

INFORMAZIONI PERSONALI

Riccardo De Santis
residente a Firenze
riccardo.desantis@gmail.com

POSIZIONE RICOPERTA

Assegnista di ricerca presso Dipartimento di sanità pubblica-
Università di Roma “Sapienza”

TITOLO DI STUDIO

Laurea in Scienze biologiche Università degli Studi di Firenze

ESPERIENZA
PROFESSIONALE

01/06/2022-07/09/2022

Assegno di ricerca. Università di Roma “Sapienza”- Dipartimento di Sanità pubblica

Emergenza COVID- Diagnostica molecolare, isolamenti virali, propagazione ceppi virali, immunosorveglianza mediante saggi PRNT, attività di ricerca per la messa a punto di sistemi per la sanificazione ambientale, test di verifica attività antivirale e virucida di sostanze e materiali, valutazione di attività antivirale e virucida di molecole naturali e di sintesi

Attività di ricerca Settore scientifico disciplinare VET/06 dal titolo: “Sorveglianza virologica di arbovirus trasmessi da Culicidi”

01/06/2021-01/06/2022

Assegno di ricerca. Università di Roma “Sapienza” - Dipartimento di Sanità pubblica

Emergenza COVID- Diagnostica molecolare, isolamenti virali, propagazione ceppi virali, immunosorveglianza mediante saggi PRNT, attività di ricerca per la messa a punto di sistemi per la sanificazione ambientale, test di verifica attività antivirale e virucida di sostanze e materiali, valutazione di attività antivirale e virucida di molecole naturali e di sintesi

Attività di ricerca Settore scientifico disciplinare VET/06 dal titolo: “Sorveglianza virologica di arbovirus trasmessi da Culicidi”

01/01/2020-01/06/2020

Ricercatore laureato senior ad altissima specializzazione. Policlinico militare di Roma-
Dipartimento scientifico

Emergenza COVID- Diagnostica molecolare, sequenziamento genomi virali per tracciamento

05/03/2019-31/12/2020

Ricercatore laureato senior ad altissima specializzazione. Policlinico militare di Roma-
Dipartimento scientifico

Attività di ricerca progetto: Rilevazione di agenti microbionici Loop- Mediated Isothermal Amplification LAMP- CIG 770085201C

06/03/2018-31/12/2018

Ricercatore laureato senior ad altissima specializzazione. Policlinico militare di Roma-
Dipartimento scientifico

Attività di ricerca progetto: SISTEMA INTEGRATO PER LA SORVEGLIANZA

TRASMESSA DA VETTORI “(SENSOR) CIG-7310580177 -

gennaio 2017-febbraio 2018

 Ricercatore laureato senior ad altissima specializzazione. Policlinico militare di Roma-
Dipartimento scientifico

 Attività di ricerca su progetti: Indagine retrospettiva del titolo anticorpale residuo della
vaccinazione antiamarillica nel personale militare- IRTAM, sieroepidemiologia di USUV e
WNV in provincia di Modena. Gestione database di Brucella. Mantenimento colture cellulari
e propagazione ceppi virali

08/03/2016-12/01/2017

 Ricercatore laureato senior ad altissima specializzazione. Policlinico militare di Roma-
Dipartimento scientifico

Rilevazione rapida di agenti virali emergenti in contesti (VIREM) CIG-65088687C9

28/11/2015-07/03/2016

 Ricercatore laureato senior ad altissima specializzazione. Centro Studi e Ricerche di Sanità e
Veterinaria di Roma Ministero della Difesa .

 Gestione database di Brucella. Analisi filogenetica delle sequenze genomiche complete di
Brucella basata sugli SNPs. Messa a punto di saggi PRNT per WNV, USUV, CHIKV, ZKV,
YFV.

05/03/2013-27/11/2015

 Ricercatore laureato senior ad altissima specializzazione. Centro Studi e Ricerche di Sanità e
Veterinaria di Roma. Ministero della Difesa

 Attività di ricerca relativa al progetto triennale European Biodefence Laboratory Network
(EBNL) CIG-60310747B4

10/07/2009-10/07/2012

 Ricercatore laureato con profilo professionale di virologo. Centro Studi e Ricerche di Sanità e
Veterinaria di Roma

 Attività di ricerca relativa al progetto EDA B0060 “Database of B-Agents” (durata triennale).
Attività di ricerca relativa al progetto Clostridium botulinum (durata quadrimestrale). CIG
3030987199

30/05/2008-30/11/2008

 Ricercatore laureato. Centro Studi e Ricerche di Sanità e Veterinaria di Roma. Ministero della
Difesa.

 Attività di ricerca relativa al progetto sulla tipizzazione molecolare rapida del genere Brucella
e della famiglia dei clostridi tossino produttori. Nel **novembre 2008** ha vinto il concorso per il
Dottorato di Ricerca senza borsa di studio in Virologia fondamentale e clinica di durata
triennale presso il Dipartimento di Patologia sperimentale, Centro retrovirus, sezione
Virologia dell’Università di Pisa.

05/11/2007-04/06/2008

 Ricercatore laureato. Centro Studi e Ricerche di Sanità e Veterinaria di Roma. Ministero della
Difesa.

