di Medicina Molecolare, "Sapienza" Università di Roma.
Viale Regina Elena 324, 00161 Roma

Epidemiologia Molecolare del Cancro

Assegnista di Ricerca (categoria B - Tipologia II, SSD MED/04)

Analisi del profilo delle alterazioni genetiche nel carcinoma mammario maschile per l'identificazione di sottogruppi molecolari e di potenziali biomarcatori prognostici e/o predittivi di risposta a strategie terapeutiche innovative e personalizzate.

Data	Marzo 2020 – Febbraio 2023
Nome e indirizzo del datore di lavoro	<i>Dipartimento di Medicina Molecolare, "Sapienza" Università di Roma. Viale Regina Elena 324, 00161 Roma</i>
Tipo di attività	Oncologia Molecolare del carcinoma mammario maschile
Posizione ricoperta	Borsista della Fondazione Italiana per la Ricerca sul Cancro (FIRC-AIRC)
Focus della ricerca	<i>"Characterization of Tumor Mutational Burden in Male Breast Cancers".</i>
Data	Novembre 2019 – Febbraio 2020
Nome e indirizzo del datore di lavoro	<i>Dipartimento di Medicina Molecolare, "Sapienza" Università di Roma. Viale Regina Elena 324, 00161 Roma</i>
Tipo di attività	Oncologia Molecolare del carcinoma mammario maschile
Posizione ricoperta	Borsista di Studio Senior per attività di ricerca, SSD MED/04
Focus della ricerca	Analisi del profilo mutazionale nel carcinoma mammario maschile BRCA e non BRCA per l'identificazione di sottotipi molecolari con validità prognostica e predittiva, nell'ambito del progetto <i>"Matched germline and tumor profiling in BRCA and non-BRCA male breast cancer for new molecular biomarker discovery"</i> .
Data	Settembre 2019 – Giugno 2020
Nome e indirizzo del datore di lavoro	<i>Business Integration Partners Life Sciences in collaborazione con Novartis, Piazza San Babila 5, 20121 Milano</i>
Tipo di attività	Life Sciences, consulenza nel campo farmaceutico e sanitario
Posizione ricoperta	Collaboratore di lavoro autonomo di tipo occasionale
Focus della ricerca	<i>Progetto SimPLE (Simulating Psoriasis Landscape Evolution):</i> supporto delle Unità Operative di dermatologia del Policlinico Umberto I nella gestione delle risorse nella psoriasi, Via del Policlinico 291, 00161 Roma.
Data	Maggio 2019 – Luglio 2019
Nome e indirizzo del datore di lavoro	<i>Dipartimento di Medicina Molecolare, "Sapienza" Università di Roma. Viale Regina Elena 324, 00161 Roma</i>
Tipo di attività	Oncologia Molecolare del carcinoma mammario maschile
Posizione ricoperta	Collaboratore di lavoro autonomo di tipo occasionale, SSD MED/04
Focus della ricerca	Progetto: <i>"Exploring the transcriptional landscape of BRCA-positive and BRCA-negative male breast cancers by RNA-sequencing"</i>
Data	Novembre 2015 – Ottobre 2018
Nome e indirizzo del datore di lavoro	<i>Dipartimento di Medicina Interna e Specialità Mediche, "Sapienza" Università di Roma. Policlinico Umberto I, Via del Policlinico 155, 00161 Roma</i>
Tipo di attività	Oncologia Molecolare dei tumori solidi
Posizione ricoperta	Borsista di Dottorato di Ricerca in Tecnologie Biomediche in Medicina Clinica
Focus della ricerca	Analisi delle basi genetiche dei tumori solidi umani (carcinoma mammario femminile e maschile, melanoma, carcinoma polmonare e del colon-retto).

ESPERIENZA ACCADEMICA

Date	Anno accademico 2025-2026 -oggi
Posizione	Incarico di insegnamento del Corso "Advanced diagnostics in oncology-Advanced sequencing platforms" del secondo anno di corso del Dottorato di Ricerca in Medicina Molecolare (40° ciclo), Sapienza Università di Roma.
Date	Anno accademico 2025-2026 -oggi
Posizione	Attività di docenza nel corso di laurea di Medicina e Chirurgia, canale F, Sapienza università di Roma, I semestre. L'attività prevede un'attività di laboratorio per 0,2 cfu all'interno dell'insegnamento BIOLOGY AND GENETICS (I)
Date	10/07/2025
Posizione	Conseguimento dell'Abilitazione Scientifica Nazionale a Professore di II fascia nel Settore Concorsuale 05/E3 - BIOCHIMICA CLINICA E BIOLOGIA MOLECOLARE CLINICA - Quarto Quadrimestre (validità Abilitazione dal 10/07/2025 al 10/07/2037)

Date **Anno accademico 2023-2024**
Nome dell'istituto Sapienza Università di Roma, Facoltà di Farmacia e Medicina, Dipartimento di Medicina Molecolare
Posizione Incarico di docenza presso Master di II livello in Virologia Molecolare
Insegnamento: "Analisi dei dati di NGS"

Date **Anno accademico 2023-2024 - oggi**
Nome dell'istituto Sapienza Università di Roma, Facoltà di Farmacia e Medicina, Dipartimento di Medicina Molecolare
Posizione Incarico di insegnamento del Corso "Cancro ed ereditarietà". Corso di Dottorato di Ricerca in Medicina Molecolare, I anno, Sapienza Università di Roma.

Date **Anno accademico 2023-2024 - oggi**
Nome Dell'istituto Sapienza Università di Roma, Facoltà di Farmacia e Medicina, Dipartimento di Medicina Molecolare
Posizione Attività didattica come cultore della materia per l'insegnamento di "Patologia Generale" presso il Corso di Laurea in Tecniche della prevenzione nell'ambiente e nei luoghi di lavoro (abilitante alla professione sanitaria di Tecnico della prevenzione nell'ambiente e nei luoghi di lavoro) - Corso di laurea A - sede Roma Azienda Policlinico Umberto I, Sapienza Università di Roma.

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

Data **21 Ottobre 2022**
Nome dell'istituto Dipartimento di Sanità Pubblica e Malattie Infettive, "Sapienza" Università di Roma
Titolo della qualifica rilasciata **Corso di Formazione in Introduzione ai modelli statistici applicati all'analisi dei dati biomedici con R-Studio**

Data **26 Febbraio 2019**
Nome dell'istituto Dipartimento di Medicina Interna e Specialità Mediche, "Sapienza" Università di Roma.
Titolo della qualifica rilasciata **Dottorato di Ricerca in Tecnologie Biomediche in Medicina Clinica**
Titolo Tesi "Multigene Panel Next Generation Sequencing for Hereditary Breast/Ovarian Cancer And Sporadic Cancer"

Data **Luglio 2015**
Nome dell'istituto Università degli Studi di Roma Tor Vergata
Titolo della qualifica rilasciata **Abilitazione all'esercizio della professione di biologo.**

Data **22 Ottobre 2014**
Nome dell'istituto "Sapienza" Università di Roma
Titolo della qualifica rilasciata **Laurea Specialistica in Genetica e Biologia Molecolare nella Ricerca di Base e Biomedica**
Titolo Tesi "Il ruolo epigenetico degli acidi grassi polinsaturi nella carcinogenesi: analisi del profilo di metilazione di p21"

Data **19 Giugno 2012**
Nome dell'istituto "Sapienza" Università di Roma
Titolo della qualifica rilasciata **Laurea Triennale in Scienze Biologiche**
Titolo Tesi "Il DNA antico e la paleopatologia nello studio delle malattie infettive e tumorali"

Lingua madre: Italiano

Altre lingue

Inglese

COMPRESIONE		PARLATO		PRODUZIONE SCRITTA
Ascolto	Lettura	Interazione	Produzione orale	
C1	C1	C1	C1	C1

Livelli: A1/A2: Utente base - B1/B2: Utente intermedio - C1/C2: Utente avanzato Quadro Comune Europeo di Riferimento delle Lingue

Competenze organizzative e gestionali

Ottima propensione al lavoro di gruppo e alle relazioni interpersonali. Esperienza nella stesura di progetti di ricerca e nella gestione amministrativa dei fondi ottenuti e degli ordini in laboratorio.