 Attività di ricerca relativa al progetto di ricerca sulle malattie infettive di grande rilievo
sociale e causate da agenti di possibile utilizzo come armi non convenzionali (Agenti
batterici). Convenzione ISS n.28C4/7 ” Diagnostica avanzata ed automatizzata di Bacillus
anthracis”

08/03/2007-28/09/2007

 Ufficiale biologo (Capitano). 7° Rgt Difesa NBC “Cremona”, Largo Acquaroni, 24 - 00053
Civitavecchia (RM)

 Ufficiale biologo del plotone “Virus” del 7° Rgt Difesa NBC inquadrato nel Bg 3 di Italfor 15
in Afghanistan.

- 01/03/2005-01/03/2007** Ricercatore laureato. Centro Studi e Ricerche di Sanità e Veterinaria di Roma. Ministero della Difesa.
- Attività di ricerca relativa al progetto JP 13.14 WEAG “Identification of B-Agents”
- Progetto Antrace-Convenzione n.528/C2-3 durata 5 mesi dal titolo “Messa a punto di un protocollo di genotipizzazione campalizzata di ceppi di Brucella anthracis basato sull'analisi di loci contenenti VNTR
- 24/01/2005-22/04/2005** Ufficiale biologo presso la sezione di biologia molecolare del Centro Studi e Ricerche di Sanità e Veterinaria dell'Esercito.
- 26/01/05-05/03/05: in Iraq nell'ambito del Progetto SIGNUM (Studio di Impatto Genotossico delle Unità Militari). Attività svolte:
- Docente del corso teorico-pratico per la rilevazione di agenti biologici per il personale dei Vigili del fuoco
 - Responsabile di laboratorio in Iraq nell'ambito del Progetto SIGNUM
- 21/10/2004-31/12/2004** Ufficiale biologo presso la sezione di biologia molecolare del Centro Studi e Ricerche di Sanità e Veterinaria dell'Esercito
- 25/11/04-24/12/04: in Iraq nell'ambito del Progetto SIGNUM (Studio di Impatto Genotossico delle Unità Militari). Attività svolte:
- Costruzione e allestimento del laboratorio in Iraq
 - Responsabile di laboratorio in Iraq nell'ambito del Progetto SIGNUM
- 01/06/2000-01/02/2004** Collaboratore tecnico area tecnico, tecnico scientifica ed elaborazione dati Università degli Studi di Firenze
- Ricerca in ambito virologico con particolare riferimento ad attività di ricerca relativa al progetto per la “sorveglianza epidemiologica dell’influenza e di altre virosi respiratorie” nell’ambito di progetti nazionali finanziati e coordinati dall’Istituto Superiore di Sanità – Ministero della Sanità
- Nel dicembre 2002 ha partecipato alle selezioni per l’arruolamento come ufficiale nella Riserva Selezionata dell’Esercito, ricevendo nel settembre del 2003 la nomina a Capitano di complemento del Corpo sanitario dell’Esercito. Dal 13 al 24 ottobre e dal 24 novembre al 5 dicembre ha partecipato al corso per ufficiale di complemento presso la Scuola di applicazione dell’Esercito di Torino.
- Dal 9/8/2000 nomina per inquadramento nel nuovo sistema di classificazione nella carriera del personale tecnico amministrativo nella categoria di posizione economica 1, area tecnico, tecnico scientifica ed elaborazione dati qualifica funzionale-profilo di collaboratore tecnico dal 1/6/2000
- Nel 2000 ha vinto il concorso per la nomina a tempo parziale orizzontale nella carriera del personale tecnico amministrativo nella VII qualifica funzionale-profilo di collaboratore tecnico dal 1/6/2000
- 01/01/1999-01/06/2000** Borsa di studio post-dottorato- Dipartimento di Sanità pubblica-Sez. Microbiologia Università degli Studi di Firenze
- Attività di ricerca relativa al progetto “Sieroepidemiologia ed epidemiologia molecolare di HHV8”
- Attività di ricerca relativa al progetto “Herpesvirus umano di tipo 8 (HHV-8) e mieloma

multiplo”

- 01/02/1998-01/02/1999** Nel febbraio del 1998 ha vinto il concorso, indetto dalla Fondazione Istituto di Ricerca Virologica Oretta Bartolomei Corsi, per l’assegnazione di una borsa di studio post-dottorato della durata di 1 anno con il programma “*Epidemiologia molecolare del virus dell’epatite C*”.
- Nel giugno del 1998 ha vinto il concorso indetto dall’Università degli Studi di Firenze per l’assegnazione di una borsa di studio post-dottorato biennale, da usufruire a partire dal gennaio del 1999 con il programma di ricerca “*Sieroepidemiologia ed epidemiologia molecolare di HHV8*”.
- Attività di ricerca relativa al progetto “Epidemiologia molecolare del virus dell’epatite C”
- 01/01/1997-01/01/1998** Borsa di studio- Dipartimento di Sanità pubblica-Sez. Microbiologia Università degli Studi di Firenze
- Attività di ricerca relativa al progetto nazionale cofinanziato dal MURST “Infezioni virali persistenti: aspetti patogenetici ed applicativi” Titolo specifico della ricerca: *Infezioni persistenti da polyomavirus umani BK e JC e da parvovirus umano B19: aspetti patogenetici e diagnostici*.
- Ha collaborato alle indagini per la sperimentazione clinica di un nuovo farmaco anti-influenzale basato sulla inibizione della neuraminidasi virale.
- 01/01/1996-01/01/1997** Dottorando- Dipartimento di Sanità pubblica-Sez. Microbiologia Università degli Studi di Firenze
- Attività di ricerca relativa al progetto di ricerca, finanziato dall’Università, dal titolo: “Sequenze di DNA virale associabili a sarcoma di Kaposi: ricerca del DNA di polyomavirus BK (BKV) e del DNA di herpesvirus umano 8 (HHV-8) in biopsie cutanee e nei linfociti di sangue periferico“ e al IX° Progetto di Ricerche sull’AIDS collaborando ad un progetto dal titolo: “Ricerca del DNA di polyomavirus umano JC nei linfociti di sangue periferico e nel liquor per una diagnostica avanzata di leucoencefalopatia multifocale progressiva”
- 01/01/1995-01/01/1996** Dottorando- Dipartimento di Sanità pubblica-Sez. Microbiologia Università degli Studi di Firenze
- Attività di ricerca relativa al progetto IX° Progetto di Ricerche sull’AIDS collaborando ad uno studio dal titolo “*Ricerca del DNA di polyomavirus umano JC nei linfociti di sangue periferico e nel liquor per una diagnostica avanzata di leucoencefalopatia multifocale progressiva*”.
- Attività di ricerca finanziato dall’Università degli Studi di Firenze relativa al progetto “*Sequenze di DNA virale associabili a sarcoma di Kaposi: ricerca del DNA di polyomavirus BK (BKV) e del DNA di herpesvirus umano 8 (HHV-8) in biopsie cutanee e nei linfociti di sangue periferico*“
- Conferimento Premio AMCLI 1994 per il progetto “*Multiplex Polymerase Chain Reaction per la ricerca dei polyomavirus umani BK e JC in linfociti e urine*” presentato al XXIII Congresso dell’Associazione Microbiologi Clinici Italiani (Montecatini Terme, 5-8 ottobre 1994).
- 01/01/1992-01/01/1994** Borsa di studio- Dipartimento di Sanità pubblica-Sez. Microbiologia Università degli Studi di Firenze
- Nel luglio del 1992 ha vinto la Borsa di Studio della Fondazione Istituto di Ricerca Virologica Oretta Bartolomei Corsi per attività di ricerca inerenti ai virus respiratori
- Nel novembre 1992 ha vinto il concorso per il Dottorato di Ricerca in Epidemiologia (VIII

ciclo) di durata quadriennale presso il Dipartimento di Sanità pubblica, sez. Microbiologia dell'Università di Firenze

Attività di ricerca relativa al progetto per la “sorveglianza epidemiologica dell'influenza e di altre virosi respiratorie” nell'ambito di progetti nazionali finanziati e coordinati dall'Istituto Superiore di Sanità – Ministero della Sanità

Attività di ricerca relativa al progetto *Biotechnologie avanzate per la diagnostica delle infezioni da parvovirus B19 e da polyomavirus umano BK* nell'ambito del Progetto Nazionale “Controllo della patogenicità microbica.

Abilitazione alla professione di biologo previo superamento dell'Esame di Stato (20/06/1992)

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

- 2008-2011 Dottorato di ricerca in Virologia fondamentale e clinica
Dottore di ricerca
Università degli studi di Pisa
- 1992-1996 Dottorato di ricerca in Epidemiologia
Dottore di ricerca
Università degli studi di Firenze

COMPETENZE PERSONALI

Tecniche di coltura cellulare: linee cellulari in adesione e sospensione. Tecniche virologiche: produzione di virus a RNA: SARS-CoV-2, virus influenzale di tipo H1N1, H3N2, pandemico H1N1-2009 in uova embrionate di pollo e in colture cellulari altamente permissive al virus (MDCK); arbovirus (WNV, USUV, YFV-17D, CHIKV, DENV) in colture cellulari altamente permissive al virus (VERO)

Titolazione di virus mediante metodo standard delle placche ed emoagglutinazione

Titolazione anticorpale mediante test di sieroneutralizzazione (SN) e plaque reduction neutralization test (PRNT)

Allestimento di preparati per microscopia ottica ed elettronica.

Esperienza in tecniche biomolecolari e sierologiche

Biochimica delle proteine (immunoprecipitazione, western blot, immunofluorescenza diretta ed indiretta, purificazione di proteine su vari supporti). Tecniche di estrazione e di

purificazione di DNA e RNA, ibridazione con sonde molecolari, saggi immunoenzimatici, saggi di chemiluminescenza, immunofluorescenza.

Esperienza di tecniche di sequenziamento automatico su sequenziatore automatico ABI Prism 377, e su capillari (CEQ 8000); esperienza in analisi dei polimorfismi del DNA virale su vari sistemi come sequenza diretta, PCR-RFLP, SSCP, Real-Time PCR in particolare su piattaforme Applied Biosystem e Roche (con tecnologia Taqman, FRET, analisi delle curve di melting su LightCycler 2.0, 480, Opticon 2 e HR-1) Denaturant Gradient Gel Electrophoresis (DGGE).

Esperienza in laboratorio di biosicurezza di livello 3 per la manipolazione di agenti di guerra biologica come brucella e virus emergenti come flavivirus.