Competenze tecniche

- Ottima conoscenza delle tecniche di biologia molecolare degli acidi nucleici.
- In particolare:
- Estrazione e purificazione di acidi nucleici da sangue, tessuti inclusi in paraffina, tessuti congelati, tessuti mummificati, denti, ossa e colture batteriche.
- Reazione polimerasica a catena (PCR).
- Elettroforesi su gel di agarosio.
- Analisi di sequenziamento automatico (Sanger).
- Real-Time PCR (chimica TaqMan e SYBR green).
- High Resolution Melting (HRM).
- Pirosequenziamento.
- Analisi con tecnologie di sequenziamento Next Generation Sequencing (MiniSeq/Illumina; IonTorrent/ThermoFisher); corso di formazione per l'utilizzo del sistema MiniSeq, Roma 30-31 Maggio 2016.
- Analisi biostatistiche e bioinformatiche.
- Conoscenza delle tecniche di biologia cellulare: colture cellulari e curve di crescita, estrazione di DNA e RNA da cellule, trasfezione di linee cellulari, esperimenti funzionali di Dual Luciferase Reporter Assay, STARR-seq, citofluorimetria.

Competenze e competenze informatiche

Ottimo uso del computer e dei software per le piattaforme Mac e Windows: pacchetto Office, Adobe Photoshop, programmi di lettura per sequenze automatiche, programmi di analisi *in silico* di sequenze e proteine, di visualizzazione molecolare. Conoscenza delle pipeline bioinformatiche per analisi di sequenze da piattaforme NGS. Buona conoscenza del software statistico R. Ottima capacità di navigare in internet e di usufruire di database online.

Altre competenze

- Direzione come Guest Editor dello Special Issue "Understanding Breast Cancer Through Multi-omics and Gender-specific Analyses" edito dalla rivista scientifica Frontiers in Oncology.
- Direzione come Guest Editor dello Special Issue "Advances in Pathology, Early Diagnosis and Therapeutic Strategies for Breast Cancer" edito dalla rivista scientifica Oncology Research.
- Direzione come Guest Editor dello Special Issue "Molecular Genetics of Breast Cancer-Recent Progress" edito dalla rivista scientifica International Journal of Molecular Sciences.
- Revisore per le seguenti riviste scientifiche internazionali: Current Oncology, Cancers, International Journal of Molecular Sciences, Diagnostics, Genes, Current Issues in Molecular Biology, International Journal of Environmental Research and Public Health, Journal of Clinical Medicine, Scientific Reports, Journal of Men's Health, INNOSC Theranostics and Pharmacological Science, Heliyon, Breast Cancer Management, Critical Reviews in Oncology / Hematology.
- Membro del Topical Advisory Panel della rivista scientifica internazionale International Journal of Molecular Sciences.

ULTERIORI INFORMAZIONI PARTECIPAZIONE A PROGETTI DI RICERCA

- Ricerca di Ateneo Sapienza Università di Roma 2024: *BRCA genes, inflammation and immunity: new approaches towards actionable strategies for male breast cancer patients*, Responsabile: OTTINI Laura
- AIRC 2023 – 2028: *Comprehensive multi-omics landscape of male breast cancer: shaping a gender-specific precision oncology*.
- Ricerca di Ateneo Sapienza Università di Roma 2023: *Characterization of skin microbiome profiles in psoriatic patients*, Responsabile: RICHETTA Antonio Giovanni

- Ricerca di Ateneo Sapienza Università di Roma 2022: *Integrating germline and somatic genomics of male breast cancer patients with multiple primary malignancies*.
- Ricerca di Ateneo Sapienza Università di Roma 2021: *Exploring somatic mutational landscapes of male breast cancers characterized for germline mutations in DNA repair genes*, Responsabile: OTTINI Laura
- Ricerca di Ateneo Sapienza Università di Roma 2020: *Analysis of Tumor Mutational Burden in Male Breast Cancers characterized for germline mutations in homologous recombination genes*, Responsabile: OTTINI Laura
- Lega Italiana per la Lotta contro i Tumori (LILT) - Programma 5 per mille, anno 2019 Investigator Grant: *Germline and somatic characterization of male breast cancer for new molecular biomarker discovery*, Responsabile: OTTINI Laura
- Ricerca di Ateneo Sapienza Università di Roma 2019: *New players in the Homologous Recombination pathway: investigating the role of SMYD3 in breast cancers characterized for BRCA mutation status*, Responsabile: OTTINI Laura
- AIRC 2018 - 2023: *Matched germline and tumor profiling in BRCA and non-BRCA male breast cancer for new molecular biomarker discovery*, Responsabile: OTTINI Laura
- Ricerca di Ateneo Sapienza Università di Roma 2018: *Providing insights into the transcriptome profile of BRCA mutation-positive and -negative male breast cancer*, Responsabile: OTTINI Laura
- Ricerca di Ateneo Sapienza Università di Roma 2017: *Exploring the transcriptional landscape of BRCA-positive and BRCA-negative male breast cancers by RNA-sequencing*, Responsabile: OTTINI Laura
- Ricerca di Ateneo Sapienza Università di Roma 2016: *Genomic screening of BRCA1/2 mutation negative Italian male breast cancers by gene-panel sequencing*, Responsabile: OTTINI Laura
- AIRC 2015 - 2017: *Integrative "omics" approach to the characterization of BRCA-positive and BRCA-negative male breast cancer*, Responsabile: OTTINI Laura

PREMI E RESPONSABILITA' SCIENTIFICHE

- ANNO 2024, Associazione Mogli Medici Italiani (AMMI), Vincitrice del XIII concorso di ricerca di medicina e farmacologia di genere specifiche, con il progetto dal titolo *"Disparità di genere nella risposta alla terapia ormonale nel carcinoma mammario" caratterizzazione sesso-specifica della risposta al tamoxifene*. Euro 10.000,00
- ANNO 2024, Associazione Italiana per la Ricerca sul Cancro (AIRC), Vincitrice del bando Short-term Fellowships 2024, per un periodo di tre mesi presso la Queen's University di Belfast (UK), come visiting researcher, con il progetto dal titolo *"Development of male breast cancer experimental models for expanding treatment options"*.
- ANNO 2024, Schattner Award come migliore presentazione *"Salivary and Plasmatic MicroRNAs expression in Oral Squamous Cell Carcinoma and Oral Potentially Malignant Disorders"*. American Academy of Oral Medicine (AAOM) Annual Conference. 17-20 Apr 2024, Orlando, Florida.
- ANNO 2024, LA SAPIENZA UNIVERSITA' DI ROMA Vincitrice del bando BE FOR ERC con il progetto dal titolo *"BEFORCARE: Development of male BrEast cancer model systems FOR preCision therApeutic stRatEgy"*. Euro 10.000,00
- ANNO 2023, LA SAPIENZA UNIVERSITA' DI ROMA Vincitrice del bando Progetti per Avvio alla Ricerca - Tipo 2" con il progetto dal titolo *"Methylation analysis of prostate cancers from hormonally treated and non-treated patients"*. Euro 2.000,00
- ANNO 2022, Programma Fondo Sociale Europeo Plus (FSE+) 2021- 2027 – Vincitrice di un contributo *"Contributi premiali per i ricercatori e assegnisti di ricerca per rafforzare la condizione professionale e potenziare il sistema della ricerca del Lazio"*. Euro 2.000,00.
- ANNO 2021, Joint Runner-Up Best Paper Prize da parte della rivista scientifica internazionale Aging Cell per la pubblicazione *"DNA methylation-based biomarkers of aging were slowed down in a two-year diet and physical activity intervention trial: the DAMA study"*.

- ANNO 2019, Fondazione Italiana per la Ricerca sul Cancro (FIRC-AIRC). Vincitrice della borsa di ricerca triennale "Carlo Zanotti", con il progetto dal titolo "*Characterization of Tumor Mutational Burden in Male Breast Cancers*".
- ANNO 2015, LA SAPIENZA UNIVERSITA' DI ROMA Vincitrice del bando "Progetti per Avvio alla Ricerca 2015" con il progetto dal titolo "*Molecular profiling of thin melanoma*". Euro 1.500,00.