Esperienza in tecniche NGS

Esperienza delle tecniche di sequenziamento di nuova generazione (NGS) con particolare riferimento al GS FLX+ 454 Roche e MiSeq e NextSeq500 Illumina.

Esperienza in analisi bioinformatica con pacchetti open source e proprietari

Conoscenza di programmi per editing di testi, fogli elettronici, referenze bibliografiche (MS Office ed EndNote 5.0) su piattaforma Windows, Mac e Unix per PC. Conoscenza di pacchetti informatici per l'analisi, allineamento, studi di omologie di sequenze di DNA e proteine, disegno di primers e loro relativa compatibilità, analisi delle curve di melting di

oligonucleotidi (BLAST, CLUSTAL, Sequence Analysis 3.0, GeneSCAN 2.0, Primer 3.0, MeltCalc, Oligo 5.0, LCDA 4.0). Analisi bioinformatica con pacchetti open source (Mega, kSNP, Mauve) e proprietari (Bionumerics 5.5 e superiori).

Lingua madre Italiano

Altre lingue

COMPRESIONE		PARLATO		PRODUZIONE SCRITTA
Ascolto	Lettura	Interazione	Produzione orale	
Inglese	A2	B2	A2	B2
Sostituire con il nome del certificato di lingua acquisito. Inserire il livello, se conosciuto				
Sostituire con la lingua	Inserire il livello	Inserire il livello	Inserire il livello	Inserire il livello
Sostituire con il nome del certificato di lingua acquisito. Inserire il livello, se conosciuto				

Livelli: A1/A2: Utente base - B1/B2: Utente intermedio - C1/C2: Utente avanzato
[Quadro Comune Europeo di Riferimento delle Lingue](#)

Competenze comunicative

- possiedo buone competenze comunicative acquisite durante la mia esperienza didattica svolta presso l'Università degli Studi di Firenze come cultore della materia

Competenze organizzative e gestionali

- Attualmente coordinatore di un team di 5 persone nell'ambito di progetti di ricerca presso il laboratorio di virologia del Dipartimento scientifico del Policlinico militare

Competenze digitali

AUTOVALUTAZIONE				
Elaborazione delle informazioni	Comunicazione	Creazione di Contenuti	Sicurezza	Risoluzione di problemi
Utente avanzato	Utente intermedio	Utente intermedio	Utente intermedio	Utente intermedio

Livelli: Utente base - Utente intermedio - Utente avanzato
[Competenze digitali - Scheda per l'autovalutazione](#)

Sostituire con il nome dei certificati TIC

Buona padronanza degli strumenti della suite per ufficio (elaboratore di testi, foglio elettronico, software di presentazione)

Conoscenza di programmi per editing di testi, fogli elettronici, referenze bibliografiche (MS Office ed EndNote 5.0) su piattaforma Windows, Mac e Unix per PC. Conoscenza di pacchetti informatici per l'analisi, allineamento, studi di omologie di sequenze di DNA e proteine, disegno di primers e loro relativa compatibilità, analisi delle curve di melting di oligonucleotidi (BLAST, CLUSTAL, Sequence Analysis 3.0, GeneSCAN 2.0, Primer 3.0, MeltCalc. Oligo 5.0, LCDA 4.0). Analisi bioinformatica con pacchetti open source (Mega, kSNP, Mauve) e proprietari (Bionumerics 5.5 e superiori).

Patente di guida B

ULTERIORI INFORMAZIONI

Pubblicazioni

G. Delfino, R. Brizzi, R. De Santis, M. Melosi. Serous cutaneous glands of the western spadefoot toad *Pelobates cultripes* (*Amphibia, Anura*): an ultrastructural study on adults and juveniles. *Acta Biol. Benrodis* PMID: 1285677

A. Azzi, R. Fanci, A. Bosi, S. Ciappi, K. Zakrzewska, R. De Santis, D. Laszlo, S. Guidi, R. Saccardi, A.M. Vannucchi, G. Longo e P. Rossi-Ferrini. Monitoring of polyomavirus BK viruria in bone marrow transplantation patients by DNA hybridization assay and by polymerase chain reaction: an approach to assess the relationship between BK viruria and hemorrhagic cystitis. *Bone Marrow Transplantation* 1994, 14 : 235-240. PMID: 7994238

D. Laszlo, D. Bosi, G. Guidi, S. Saccardi, A.M. Vannucchi, L. Lombardini, G. Longo, R. Fanci, A. Azzi, R. de Santis, P.R. Ferrini. Prostaglandin E2 bladder instillation for the treatment of hemorrhagic cystitis after allogenic bone marrow transplantation. *Haematologica* 1995 80(5): 421-5. PMID: 8566882

R. De Santis and A. Azzi. Duplex polymerase chain reaction for the simultaneous detection of the human polyomavirus BK and JC DNA. *Molecular and Cellular Probes*, 1996 10: 325-330. PMID: 8910886

A. Azzi, S. Ciappi, R. De Santis, R. Fanci, F. Leoni, S. Ciolli, P. Rossi-Ferrini. Hemorrhagic cystitis BKV- associated in patients with refractory acute lymphoblastic leukemia. *Am. J. of Hematology* 1996 52(2): 121- 122. PMID: 8638636

A. Azzi, R. De Santis, S. Ciappi, F. Leoncini, G. Sterrantino, N. Marino, D. Laszlo, R. Fanci and A. Bosi. Human polyomavirus DNA detection in peripheral blood leukocytes from immunocompetent and immunocompromised individuals. *J. of Neurovirology* 1996 2: 411-416. PMID: 8972423

S. Ciappi, A. Azzi, C.A. Stein, R. De Santis and J.S. Oxford. Isolation of influenza A (H₃N₂) virus with "O"®"D" phase variation. *Res. Virol.* 1997 (6): 427-431. PMID: 9498014

S. Ciappi, A. Azzi, R. De Santis, F. Leoncini, G. Sterrantino, F. Mazzotta, L. Mecocci. Archetypal and rearranged sequences of human polyomavirus JC transcription control region in peripheral blood leukocytes and in cerebral spinal fluid. *J. Gen. Virol.* 1999 (80): 1017-1023. PMID: 10211972

A. Azzi, S. Cesaro, D. Laszlo, K. Zakrzewska, S. Ciappi, R. De Santis, R. Franci, G. Pesavento, E. Calore, A. Bosi. Human polyomavirus BK (BKV) load and haemorrhagic cystitis in bone marrow transplantation patients. *J. Clin. Virol.* 1999 (14):79-86. PMID: 10588450

N. Vianelli, M. Renga, A. Azzi, R. De Santis, G. Bandini, P. Tosi and S. Tura. Sequential vidarabine infusion in the treatment of polyoma virus-associated acute haemorrhagic cystitis late after allogenic bone marrow transplantation. *Bone Marrow Transplantation* 2000

(25):319-320.PMID: 10673705

R. De Santis and A. Azzi. Use of denaturing gradient gel electrophoresis for human polyomavirus JC sequence analysis. *J. Virol. Methods* 2000 (85): 101-108. PMID: 10716343

A. Azzi, R. Fanci., R. De Santis, S. Ciappi and C. Paci. Human herpesvirus 8 DNA sequences are present in bone marrow from HIV-negative patients with lymphoproliferative disorders and from healthy donors. *British J. of Haematology* 2001 (113): 188-190.PMID: 11328300

A. Azzi, R. De Santis, M. Morfini, Zakrzewska, R. Musso, E. Santagostino and G. Castaman. TT virus contaminates first-generation recombinant factor VIII concentrates. *Blood* 2001 (98) 8: 2571-2573.PMID: 11588057

K. Zakrzewska, A. Azzi, E. De Biasi, P. Radossi, R. De Santis, P.G. Davoli, G. Tagariello. Persistence of parvovirus B19 DNA in synovium of patients with haemophilic arthritis. *Journal of Medical Virology* 2001 (65): 402-407.PMID: 11536251

F. Ginevri, R. De Santis, P. Comoli, N. Pastorino, C. Rossi, G. Botti, I. Fontana, A. Nocera, M. Cardillo, M.R. Ciardi, F. Locatelli, R. Maccario, F. Perfumo and A. Azzi. Polyomavirus BK infection in pediatric kidney-allograft recipients: a single-center analysis of incidence, risk factors, and novel therapeutic approaches. *Transplantation* 2003 (75), 1266-1270.PMID: 12717214

F. Ginevri, MD N. Pastorino, R. De Santis, PhD I. Fontana, MD A. Sementa, MD, G. Losurdo, MD A. Santopietro, MD F. Perfumo, MD F. Locatelli, R. Maccario, PhD, A. Azzi, MD P. Comoli. Retransplantation after kidney graft loss due to polyoma BK virus nephropathy: successful outcome without original allograft nephrectomy. *Am J Kidney Dis* 2003 42(4):821-5.PMID: 14520634

P. Comoli, S. Basso, A. Azzi, A. Moretta, R. De Santis, F. Del Galdo, R. De Palma, U. Valente, A. Nocera, F. Perfumo, F. Locatelli, R. Maccario, F. Ginevri. Dendritic cells pulsed with polyomavirus BK antigen induce ex vivo BK-specific cytotoxic T cell lines in seropositive healthy individuals and renal transplant recipients. *J Am Soc Nephrol* 2003 14(12):3197-204.PMID: 14638918

Fanci R., De Santis R., Zakrzewska K., Paci C., Azzi A. Presence of TT virus DNA in bone marrow cells from hematologic patients. *New Microbiol.* 2004 27 (2), 113-7.PMID: 15164620

Azzi A, Manaresi E, Zakrzewska K, DeSantis R, Musiani M, Zerbini M. Antibody response to B19 parvovirus VP1 and VP2 linear epitopes in patients with haemophilic arthritis. *J Med Virol.* 2004 72(4):679- 82.PMID:14981773

Azzi A., De Santis R., Salotti V., Di Pietro N., Ginevri F., Comoli P. BK virus regulatory region sequence deletions in a case of human polyomavirus associated nephropathy (PVAN) after kidney transplantation. *J Clin Virol.* 2006 35(1):106-8. PMID: 16202649