PARTECIPAZIONE A SOCIETA' SCIENTIFICHE

Membro delle seguenti società scientifiche:
Associazione Italiana Colture Cellulari (AICC)
Società Italiana di Cancerologia (SIC)
European Association for cancer research (EACR)
American Association for cancer research (AACR)
Società Italiana di Patologia e Medicina Traslazionale (SIPMET)

PARTECIPAZIONE A CONGRESSI COME SPEAKER:

1. 36° AICC International meeting: "HIJACKING THE «GOOD» PATHWAYS: cancer, immunity and therapeutic approaches", Roma 2-4 Dicembre 2024. "*Comprehensive tumor profiling approach reveals molecular biomarkers, expanding treatment options for male breast cancer patients*"
2. XXX SEMINARIO NAZIONALE AMMI (Associazione Mogli Medici Italiani), Trieste 17-18 Ottobre 2024. "*Disparità di genere nella risposta alla terapia ormonale nel carcinoma mammario: caratterizzazione sesso-specifica della risposta al tamoxifene*"
3. SIPMeT: Young Scientists Meeting 2023 General pathology: the trunk of the tree of medicine, Parma 22-23 Settembre 2023. "*The multi-omics based immune landscape of BRCA1/2-positive and negative male breast tumors*"

PUBBLICAZIONI SU RIVISTE INTERNAZIONALI

1. Silvestri V, **Valentini V**, Bucalo A, Porzio V, Scafetta G, Cerbelli B, Zanna I, Bianchi S, Tibiletti MG, Carnevali I, Calistri D, Arcangeli V, Zampiga V, Gasparini E, Cortesi L, Giannini G, Capalbo C, Fox S, Masala G, Ottini L. (2026) Breast Cancer Res. Transcriptomic Deconvolution Reveals Prognostic Immune Signatures and Immunotherapy-Responsive Subtypes in Male Breast Cancer. 10.21203/rs.3.rs-7572724/v1. IF: 5.6 *manuscript accepted*
2. Bucalo A, **Valentini V**, Porzio V, Arcangeli V, Bonanni B, Calistri D, Carnevali I, Cortesi L, Giannini G, Gismondi V, Manoukian S, Manzella L, Montagna M, Peterlongo P, Radice P, Russo A, Tibiletti MG, Turchetti D, Viel A, Zampiga V, Zanna I, Masala G, Silvestri V and Ottini L. The APC I1307K variant and male breast cancer risk: a multicenter case-control study in Italy. Oncologie. <https://doi.org/10.1515/oncologie-2025-0374>. IF: 2.5
3. **Valentini V***, Santi R*, Silvestri V, Saieva C, Roviello G, Amorosi A, Compérat E, Ottini L, Nesi G. CD44 Methylation Levels in Androgen-Deprived Prostate Cancer: A Putative Epigenetic Modulator of Tumor Progression. Int J Mol Sci. 2025 Mar 11;26(6):2516. doi: 10.3390/ijms26062516. IF: 4.9 *These authors contributed equally to this work as co-first authors.
4. Rocchetti F, Tenore G, Macali F, Vicidomini T, Podda GM, Fantozzi PJ, Silvestri V, Porzio V, **Valentini V**, Ottini L, Richetta AG, Valentini V, Della Monaca M, Grenga C, Polimeni A, Romeo U. Expression Analysis of Circulating microRNAs in Saliva and Plasma for the Identification of Clinically Relevant Biomarkers for Oral Squamous Cell Carcinoma and Oral Potentially Malignant Disorders. Cancers (Basel). 2024 Aug 28;16(17):2990. doi: 10.3390/cancers16172990. IF: 5.2
5. **Valentini V***, Bucalo A, Conti G, Celli L, Porzio V, Capalbo C, Silvestri V, Ottini L. Gender-Specific Genetic Predisposition to Breast Cancer: BRCA Genes and Beyond. Cancers (Basel). 2024 Jan 30;16(3):579. doi: 10.3390/cancers16030579. IF: 5.2 *These authors contributed equally to this work as co-first authors.
6. Silvestri V*, **Valentini V***, Bucalo A, Conti G, Manzella L, Turchetti D, Russo A, Capalbo C, Ottini L. HER2-Low Expression in Male Breast Cancer: Results from a Multicenter Series in Italy. Cancers 2024, 16, 548. doi: 10.3390/cancers16030548 IF: 5.2 *These authors contributed equally to this work as co-first authors.
7. Bucalo A, Conti G, **Valentini V**, Capalbo C, Bruselles A, Tartaglia M, Bonanni B, Calistri D, Coppa A, Cortesi L, Giannini G, Gismondi V, Manoukian S, Manzella L, Montagna M, Peterlongo P, Radice P, Russo A, Tibiletti MG, Turchetti D, Viel A, Zanna I, Palli D, Silvestri V, Ottini L. Male breast cancer risk associated with pathogenic variants in genes other than BRCA1/2: an Italian case-control study. Eur J Cancer. 2023 Jul;188:183-191. doi: 10.1016/j.ejca.2023.04.022. IF: 10.002
8. **Valentini V**, Silvestri V, Bucalo A, Conti G, Karimi M, Di Francesco L, Pomati G, Mezi S, Cerbelli B, Pignataro MG, Nicolussi A, Coppa A, D'Amati G, Giannini G and Ottini L. (2023) Molecular profiling of male breast cancer by multigene panel testing: Implications for precision oncology. Front. Oncol. 12:1092201. doi: 10.3389/fonc.2022.1092201. IF: 5.738.
9. **Valentini V**, Silvestri V, Bucalo A, Marraffa F, Risicato M, Grassi S, Pellacani G, Ottini L, Richetta AG. A Possible Link between Gut Microbiome Composition and Cardiovascular Comorbidities in Psoriatic Patients. J Pers Med. 2022 Jul 9;12(7):1118. doi: 10.3390/jpm12071118. IF: 3.508.
10. Zelli V, Silvestri V, **Valentini V**, Bucalo A, Rizzolo P, Zanna I, Bianchi S, Coppa A, Giannini G, Cortesi L, Calistri D, Tibiletti MG, Fox SB, kConFab, Palli D, Ottini L. Transcriptome of male breast cancer matched with germline profiling reveals novel molecular subtypes with possible clinical relevance. Cancers(Basel). 2021 Sep 8;13(18):4515. doi: 10.3390/cancers13184515. IF: 6.639.