Lista F., Faggioni G., Valjevac S., Ciammaruconi A., Vaissaire J., le Doujet C., Gorgé O., De Santis R., Carattoli A., Ciervo A., Fasanella A., Orsini F., D'Amelio R., Pourcel C., Cassone A. , and Gilles Vergnaud. Genotyping of *Bacillus anthracis* strains based on automated capillary 25-loci Multiple Locus Variable-Number Tandem Repeats Analysis. *BMC Microbiol.* 2006; 6: 33. PMID: 16600037

Fortini D., Ciammaruconi A., De Santis R., Fasanella,A., Battisti A., D'Amelio R., Lista F., Cassone A., and Carattoli A. Optimization of High-Resolution Melting Analysis for Low-Cost and Rapid Screening of Allelic Variants of *Bacillus anthracis* by Multiple-Locus Variable-Number Tandem Repeat Analysis. *Clinical Chemistry* 2007 53(7): 1377-1380.PMID: 17525105

Ciammaruconi A., Grassi S., De Santis R., Faggioni G., Pittiglio V., D'Amelio R., Carattoli

- A., Cassone A., Vergnaud G. and Lista F. Fieldable genotyping of *Bacillus anthracis* and *Yersinia pestis* based on 25-loci Multi Locus VNTR Analysis. *BMC Microbiology* 2008, 8(21): 1-11.PMID:18230125
- Faggioni G, Ciammaruconi A, De Santis R, Pomponi A, Scicluna MT, Barbaro K, Masuelli L, Autorino G, Bei R, Lista F. Evidence of a humoral response to a novel protein WARF4 embedded in the West Nile virus NS4B gene encoded by an alternative open reading frame. 2009, *Int J Mol Med*. 2009 Apr;23(4):509-12.PMID: 19288027
- De Santis R, Ciammaruconi A, Faggioni G, D'Amelio R, Marianelli C, Lista F. Lab on a chip genotyping for *Brucella* spp. based on 15-loci multi locus VNTR analysis. *BMC Microbiol*. 2009 Apr 7;9:66. doi: 10.1186/1471-2180-9-66
- Ciammaruconi A, Grassi S, Faggioni G, De Santis R, Pittiglio V, D'Amelio R, Vergnaud G, Lista F. A rapid allele variant discrimination method for *Yersinia pestis* strains based on high-resolution melting curve analysis. *Diagn Microbiol Infect Dis*. 2009 Sep;65(1):7-13.doi: 10.1016/j.diagmicrobio.2009.04.015
- R. De Santis, C. Cammà, D. Giaccari, A. Ciammaruconi, G. Faggioni, A. Di Provvido, A. Ciarelli, F. Lista. Development of a single-round PCR method for the simultaneous detection of *Babesia caballi* and *Theileria equi*. *Parassitologia* 2009 51: 57-60.
- R. De Santis, G. Faggioni, A. Ciammaruconi, S. Fillo, V. Clausi, F. Corcioli, F. Lista, A. Azzi. A FRET based melting curve analysis to detect nucleotide variations in HA receptor-binding site of H5N1 virus . *Molecular and Cellular Probes* 24 (2010) 298-302. doi: 10.1016/j.mcp.2010.06.004. Epub 2010 Jun 23
- R. De Santis, A. Ciammaruconi, G. Faggioni, S. Fillo, B. Gentile, E. Di Giannatale, M. Ancora, F. Lista. High throughput MLVA-16 typing for *Brucella* based on the microfluidics technology. *BMC Microbiol*. 2011 Mar 24;11:60. doi: 10.1186/1471-2180-11-60.
- Lista F, Reubsæet FA, De Santis R, Parchen RR, de Jong AL, Kieboom J, van der Laaken AL, Voskamp- Visser IA, Fillo S, Jansen HJ, Van der Plas J, Paauw A. Reliable identification at the species level of *Brucella* isolates with MALDI-TOF-MS. *BMC Microbiol*. 2011 Dec 23;11:267.doi: 10.1186/1471-2180-11-267
- R. De Santis, A. Ciammaruconi, A. Pomponi, S. Fillo and F. Lista. *Brucella*: Molecular Diagnostic Techniques in Response to Bioterrorism Threat. *J Bioterr Biodef* 2011 doi:10.4172/2157-2526.S2-002
- Arvia R, Corcioli F, Simi L, Orlando C, De Santis R, Facchini M, Donatelli I, Azzi A. Monitoring the susceptibility to oseltamivir of Influenza A(H1N1) 2009 virus by nested-PCR and pyrosequencing during the pandemic and in the season 2010-2011. *J Virol Methods*. 2012 Sep;184(1-2):113-6. doi: 10.1016/j.jviromet.2012.05.018.
- Faggioni G, Pomponi A, De Santis R, Masuelli L, Ciammaruconi A, Monaco F, Di Gennaro A, Marzocchella L, Sambri V, Lelli R, Rezza G, Bei R, Lista F. West Nile alternative open reading frame (N-NS4B/WARF4) is produced in infected West Nile Virus (WNV) cells and induces humoral response in WNV infected individuals. *Virol J*. 2012 Nov 22;9:283. doi: 10.1186/1743-422X-9-283
- R. De Santis, M. Ancora, F. De Massis, A., Ciammaruconi, K. Zilli, E. Di Giannatale, V. Pittiglio., S. Fillo, F. Lista. Molecular Strain Typing of *Brucella abortus* Isolates from Italy by Two VNTR Allele Sizing Technologies . *Mol Biotechnol* 2013 Oct;55(2):101-10. doi: 10.1007/s12033-013-9659-3
- G. Rezza, G. El-Sawaf, G. Faggioni, F. Vescio, R. Al Ameri, R. De Santis, G. Helaly, A. Pomponi, D. Metwally, M. Fantini, FV, H. Qadi, M. Ciccozzi, F. Lista. Co-circulation of Dengue and Chikungunya Viruses, Al Hudayda, Yemen, 2012. *Emerg Infect Dis*. 2014 Aug;20(8):1351-4. doi: 10.3201/eid2008.131615