11. Fiorito G, Caini S, Palli D, Bendinelli B, Saieva C, Ermini I, **Valentini V**, Assedi M, Rizzolo P, Ambrogetti D, Ottini L, Masala G. *DNA methylation-based biomarkers of aging were slowed down in a two-year diet and physical activity intervention trial: the DAMA study*. Aging Cell. 2021 Sep 18:e13439. doi: 10.1111/ace1.13439. IF: 11.005.
12. Barnes DR, Silvestri V, Leslie G, McGuffog L, Dennis J, Yang X, Adlard J, Agnarsson BA, Ahmed M, Aittomäki K, Andrulis IL, Arason A, Arnold N, Auber B, Azzollini J, Balmaña J, Barkardottir RB, Barrowdale D, Barwell J, Belotti M, Benitez J, Berthet P, Boonen SE, Borg Å, Bozsik A, Brady A, Brennan P, Brewer C, Brunet J, Bucalo A, Buys SS, Caldes T, Caligo MA, Campbell I, Cassingham H, Lotte Christensen L, Cini G, Claes KBM; GEMO Study Collaborators; EMBRACE Collaborators, Cook J, Coppa A, Cortesi L, Damante G, Darder E, Davidson R, de la Hoya M, De Leeneer K, de Putter R, Del Valle J, Diez O, Chun Ding Y, Domchek SM, Donaldson A, Eason J, Eeles R, Engel C, Gareth Evans D, Feliubadaló L, Fostira F, Frone M, Frost D, Gallagher D, Gehrig A, Giraud S, Glendon G, Godwin AK, Goldgar DE, Greene MH, Gregory H, Gross E, Hahnen E, Hamann U, Hansen TVO, Hanson H, Hentschel J, Horvath J; KConFab Investigators; HEBON Investigators, Izatt L, Izquierdo A, James PA, Janavicius R, Birk Jensen U, Johannsson OT, John EM, Kramer G, Kroeldrup L, Kruse TA, Lautrup C, Lazaro C, Lesueur F, Lopez-Fernández A, Mai PL, Manoukian S, Matrai Z, Matricardi L, Maxwell KN, Mebrouk N, Meindl A, Montagna M, Monteiro AN, Morrison PJ, Muranen TA, Murray A, Nathanson KL, Neuhausen SL, Nevanlinna H, Nguyen-Dumont T, Niederacher D, Olah E, Olopade OI, Palli D, Parsons MT, Skilde Pedersen I, Peissel B, Perez-Segura P, Peterlongo P, Petersen AH, Pinto P, Porteous ME, Pottinger C, Angel Pujana M, Radice P, Ramser J, Rantala J, Robson M, Rogers MT, Rønlund K, Rump A, María Sánchez de Abajo A, Shah PD, Sharif S, Side LE, Singer CF, Stadler Z, Steele L, Stoppa-Lyonnet D, Sutter C, Yen Tan Y, Teixeira MR, Teulé A, Thull DL, Tischkowitz M, Toland AE, Tommasi S, Toss A, Trainer AH, Tripathi V, **Valentini V**, van Asperen CJ, Venturelli M, Viel A, Vijai J, Walker L, Wang-Gohrke S, Wappenschmidt B, Whaite A, Zanna I, Offit K, Thomassen M, Couch FJ, Schmutzler RK, Simard J, Easton DF, Chenevix-Trench G, Antoniou AC, Ottini L; Consortium of Investigators of Modifiers of BRCA1 and BRCA2. *Breast and Prostate Cancer Risks for Male BRCA1 and BRCA2 Pathogenic Variant Carriers Using Polygenic Risk Scores*. J Natl Cancer Inst. 2021 Jul 28:djab147. doi: 10.1093/jnci/djab147. IF: 13.506.
13. **Valentini V**, Silvestri V, Marraffa F, Greco G, Bucalo A, Grassi S, Gagliardi A, Mazzotta A, Ottini L, Richetta AG. *Gut microbiome profile in psoriatic patients treated and untreated with biologic therapy*. J Dermatol. 2021 Jun;48(6):786-793. doi: 10.1111/1346-8138.15680. IF: 4.005.
14. Sanese P, Fasano C, Buscemi G, Bottino C, Corbetta S, Fabini E, Silvestri V, **Valentini V**, Disciglio V, Forte G, Lepore Signorile M, De Marco K, Bertora S, Grossi V, Guven U, Porta N, Di Maio V, Manoni E, Giannelli G, Bartolini M, Del Rio A, Caretti G, Ottini L, Simone C. *Targeting SMYD3 to Sensitize Homologous Recombination-Proficient Tumors to PARP-Mediated Synthetic Lethality*. iScience. 2020 Oct 7;23(10):101604. doi: 10.1016/j.isci.2020.101604. IF: 4.447.
15. Bucalo A, Rega F, Zangrilli A, Silvestri V, **Valentini V**, Scafetta G, Marraffa F, Grassi S, Rogante E, Piccolo A, Cucchiara S, Viola F, Bianchi L, Ottini L, Richetta A. *Paradoxical Psoriasis Induced by Anti-TNFα Treatment: Evaluation of Disease-Specific Clinical and Genetic Markers*. Int J Mol Sci. 2020 Oct 23;21(21):7873. doi: 10.3390/ijms21217873. IF: 4.556.
16. Nicolussi A, Belardinilli F, Silvestri V, Mahdavian Y, **Valentini V**, D'Inzeo S, Petroni M, Zani M, Ferraro S, Di Giulio S, Fabretti F, Fratini B, Gradilone A, Ottini L, Giannini G, Coppa A, Capalbo C. *Identification of novel BRCA1 large genomic rearrangements by a computational algorithm of amplicon-based Next-Generation Sequencing data*. PeerJ. 2019 Nov 15;7:e7972. doi: 10.7717/peerj.7972. IF: 2.353.
17. **Valentini V**, Zelli V, Gaggiano E, Silvestri V, Rizzolo P, Bucalo A, Calvieri S, Grassi S, Frascione P, Donati P, Soda G, Ottini L, Richetta AG. *MIRNAs as Potential Prognostic Biomarkers for Metastasis in Thin and Thick Primary Cutaneous Melanomas*. Anticancer Res. 2019 Aug;39(8):4085-4093. doi: 10.21873/anticancer.13566. IF: 1.935.
18. Rizzolo P, Silvestri V, **Valentini V**, Zelli V, Bucalo A, Zanna I, Bianchi S, Tibiletti MG, Russo A, Varesco L, Tedaldi G, Bonanni B, Azzollini J, Manoukian S, Coppa A, Giannini G, Cortesi L, Viel A, Montagna M, Peterlongo P, Radice P, Palli D, Ottini L. *Evaluation of CYP17A1 and CYP11B1 polymorphisms in male breast cancer risk*. Endocr Connect. 2019 Aug;8(8):1224-1229. doi: 10.1530/EC-19-0225. IF: 3.041.
19. Nicolussi A, Belardinilli F, Mahdavian Y, Colicchia V, D'Inzeo S, Petroni M, Zani M, Ferraro S, **Valentini V**, Ottini L, Giannini G, Capalbo C, Coppa A. *Next-Generation Sequencing of BRCA1 and BRCA2 genes for rapid detection of germline mutations in Hereditary Breast/Ovarian Cancer*. PeerJ. 2019 Apr 22;7:e6661. doi: 10.7717/peerj.6661. IF: 2.353.
20. Capalbo C, Belardinilli F, Raimondo D, Milanetti E, Malapelle U, Pisapia P, Magri V, Prete A, Pecorari S, Colella M, Coppa A, Bonfiglio C, Nicolussi A, **Valentini V**, Tessitore A, Cardinali B, Petroni M, Infante P, Santoni M, Filetti M, Colicchia V, Paci P, Mezi S, Longo F, Cortesi E, Marchetti P, Troncone G, Bellavia D, Canettieri G, Giannini G. *A Simplified Genomic Profiling Approach Predicts Outcome in Metastatic Colorectal Cancer*. Cancers (Basel). 2019 Jan 27;11(2). pii: E147. doi: 10.3390/cancers11020147. IF: 6.126.
21. Rizzolo P, Zelli V, Silvestri V, **Valentini V**, Zanna I, Bianchi S, Masala G, Spinelli AM, Tibiletti MG, Russo A, Varesco L, Giannini G, Capalbo C, Calistri D, Cortesi L, Viel A, Bonanni B, Azzollini J, Manoukian S, Montagna M, Peterlongo P, Radice P, Palli D, Ottini L. *Insight into genetic susceptibility to male breast cancer by multigene panel testing: Results from a multicenter study in Italy*. Int J Cancer. 2019 Jul 15;145(2):390-400. doi: 10.1002/ijc.32106. IF: 4.982.
22. Santi R, Rizzolo P, Pietragalla M, **Valentini V**, Zelli V, Galassi FM, Ottini L, Nesi G. *The antiquity of hydrocephalus: the first full palaeo-neuropathological description*. Neurol Sci. 2019 Jun;40(6):1315-1322. doi: 10.1007/s10072-018-3643-4. IF: 2.484.
23. Rizzolo P, Silvestri V, Bucalo A, Zelli V, **Valentini V**, Catucci I, Zanna I, Masala G, Bianchi S, Spinelli AM, Tommasi S, Tibiletti MG, Russo A, Varesco L, Coppa A, Calistri D, Cortesi L, Viel A, Bonanni B, Azzollini J, Manoukian S, Montagna M, Radice P, Palli D, Peterlongo P, Ottini L. *Contribution of MUTYH Variants to Male Breast Cancer Risk: Results From a Multicenter Study in Italy*. Front Oncol. 2018 Dec 4; 8:583. doi: 10.3389/fonc.2018.00583. IF: 4.416.