Ciccozzi M, Lo Presti A, Cella E, Giovanetti M, Lai A, El-Sawaf G, Faggioni G, Vescio F, Al Ameri R, De Santis R, Helaly G, Pomponi A, Metwally D, Fantini M, Qadi H, Zehender G, Lista F, Rezza G Phylogeny of Dengue and Chikungunya viruses in Al Hodayda governorate, Yemen. *Infection, Infect Genet Evol.* 2014 Oct;27:395-401. doi: 10.1016/j.meegid.2014.08.010. Epub 2014 Aug 23.

Faggioni G, De Santis R, Pomponi A, Fantini M, Savini G, Monaco F, Polci A, Bei R, Lista F. Rapid molecular detection and genotyping of West Nile Virus lineages 1 and 2 by real time PCR and melting curve analysis. *J Virol Methods.* 2014 Oct;207:54-9. doi: 10.1016/j.jviromet.2014.06.020. Epub 2014 Jun 30.

Fillo S, Giordani F, Anselmo A, Fortunato A, Palozzi AM, De Santis R, Ciammaruconi A, Spagnolo F, Anniballi F, Fiore A, Auricchio B, De Medici D, Lista F. Draft Genome Sequence of *Clostridium botulinum* B2 450 Strain from Wound Botulism in a Drug User in Italy. *Genome Announc.* 2015 Apr 2;3(2). pii: e00238-15. doi: 10.1128/genomeA.00238-15.

Russo G, Faggioni G, Paganotti GM, Djeunang Dongho GB, Pomponi A, De Santis R, Tebano G, Mbida M, Sanou Sobze M, Vullo V, Rezza G, Lista FR. Molecular evidence of *Plasmodium vivax* infection in Duffy negative symptomatic individuals from Dschang, West Cameroon. *Malar J.* 2017 Feb 14;16(1):74. doi: 10.1186/s12936-017-1722-2.

Faggioni G, De Santis R, Pomponi A, Grottola A, Serpini GF, Meacci M, Gennari W, Tagliazucchi S, Pecorari M, Monaco F, Savini G, Benedetti E, Remoli ME, Fortuna C, Venturi G, Rezza G, Lista F. Prevalence of Usutu and West Nile virus antibodies in human sera, Modena, Italy, 2012. *J Med Virol.* 2018 Oct;90(10):1666-1668. doi: 10.1002/jmv.25230

Stefanelli P, Faggioni G, Lo Presti A, Fiore S, Marchi A, Benedetti E, Fabiani C, Anselmo A, Ciammaruconi A, Fortunato A, De Santis R, Fillo S, Capobianchi MR, Gismondo MR, Ciervo A, Rezza G, Castrucci MR, Lista F, On Behalf Of Iss Covid-Study Group. Whole genome and phylogenetic analysis of two SARS-CoV-2 strains isolated in Italy in January and February 2020: additional clues on multiple introductions and further circulation in Europe. *Euro Surveill.* 2020 Apr;25(13):2000305. doi: 10.2807/1560-7917.ES.2020.25.13.2000305

Nicastro E, D'Abramo A, Faggioni G, De Santis R, Mariano A, Lepore L, Molinari F, Petralito G, Fillo S, Munzi D, Corpolongo A, Bordi L, Carletti F, Castiletti C, Colavita F, Lalle E, Bevilacqua N, Giancola ML, Scorzolini L, Lanini S, Palazzolo C, De Domenico A, Spinelli MA, Scognamiglio P, Piredda P, Iacomino R, Mone A, Puro V, Petrosillo N, Battistini A, Vairo F, Lista F, Ippolito G, On Behalf Of Inmi And The Italian Army Covid-Study Groups. Coronavirus disease (COVID-19) in a paucisymptomatic patient: epidemiological and clinical challenge in settings with limited community transmission, Italy, February 2020. *Euro Surveill.* 2020 Mar;25(11):2000230. doi: 10.2807/1560-7917.ES.2020.25.11.2000230

Fabiani L, Caratelli V, Fiore L, Scognamiglio V, Antonacci A, Fillo S, De Santis R, Monte A, Bortone M, Moscone D, Lista F, Arduini F. State of the Art on the SARS-CoV-2 Toolkit for Antigen Detection: One Year Later. *Biosens Bioelectron.* 2021 Jan 1; 171:112686. doi: 10.1016/j.bios.2020.112686. Epub 2020 Oct 3.