24. Richetta AG, **Valentini V**, Marraffa F, Paolino G, Rizzolo P, Silvestri V, Zelli V, Carbone A, Di Mattia C, Calvieri S, Frascione P, Donati P, Ottini L. *Metastases risk in thin cutaneous melanoma: prognostic value of clinical-pathologic characteristics and mutation profile*. *Oncotarget*. 2018 Aug 14;9(63):32173-32181. doi: 10.18632/oncotarget.25864.
25. **Valentini V**, Zelli V, Rizzolo P, Silvestri V, Alimandi M, D'Aloia MM, Giustini S, Calvieri S, Richetta AG, Monteleone G, Ottini L. *PIK3CA c.3140A>G mutation in a patient with suspected Proteus Syndrome: a case report*. *Clin Case Rep*. 2018 Jun 2;6(7):1358-1363. doi: 10.1002/ccr3.1546.
26. Ceccarelli V, **Valentini V**, Ronchetti S, Cannarile L, Billi M, Riccardi C, Ottini L, Talesa VN, Grignani F, Vecchini A. *Eicosapentaenoic acid induces DNA demethylation in carcinoma cells through a TET1-dependent mechanism*. *FASEB J*. 2018 May14:fj201800245R. doi: 10.1096/fj.201800245R. IF: 5.391.
27. Zanna I, Silvestri V, Palli D, Magrini A, Rizzolo P, Saieva C, Zelli V, Bendinelli B, Vezzosi V, **Valentini V**, Bianchi S, Ottini L, Masala G. *Smoking and FGFR2 rs2981582 variant independently modulate male breast cancer survival: A population-based study in Tuscany, Italy*. *Breast*. 2018 Apr 27; 40:85-91. doi: 10.1016/j.breast.2018.04.017. IF: 3.494.
28. Rizzolo P, Silvestri V, **Valentini V**, Zelli V, Zanna I, Masala G, Bianchi S, Palli D and Ottini L. *Gene-specific methylation profiles in BRCA-mutation positive and BRCA-mutation negative male breast cancers*. *Oncotarget*. 2018 Apr 13;9(28):19783-19792. doi: 10.18632/oncotarget.24856.
29. Silvestri V, Rizzolo P, Zelli V, **Valentini V**, Zanna I, Bianchi S, Tibiletti MG, Varesco L, Russo A, Tommasi, Coppa A, Capalbo C, Calistri D, Viel A, Cortesi L, Manoukian S, Bonanni B, Montagna M, Palli D, Radice P, Peterlongo P, Ottini L. *A possible role of FANCM mutations in male breast cancer susceptibility: Results from a multicenter study in Italy*. *Breast*. 2018 Apr;38:92-97. doi: 10.1016/j.breast.2017.12.013. IF: 3.494.
30. Lecarpentier J, Silvestri V, Kuchenbaecker KB, Barrowdale D, Dennis J, McGuffog L, Soucy P, Leslie G, Rizzolo P, Navazio AS, **Valentini V**, Zelli V, Lee A, Amin AI Olama A, Tyrer JP, Southey M, John EM, Conner TA, Goldgar DE, Buys SS, Janavicius R, Steele L, Ding YC, Neuhausen SL, Hansen TVO, Osorio A, Weitzel JN, Toss A, Medici V, Cortesi L, Zanna I, Palli D, Radice P, Manoukian S, Peissel B, Azzollini J, Viel A, Cini G, Damante G, Tommasi S, Peterlongo P, Fostira F, Hamann U, Evans DG, Henderson A, Brewer C, Eccles D, Cook J, Ong KR, Walker L, Side LE, Porteous ME, Davidson R, Hodgson S, Frost D, Adlard J, Izatt L, Eeles R, Ellis S, Tischkowitz M, EMBRACE, Godwin AK, Meindl A, Gehrig A, Dworniczak B, Sutter C, Engel C, Niederacher D, Steinemann D, Hahnen E, Hauke J, Rhiem K, Kast K, Arnold N, Ditsch N, Wang-Gohrke S, Wappenschmidt B, Wand D, Lasset C, Stoppa-Lyonnet D, Belotti M, Damiola F, Barjhoux L, Mazoyer S; GEMO Study Collaborators, Van Heetvelde M, Poppe B, DeLeeneer K, Claes KBM, de la Hoya M, Garcia-Barberan V, Caldes T, Perez Segura P, Kiiski JI, Aittomäki K, Khan S, Nevanlinna H, van Asperen CJ; HEBON, Vaszko T, Kasler M, Olah E, Balmaña J, Gutiérrez-Enriquez S, Diez O, Teulé A, Izquierdo A, Darder E, Brunet J, Del Valle J, Feliubadaló L, Pujana MA, Lázaro C, Arason A, Agnarsson BA, Johannsson OT, Barkardottir RB, Alducci E, Tognazzo S, Montagna M, Teixeira MR, Pinto P, Spurdle AB, Holland H; KConFab Investigators, Lee JW, Lee MH, Lee J, Kim SW, Kang E, Kim Z, Sharma P, Rebbeck TR, Vijai J, Robson M, Lincoln A, Musinsky J, Gaddam P, Tan YY, Berger A, Singer CF, Loud JT, Greene MH, Mulligan AM, Glendon G, Andrulis IL, Toland AE, Senter L, Bojesen A, Nielsen HR, Skytte AB, Sunde L, Jensen UB, Pedersen IS, Krogh L, Kruse TA, Caligo MA, Yoon SY, Teo SH, von Wachenfeldt A, Huo D, Nielsen SM, Olopade OI, Nathanson KL, Domchek SM, Lorenick C, Jankowitz RC, Campbell I, James P, Mitchell G, Orr N, Park SK, Thomassen M, Offit K, Couch FJ, Simard J, Easton DF, Chenevix-Trench G, Schmutzler RK, Antoniou AC, Ottini L. *Prediction of Breast and Prostate Cancer Risks in Male BRCA1 and BRCA2 Mutation Carriers Using Polygenic Risk Scores*. *J Clin Oncol*. 2017 Jul 10;35(20):2240-2250. doi: 10.1200/JCO.2016.69.4935. IF: 26.303.
31. Silvestri V, Zelli V, **Valentini V**, Rizzolo P, Navazio AS, Coppa A, Agata S, Olani C, Barana D, Castrignanò T, Viel A, Russo A, Tibiletti MG, Zanna I, Masala G, Cortesi L, Manoukian S, Barile M, Pensotti V, Peterlongo P, Radice P, Palli D, Giannini G, Chillemi G, Montagna M, and Ottini L. *Whole Exome Sequencing and targeted gene sequencing provide further insights into the role of PALB2 as male breast cancer susceptibility gene*. *Cancer*. 2017 Jan 1;123(2):210-218. doi: 10.1002/cncr.30337. IF: 6.537.
32. Rizzolo P, Navazio AS, Silvestri V, **Valentini V**, Zelli V, Zanna I, Masala G, Bianchi S, Scarnò M, Tommasi S, Palli D, Ottini L. *Somatic alterations of targetable oncogenes are frequently observed in BRCA1/2 mutation negative male breast cancers*. *Oncotarget*. 2016 Nov 8;7(45):74097-74106. doi: 10.18632/oncotarget.12272.
33. Navazio AS, Rizzolo P, Silvestri V, **Valentini V**, Zelli V, Zanna I, Masala G, Bianchi S, Tommasi S, Palli D, Ottini L. *EMSY copy number variation in male breast cancers characterized for BRCA1 and BRCA2 mutations*. *Breast Cancer Res Treat*. 2016 Nov;160(1):181-186. doi: 10.1007/s10549-016-3976-8. IF: 3.626.
34. Silvestri V, Rizzolo P, Scarnò M, Chillemi G, Navazio AS, **Valentini V**, Zelli V, Zanna I, Saieva C, Masala G, Bianchi S, Manoukian S, Barile M, Pensotti V, Peterlongo P, Varesco L, Tommasi S, Russo A, Giannini G, Cortesi L, Viel A, Montagna M, Radice P, Palli D, Ottini L. *Novel and known genetic variants for male breast cancer risk at 8q24.21, 9p21.3, 11q13.3 and 14q24.1: Results from a multicenter study in Italy*. *Eur J Cancer*. 2015 Nov;51(16):2289-95. doi: 10.1016/j.ejca.2015.07.020. IF: 6.163.

COMUNICAZIONI A CONGRESSI

1. Bucalo A, Valentini V, Porzio V, Bonanni B, Calistri D, Carnevali I, Cortesi L, Giannini G, Gismondi V, Manoukian S, Manzella L, Montagna M, Radice P, Russo A, Turchem D, Viel A, Zanna I, Masala G, Silvestri V, Ottini L. *The Genetic Landscape of Male Breast Cancer in Italy: Results from a 15-Year Multicenter Study*. 65th Annual Meeting of the Italian Cancer Society. December 3-5, 2025, Turin, Italy.
2. Valentini V, Bucalo A, Porzio V, Guglielmelli G, Zanna I, Calistri D, Cortesi L, D'Amati G, Giannini G, Silvestri V, Ottini L. *Actionable Mutations and Molecular heterogeneity in Male Breast Cancer: Evidence from an Italian Multicenter Study*. 65th Annual Meeting of the Italian Cancer Society. December 3-5, 2025, Turin, Italy.
3. Guglielmelli G, Valentini V, Bucalo A, Porzio V, Alfieri D, Silvestri V, Ottini L. *Evaluation of computational tools for Tumor Mutational Burden and Microsatellite Instability Detection from NGS data in male breast cancer*. 65th Annual Meeting of the Italian Cancer Society. December 3-5, 2025, Turin, Italy.

4. Porzio V, Valentini V, Bucalo A, Guglielmelli G, Zanna I, Masala G, Silvestri V, Ottini L. Plasma-based miRNome of male breast cancer cases for the identification of novel molecular biomarkers associated with BRCA status. SIPMeT 2025, Udine 18-20 Settembre 2025.
5. Manfredi C, Schirano R, Salerno D, Di Giulio S, Gerardi L, Battaglini D, Augusto M, Licursi V, Belardinilli F, Funari A, Sibilio P, Paci P, Valentini V, Ottini L, Mai A, Arimondo PB, Thiele CJ, Veschi V, Giannini G. Targeting epigenetic alterations impairing cGAS-STING pathway in neuroblastoma and adult tumors as a promising therapeutic strategy. Clinical Epigenetics International Conference, Napoli 11-13 Giugno 2025.
6. Valentini V, Bucalo A, Conti G, Porzio V, Zanna I, Calistri D, Cortesi L, D'Amati G, Giannini G, Silvestri V, Ottini L. Comprehensive molecular profiling of BRCA- and non-BRCA-associated male breast tumors: insights for innovative therapeutic strategies. Tenth International Symposium on Hereditary Breast and Ovarian Cancer, Montreal (CA) 6-9 maggio 2025.
7. Valentini V, Bucalo A, Conti G, Porzio V, Zanna I, Calistri D, Cortesi L, D'Amati G, Giannini G, Silvestri V, Ottini L. Comprehensive tumor profiling approach reveals molecular biomarkers, expanding treatment options for male breast cancer patients. 36° AICC International meeting: "HIJACKING THE «GOOD» PATHWAYS: cancer, immunity and therapeutic approaches", Roma 2-4 Dicembre 2024.
8. Silvestri V, Valentini V, Bucalo A, Conti G, Porzio V, Ottini L. Deconvoluting the sex-specific immune cell heterogeneity of breast cancer using transcriptomic data. 36° AICC International meeting: "HIJACKING THE «GOOD» PATHWAYS: cancer, immunity and therapeutic approaches", Roma 2-4 Dicembre 2024.
9. Bucalo A, Valentini V, Conti G, Porzio V, Catanzaro G, Zanna I, Calistri D, Cortesi L, D'Amati G, Ferretti E, Silvestri V, Ottini V. Comprehensive Gene Expression Analysis for Characterizing Male Breast Cancer Subtypes. 36° AICC International meeting: "HIJACKING THE «GOOD» PATHWAYS: cancer, immunity and therapeutic approaches", Roma 2-4 Dicembre 2024.
10. Bucalo A, Valentini V, Conti V, Porzio V, Capalbo C, Bonanni B, Calistri D, Cortesi L, Giannini G, Gismondi V, Manoukian S, Manzella S, Montagna M, Peterlongo P, Radice, Russo A, Tibiletti MG, Turchetti D, Viel A, Zanna I, Palli D, Silvestri V, Ottini L. APC I1307K variant contribution to male breast cancer risk: results from a multicenter study in Italy. SIGU 2024, Padova 2-4 Ottobre 2024.
11. Valentini V, Bucalo A, Conti G, Porzio V, Zanna I, Calistri D, Cortesi L, D'Amati G, Silvestri V, Ottini L. Advancements in male breast cancer treatment through comprehensive tumor profiling. 64th Annual Meeting of the Italian Cancer Society. September 25-27, 2024, Milan, Italy.
12. Silvestri V, Valentini V, Bucalo A, Conti G, Porzio V, Ottini L. Unveiling the immune landscape of male breast cancer: implications for a gender-specific precision oncology. 64th Annual Meeting of the Italian Cancer Society. September 25-27, 2024, Milan, Italy.
13. Conti G, Valentini V, Bucalo A, Porzio V, Zanna I, Calistri D, Silvestri V, Ottini L. Matched germline and somatic whole exome sequencing: analysis of male breast cancer patients with multiple primary tumors. SIPMeT 2024, Udine 19-21 Settembre 2024.
14. Porzio V, Silvestri V, Valentini V, Bucalo A, Conti, Rocchetti F, Romeo U, Polimeni A, Ottini L. Expression analysis of circulating microRNAs for the identification of early diagnostic biomarkers for oral squamous cell carcinoma. SIPMeT 2024, Udine 19-21 Settembre 2024.
15. Bucalo A, Valentini V, Conti G, Porzio V, Catanzaro G, Zanna I, Calistri D, Cortesi L, D'Amati G, Ferretti E, Silvestri V, Ottini L. Comprehensive gene expression analysis for characterizing male breast cancer subtypes. 64th Annual Meeting of the Italian Cancer Society. September 25-27, 2024, Milan, Italy.
16. Valentini V, Bucalo A, Conti G, Porzio V, Zanna I, Calistri D, Cortesi L, D'Amati G, Silvestri V, Ottini L. Comprehensive tumor profiling identifies predictive biomarkers expanding clinical options for male breast cancer patients. EACR 2024 Congress: Innovative Cancer Science. Rotterdam (Netherlands), 10-13 June 2024.
17. Valentini V, Bucalo A, Conti G, Porzio V, Zanna I, Calistri D, Cortesi L, D'Amati G, Silvestri V, Ottini L. Comprehensive tumor profiling identifies predictive biomarkers expanding clinical options for male breast cancer patients. Bassett Center for BRCA's 12th Annual Scientific Symposium. 13-14 May 2024, Philadelphia, Pennsylvania.
18. Rocchetti F, Fantozzi PJ, Tenore G, Palaia G, Ottini L, Valentini V, Silvestri V, Cassoni A, Battisti A, Valentini V, Romeo U. Salivary and Plasmatic MicroRNAs expression in Oral Squamous Cell Carcinoma and Oral Potentially Malignant Disorders. 2024 American Academy of Oral Medicine (AAOM) Annual Conference. 17-20 Apr 2024, Orlando, Florida.
19. Porzio V, Silvestri V, Valentini V, Bucalo A, Conti G, Rocchetti F, Romeo U, Polimeni A, Ottini L. Expression analysis of circulating microRNAs for the identification of clinically relevant biomarkers for oral squamous cell carcinoma. National Ph.D. Meeting, Bologna, (Italy) 25-27 March, 2024.
20. Conti G, Valentini V, Bucalo A, Porzio V, Calistri D, Zanna I, Silvestri V, Ottini L. Matched germline and somatic whole exome sequencing: analysis of male breast cancer patients with multiple primary malignancies. National Ph.D. Meeting, Bologna, (Italy) 25-27 March, 2024.
21. Silvestri V, Valentini V, Bucalo A, Conti G, Karimi M, Porzio V, Ottini L. The multi-omics based immune landscape of BRCA1/2-positive and -negative male breast tumors. Immune Responses & DNA Repair - Cancer Fields Converging. 15-17 March 2023, Florence, Italy.
22. Valentini V, Silvestri V, Bucalo A, Conti G, Karimi M, Zanna I, Cortesi L, Calistri D, Tibiletti MG, D'Amati G, Coppa A, Giannini G, Palli D, Ottini L. Possible prognostic and predictive value of tumor mutational burden in male breast tumors characterized for germline mutations in DNA repair genes. 62nd Annual Meeting of the Italian Cancer Society- The exciting path from preclinical research to clinical application. November 16-18, 2022, Venice, Italy.
23. Silvestri V, Valentini V, Bucalo A, Conti G, Karimi M, Zanna I, Cortesi L, Calistri D, Tibiletti MG, D'Amati G, Coppa A, Giannini G, Palli D, Ottini L. Profiling immunophenotypes in male and female BRCA-associated breast cancers. 62nd Annual Meeting of the Italian Cancer Society- The exciting path from preclinical research to clinical application. November 16-18, 2022, Venice, Italy.
24. Bucalo A, Conti G, Valentini V, Bonanni B, Calistri D, Cortesi L, Giannini G, Manoukian S, Manzella L, Montagna M, Peterlongo P, Radice P, Russo A, Tibiletti MG, Turchetti D, Varesco L, Viel A, Zanna I, Silvestri V and Ottini L. Genetic risk assessment using multi-gene panel testing in male breast cancer: toward gender-specific precision