Faggioni G, Stefanelli P, Giordani F, Fillo S, Anselmo A, Vera Fain V, Fortunato A, Petralito G, Molinari F, Lo Presti A, Di Martino A, Palomba S, De Santis R, Rezza G, Lista F. Identification and characterization of SARS-CoV-2 clusters in the EU/EEA in the first pandemic wave: additional elements to trace the route of the virus. *Infect Genet Evol.* 2021 Dec;96:105108. doi: 10.1016/j.meegid.2021.105108

De Santis R, Luca V, Näslund J, Ehmann RK, De Angelis M, Lundmark E, Nencioni L, Faggioni G, Fillo S, Amatore D, Regalbuto E, Molinari F, Petralito G, Wölfel R, Stefanelli P, Rezza G, Palamara AT, Antwerpen M, Forsman M, Lista F. Rapid inactivation of SARS-CoV-2 with LED irradiation of visible spectrum wavelengths. *J Photochem Photobiol.* 2021 Dec; 8:100082. doi: 10.1016/j.jpap.2021.100082. Epub 2021 Oct 28.

Fabiani L, Saroglia M, Galatà G, De Santis R, Fillo S, Luca V, Faggioni G, D'Amore N, Regalbuto E,

Salvatori P, Terova G, Moscone D, Lista F, Arduini F. Magnetic beads combined with carbon black-based screen-printed electrodes for COVID-19: A reliable and miniaturized electrochemical immunosensor for SARS-CoV-2 detection in saliva
Biosens Bioelectron. 2021 Jan 1;171:112686. doi: 10.1016/j.bios.2020.112686. Epub 2020 Oct 3.

Fabiani L, Mazzaracchio V, Moscone D, Fillo S, De Santis R, Monte A, Amatore D, Lista F, Arduini F. Paper-based immunoassay based on 96-well wax-printed paper plate combined with magnetic beads and colorimetric smartphone-assisted measure for reliable detection of SARS-CoV-2 in saliva. Biosens Bioelectron. 2022 Mar 15; 200:113909. doi: 10.1016/j.bios.2021.113909. Epub 2021 Dec 23.

Fabiani L, Caratelli V, Fiore L, Scognamiglio V, Antonacci A, Fillo S, De Santis R, Monte A, Bortone M, Moscone D, Lista F, Arduini F. State of the Art on the SARS-CoV-2 Toolkit for Antigen Detection: One Year Later. Biosensors (Basel). 2021 Aug 31;11(9):310. doi: 10.3390/bios11090310.

Progetti

Sorveglianza virologica di arbovirus trasmessi da Culicidi. Ricercatore (2020-2022)

Rilevazione di agenti microbionici Loop-Mediated Isothermal Amplification LAMP- CIG 770085201C -Ricercatore responsabile del progetto (2019-2020)

SISTEMA INTEGRATO PER LA SORVEGLIANZA TRASMESSA DA VETTORI
“(SENSOR) CIG-7310580177 - Ricercatore responsabile del progetto (2018)

Rilevazione rapida di agenti virali emergenti in contesti (VIREM) - Ricercatore responsabile del progetto (2016-2017)

European Biodefence Laboratory Network (EBNL) CIG-60310747B4 (2013-2015) - Ricercatore (2013-2015)

EDA B0060 “Database of B-Agents”. Ricercatore (2009-2012)

Clostridium botulinum CIG 3030987199-Ricercatore (2009)

Progetto di ricerca sulle malattie infettive di grande rilievo sociale e causate da agenti di possibile utilizzo come armi non convenzionali (Agenti batterici). Convenzione ISS n.28C4/7
” Diagnostica avanzata ed automatizzata di Bacillus anthracis” Ricercatore (2007-2008)

Sieroepidemiologia ed epidemiologia molecolare di HHV8”- “*Herpesvirus umano di tipo 8 (HHV-8) e mieloma multiplo*” Ricercatore. (1999-2000)

Progetto nazionale cofinanziato dal MURST “Infezioni virali persistenti: aspetti patogenetici ed applicativi” Titolo specifico della ricerca: *Infezioni persistenti da polyomavirus umani BK e JC e da parvovirus umano B19: aspetti patogenetici e diagnostici*. Ricercatore (1997-1998)

Riconoscimenti e premi

Premio AMCLI 1994” per il progetto “Multiplex Polymerase Chain Reaction per la ricerca dei polyomavirus umani BK e JC in linfociti e urine” presentato al XXIII Congresso dell’Associazione Microbiologi Clinici Italiani (Montecatini Terme, 5- 8 ottobre 1994).

ALLEGATI

- certificato di laurea con voto e con l'indicazione delle votazioni riportate nei singoli esami di profitto
- titolo di dottore di ricerca in Virologia fondamentale e clinica
- titolo di dottore di ricerca in Epidemiologia
- pubblicazioni scientifiche

Dati personali Autorizzo il trattamento dei miei dati personali ai sensi del Decreto Legislativo 30 giugno 2003, n. 196 "Codice in materia di protezione dei dati personali".

Il sottoscritto dichiara di essere consapevole che il presente *curriculum vitae* sarà pubblicato sul sito istituzionale dell'Ateneo, nella Sezione "Amministrazione trasparente", nelle modalità e per la durata prevista dal d.lgs. n. 33/2013, art. 15.

Data
8 settembre 2022

f.to

Firmato digitalmente da

riccardo de santis

CN = de santis riccardo
SerialNumber =
TINIT-DSNRCR63E18D612Z
C = IT
Signature date and time:
2022/09/08 18:03:29