- prevention. 62nd annual Meeting of the Italian Cancer Society- The exciting Path from Preclinical Research to Clinical Application. November 16-18, 2022, Venice, Italy.
25. Valentini V, Silvestri V, Bucalo A, Conti G, Karimi M, D'Amati G, Coppa A, Giannini G, Ottini L. Molecular tumor profiling in male breast cancer by targeted gene panel sequencing. 7th alliance against cancer annual meeting new technologies and strategies to fight cancer. September 21-22-23, 2022, Rome, Italy.
26. Bucalo A, Silvestri V, Conti G, Valentini V, Karimi M, Zanna I, Tommasi S, Tibiletti MG, Russo A, Varesco L, Coppa A, Calistri D, Cortesi L, Viel A, Bonanni B, Manoukian S, Montagna M, Radice P, Palli D, Peterlongo P, Ottini L. Investigating genetic susceptibility to male breast cancer by multigene panel testing: an Italian population-based case-control study. Società Italiana di Genetica Umana (SIGU) 2022, Trieste, (Italy), 7-10 Sept, 2022.
27. Valentini V, Silvestri V, Karimi M, Bucalo A, Conti G, Zanna I, Cortesi L, Calistri D, D'Amati G, Ottini L. Tumor Mutational Burden in Male Breast Cancers characterized for germline mutations in DNA repair genes. EACR 2022 Congress, Innovative Cancer Science: Translating Biology to Medicine. Seville (Spain), 20-23 June 2022.
28. Bucalo A, Silvestri V, Conti G, Valentini V, Karimi M, Zanna I, Tommasi S, Tibiletti MG, Russo A, Varesco L, Coppa A, Calistri D, Cortesi L, Viel A, Bonanni B, Manoukian S, Montagna M, Radice P, Palli D, Peterlongo P, Ottini L. Investigating genetic susceptibility to male breast cancer by multigene panel testing: an Italian population-based case-control study. European Society of Human Genetics (ESHG) 2022, Vienna (Austrian), 11-14 June 2022.
29. Valentini V, Silvestri V, Bucalo V, Zanna I, Cortesi L, Calistri D, Tibiletti MG, Giannini G, Coppa A, D'Amati G, Ottini L. Characterization of Tumor Mutational Burden in Male Breast Cancer. Cancer Research in 2021: SIC Young Researchers take center stage, 27-28 October 2021. Virtual mode.
30. Valentini V, Silvestri V, Bucalo A, Marraffa F, Grassi S, Pellacani G, Ottini L, Richetta AG. A possible link between gut microbiome composition and cardiovascular comorbidities in psoriatic patients. Molecular pathology: from bench to bedside - SIPMeT Young Scientist Meeting. Perugia, 10-11 December 2021.
31. Silvestri V, Valentini V, Bucalo A, Zanna I, Cortesi L, Calistri D, Tibiletti MG, Giannini G, Palli D, Ottini L. Gender-specific transcriptomic immune profiles in BRCA-associated breast cancers. Molecular pathology: from bench to bedside - SIPMeT Young Scientist Meeting 2021. Perugia 10-11 December 2021.
32. Silvestri V, Zelli V, Valentini V, Bucalo A, Rizzolo P, Zanna I, Cortesi L, Calistri D, Tibiletti MG, Giannini G, Fox SB, Palli D, Ottini L. Transcriptome-Based Profiles of Immune Cell Infiltration in BRCA1/2-Positive and BRCA1/2-Negative Male Breast Cancers. BRCA 2021: A Vision of the Future – The Eighth International Symposium on Hereditary Breast and Ovarian Cancer, virtual edition, 4-7 Maggio 2021.
33. Silvestri V, Valentini V, Bucalo A, Scafetta G, Zanna I, Cortesi L, Calistri D, Tibiletti MG, Giannini G, Palli D, Ottini L. Gender-specific transcriptomic immune profiles in BRCA-associated breast cancers. 5th alliance against cancer annual meeting: "new technologies and strategies to fight cancer". virtual mode, October 28-30, 2020.
34. Silvestri V, Zelli V, Valentini V, Bucalo A, Rizzolo P, Zanna I, Cortesi L, Calistri D, Tibiletti MG, Giannini G, Fox SB, Palli D, Ottini L. Transcriptome-based immune cell infiltration profiles of breast cancer in men. 4th alliance against cancer annual meeting: "new technologies to fight cancer". Rome, November 20-22, 2019.
35. Bucalo A, Silvestri V, Rizzolo P, Valentini V, Zelli V, Zanna I, Tommasi S, Tibiletti MG, Russo A, Varesco L, Coppa A, Calistri D, Cortesi L, Viel A, Bonanni B, Manoukian S, Montagna M, Radice P, Palli D, Peterlongo P, Ottini L. Evaluation of APC as a Male Breast Cancer risk gene: results from a multicenter study in Italy. 22 th Congress of Italian Human Genetics Society (SIGU). Rome (Italy) 13-15 Nov. 2019.
36. Silvestri V, Valentini V, Zelli V, Bucalo A, Rizzolo P, Chandramouli B, Chillemi G, Simone C, Ottini L. Detection of an unexpected SMYD3 variant in a male breast cancer family by whole exome sequencing. 22 th Congress of Italian Human Genetics Society (SIGU). Rome (Italy) 13-15 Nov. 2019.
37. Bucalo A, Silvestri V, Rizzolo P, Valentini V, Zelli V, Zanna I, Tommasi S, Tibiletti MG, Russo A, Varesco L, Coppa A, Calistri D, Cortesi D, Viel A, Bonanni B, Manoukian S, Montagna M, Radice P, Palli D, Peterlongo P, Ottini L. Evaluation of APC as a Male Breast Cancer risk gene: results from a multicenter study in Italy. 61th Annual Meeting of Italian Cancer Society (SIC). Naples (Italy) 6-8 Nov. 2019.
38. Valentini V, Zelli V, Gaggiano E, Silvestri V, Rizzolo R, Bucalo A, Calvieri S, Frascione P, Donati P, Richetta AG and Ottini L. Mimas as potential predictive biomarkers of metastases in thin and thick primary cutaneous melanomas. 31° Simposio Pezcoller. Trento, 17-18 giugno, 2019.
39. Rizzolo P, Silvestri V, Bucalo A, Zelli V, Valentini V, Spinelli AM, Tommasi S, Tibiletti MG, Russo A, Varesco L, Giannini G, Calistri D, Cortesi L, Viel A, Montagna M, Radice P, Palli D, Peterlongo P, Ottini L. Contribution of MUTYH variants to male breast cancer risk: results from a multicenter study in Italy. European Society of Human Genetics (ESHG) 2018, Milan (Italy), 16-19 June, 2018.
40. Coppa A, Valentini V, Nicolussi A, Capalbo C, Belardinilli F, Colicchia V, Petroni M, D'Inzeo S, Ottini L, Giannini G. Molecular analysis of BRCA-negative breast and/or ovarian cancer families by multigene panel testing. 25th Biennial Congress of the European Association for Cancer Research (EACR). Amsterdam (Netherlands), 30 giugno-3 luglio 2018.
41. Coppa A, Nicolussi A, Valentini V, Capalbo C, Belardinilli F, Colicchia V, D'Inzeo S, Ottini L, Giannini G. Identification of riskrelevant mutations by multigene panel testing in selected hereditary breast and/or ovarian cancer families. 8th ESO-CNIO Conference on Familial Cancer. Madrid (Spain), 17-18 maggio 2018.
42. Rizzolo P, Zelli V, Silvestri V, Valentini V, Spinelli A, Tibiletti MG, Russo A, Varesco L, Giannini G, Calistri D, Cortesi L, Viel A, Montagna M, Peterlongo P, Radice P, Palli D, Ottini L. Insight into genetic susceptibility of BRCA-negative Male Breast Cancer by multigene panel testing: Results from a Multicenter Study in Italy. AACR Annual Meeting. Chicago (Illinois), 14-18 aprile 2018.
43. Belardinilli F, Capalbo C, Pisapia P, Malapelle U, Raimondo D, Colella M, Petroni M, Colicchia V, Nicolussi A, Valentini V, Magri V, Verkhovskaia S, Mezi S, Longo F, Prete A, Cortesi E, Troncone G, Coppa A, Giannini G. Gene panel mutation screening for a better molecular stratification of colorectal cancer patients. XX Congresso Nazionale SIGU, Napoli (Italy), 15-18 novembre 2017.
44. Silvestri V, Rizzolo P, Zelli V, Valentini V, Navazio AS, Tibiletti MG, Varesco L, Russo A, Tommasi S, Giannini G, Calistri D, Viel A, Cortesi L, Montagna M, Palli D, Radice P, Peterlongo P, Ottini L. FANCM germline mutations in BRCA1/2-negative male breast cancer cases from Italy. 50th Annual Meeting of the European Society of Human Genetics, Copenhagen (Denmark) 27-30 maggio 2017.

45. Silvestri V, Rizzolo P, Navazio AS, Valentini V, Zelli V, Tibiletti MG, Varesco L, Russo A, Tommasi S, Giannini G, Calistri D, Viel A, Cortesi L, Montagna M, Palli D, Radice P, Peterlongo P, Ottini L. FANCM c.5791C>T mutation in Italian BRCA1/2 mutation negative male breast cancer cases. 66th Annual Meeting of the American Society of Human Genetics (ASHG), Vancouver (Canada) 18-22 ottobre 2016.
46. Valentini V, Silvestri V, Zelli V, Rizzolo P, Navazio AS, Tommasi S, Tibiletti MG, Varesco L, Russo A, Giannini G, Viel A, Montagna M, Cortesi L, Peterlongo P, Radice P, Palli D, Ottini L. Evaluation of NAT1 c.97 C>T as male and female breast cancer risk variant: a case-control study in Italy. Società Italiana di Cancerologia, Verona (Italy), 5-8 settembre 2016.
47. Rizzolo P, Silvestri V, Licursi V, Navazio AS, Valentini V, Zelli V, Bianchi S, Palli D, Fox S, Ottini L. Methyloome profiling of BRCA positive and BRCA-negative MBCs. 24th Biennial Congress of the European Association for Cancer Research, Manchester (UK), 9-12 luglio 2016.
48. Navazio AS, Rizzolo P, Zelli V, Silvestri V, Valentini V, Santi R, Nesi G, Ottini L. CD44 mRNA expression in hormonally treated and non-treated prostate cancer cases. 24th Biennial Congress of the European Association for Cancer Research, Manchester (UK), 9-12 luglio 2016.
49. Silvestri V, Zelli V, Valentini V, Rizzolo P, Navazio AS, Chillemi G, Viel A, Russo A, Tibiletti MG, Palli D, Cortesi L, Giannini G, Radice P, Montagna M, Ottini L. Whole exome sequencing revealed a novel PALB2 mutation in a male breast cancer family. Meeting Hereditary Breast & Ovarian Cancers, Montreal (CA), 10-13 maggio 2016.
50. Rizzolo P, Silvestri V, Navazio AS, Valentini V, Zelli V, Falchetti M, Zanna I, Bianchi S, Palli D and Ottini L. Gene-specific methylation profiles in male breast cancer. American Association for Cancer Research (AACR) Annual Meeting, Philadelphia, 18-22 aprile 2015.
51. Silvestri V, Rizzolo P, Navazio AS, Valentini V, Zelli V, Agata S, Chillemi G, Montagna M, Ottini L. Whole Exome Sequencing revealed a novel PALB2 mutation in a male breast cancer family. 3rd Italy-USA Meeting Hereditary Breast & Ovarian Cancers. Bari, 25-27 marzo 2015.
52. Rizzolo P, Zelli V, Silvestri V, Navazio AS, Valentini V, Falchetti M, Santi R, Nesi G, Ottini L. Gene-specific methylation profiles in hormonally treated and untreated prostate cancer cases. Società Italiana di Cancerologia, Ferrara, 11-13 settembre 2014.
53. Silvestri V, Rizzolo P, Navazio AS, Valentini V, Zelli V, Chillemi G, Montagna M, Ottini L. Whole Exome Sequencing revealed a novel PALB2 mutation in a male breast cancer family. Società Italiana di Cancerologia, Ferrara, 11-13 settembre 2014.
54. Rizzolo P, Silvestri V, Navazio AS, Valentini V, Zelli V, Falchetti M, Zanna I, Bianchi S, Palli D and Ottini L. Gene-specific methylation profiles in male breast cancer. 23rd Biennial Congress of the European Association for Cancer Research, Monaco, 5-8 luglio 2014.
55. Rizzolo P, Zelli V, Silvestri V, Navazio AS, Valentini V, Falchetti M, Santi R, Nesi G, Ottini L. Gene-specific methylation profiles in hormonally treated and untreated prostate cancer cases. 26h Pezcoller Symposium, Trento (Italy), 19-21 giugno 2014.
56. Rizzolo P, Silvestri V, Navazio AS, Valentini V, Zelli V, Falchetti M, Zanna I, Bianchi S, Palli D and Ottini L. Gene-specific methylation profiles in male breast cancer. 26h Pezcoller Symposium, Trento (Italy), 19-21 giugno 2014.
57. Rizzolo P, Navazio AS, Silvestri V, Graziano V, Valentini V, Zelli V, Falchetti M, Saieva C, Zanna I, Masala G, Bianchi S, Tommasi S, Palli D and Ottini L. Gene-specific methylation profiles in male breast cancer. Società Italiana di Cancerologia, Catanzaro (Italy), 23-26 settembre 2013.

Dati personali

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali ai sensi del Decreto Legislativo 30 giugno 2003, n. 196 "Codice in materia di protezione dei dati personali".

La sottoscritta è a conoscenza che, ai sensi dell'art. 26 della legge 15/68, le dichiarazioni mendaci, la falsità negli atti e l'uso di atti falsi sono puniti ai sensi del codice penale e delle leggi speciali. Inoltre, la sottoscritta autorizza al trattamento dei dati personali, secondo quanto previsto del D. Lgs. n. 196 del 30.06.2003

Data

25/02/2026

f.to

VIRGINIA VALENTINI