

INFORMAZIONI PERSONALI

Veronica Venafra

OCCUPAZIONE PER LA QUALE
SI CONCORRE
POSIZIONE RICOPERTA**Assegnista di Ricerca in Bioinformatica e Biologia dei Sistemi per la creazione di modelli computazionali dei tumori**ESPERIENZA
PROFESSIONALE

Gennaio 2022 – oggi

Ricercatrice predottorale

Università di Roma Tor Vergata, Roma (Italia)

- Realizzazione della tesi dottorale “Computational mechanistic signaling models to fight chemoresistance in Leukemias”

Attività o settore Istituto di ricerca scientifica

Dicembre 2020 a febbraio 2021

Consulente informatico

Scal Connect s.r.l.

- Monitoraggio dei processi applicativi della piattaforma OCS e identificazione e gestione degli incidenti

Attività o settore Informatica e comunicazioni

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

Gennaio 2022 - oggi

Dottorato di Ricerca in Biologia Cellulare e Molecolare

Università di Roma Tor Vergata

- Sviluppo di metodi basati sui network per l'integrazione di dati sperimentali con la conoscenza sulle interazioni tra le molecole
- Applicazione di metodi basati sui grafi nel contesto delle leucemie e delle malattie neurodegenerative.
- Analisi di dati di genomica, trascrittomica, proteomica e fosfoproteomica

Da Marzo ad Agosto 2023

Internship

Nouscom s.r.l

- Caratterizzazione della risposta ai vaccini personalizzati contro il melanoma (NOUS-PEV) usando dati di trascrittomica

2019 - 2021

Laurea magistrale in Bioinformatica (Voto 110/110 con lode)

Università di Roma Tor Vergata

- Tesi di laurea sull'utilizzo di modelli computazionali basati sui network per l'identificazione di nuove terapie nella leucemia mieloide acuta

2016 - 2019

Laurea triennale in Biotecnologie (Voto 110/110 con lode)

Università di Roma Tor Vergata

2016

Diploma scientifico (Voto 100/100 con lode)

LSS Vito Volterra

COMPETENZE PERSONALI

Lingua madre Italiano

Altre lingue	COMPRESIONE		PARLATO		PRODUZIONE SCRITTA
	Ascolto	Lettura	Interazione	Produzione orale	
Inglese	C1	C1	C1	C1	C1

Livelli: A1/A2: Utente base - B1/B2: Utente intermedio - C1/C2: Utente avanzato
[Quadro Comune Europeo di Riferimento delle Lingue](#)

Competenze comunicative Capacità di trasmissione di concetti e di divulgazione
 ▪ Competenze acquisite in lezioni frontali private

Competenze organizzative e gestionali Capacità di organizzazione e propensione a lavorare in team interdisciplinari
 ▪ Responsabile della commissione di riesame della laurea in Biotecnologie
 ▪ Dottorato svolto in un laboratorio di biologi e informatici

Competenze professionali Analisi con Nextflow, teoria dei grafi

Competenze digitali

- ottima padronanza degli strumenti della suite per ufficio (elaboratore di testi, foglio elettronico, software di presentazione)
- ottima padronanza dei programmi per l'elaborazione digitale delle immagini acquisita nella creazione di figure per articoli scientifici
- Programmazione avanzata nel linguaggio R
- Programmazione base in Python e BASH

Patente di guida B

ULTERIORI INFORMAZIONI

Pubblicazioni

Venafra, V., Sacco, F. & Perfetto, L. **SignalingProfiler 2.0 a network-based approach to bridge multi-omics data to phenotypic hallmarks.** *npj Syst Biol Appl* **10**, 95 (2024). <https://doi.org/10.1038/s41540-024-00417-6>

Massacci G, Venafra V, ... Sacco F. **Stage-dependent phosphoproteome remodeling of Parkinson's disease blood cells.** *Neurobiol Dis.* 2024 Aug 2;200:106622. <https://doi.org/10.1016/j.nbd.2024.106622> .

Latini S*, Venafra V*, ... , Sacco F. **Unveiling the signaling network of FLT3-ITD AML improves drug sensitivity prediction.** *eLife* 12:RP90532 <https://doi.org/10.7554/eLife.90532.2> .

D'Alise AM, ..., Venafra V, ..., Bechter O. **Phase I trial of viral vector based personalized vaccination elicits robust neoantigen specific antitumor T cell responses.** *Clin Cancer Res.* 2024 Mar 20. <https://doi.org/10.1158/1078-0432.CCR-23-3940>.

Pugliese GM*, Venafra V*, Bica V*, ... , Sacco F. **Impact of FLT3-ITD location on cytarabine sensitivity in AML: a network-based approach.** *Leukemia.* 2023 May;37(5):1151-1155. doi: <https://doi.org/10.1038/s41375-023-01881-5>

Massacci G*, Venafra V*, ... , Sacco F. **A key role of the WEE1-CDK1 axis in mediating TKI-therapy resistance in FLT3-ITD positive acute myeloid leukemia patients.** *Leukemia.* 2023 Feb;37(2):288-297. <https://doi.org/10.1038/s41375-022-01785-w>.

*these authors contributed equally to the work

- Conferenze**
- BITS: 2024. 20th Annual Meeting of the Bioinformatics Italian Society.** Università di Trento, 12-14 giugno 2024. Presentazione orale.
- Interdisciplinary Signaling Workshop 2023.** Visegrád (HU). 17 - 21 Luglio 2023. Presentazione di Poster.
- Riconoscimenti e premi**
- Best Oral Presentation Award** presso Institut Curie, 6th course on Computational Systems Biology of Cancer: models of data, data for models (2023).
- ELIXIR Travel Grant Scheme** finanziato dall'ente europeo per la bioinformatica ELIXIR.
- Best Journal Club Presentation Award** presso Institut Curie, 4th course on Computational Systems Biology of Cancer: Multi-omics and Machine Learning Approaches (2021).
- Corsi**
- 6th course on Computational Systems Biology of Cancer: models of data, data for models** presso l'Institut Curie, Parigi (FR) dal 25 al 29 Settembre 2023. Presentazione di Poster e orale.
- Logical modelling of (inter) cellular networks for biotechnology and personalised medicine (BI8040)** presso la Norwegian University of Science and Technology (NTNU), a Trondheim (NO). Corrisponde a 7.5 ETCS.
- 4th course on Computational Systems Biology of Cancer: Multi-omics and Machine Learning Approaches** all'Institut Curie, Parigi (FR), 25 settembre - 1 ottobre 2021. Journal club.
- Dati personali**
- Autorizzo il trattamento dei miei dati personali ai sensi del Decreto Legislativo 30 giugno 2003, n. 196 "Codice in materia di protezione dei dati personali".

La sottoscritta dichiara di essere consapevole che il presente *curriculum vitae* sarà pubblicato sul sito istituzionale dell'Ateneo, nella Sezione "Amministrazione trasparente", nelle modalità e per la durata prevista dal d.lgs. n. 33/2013, art. 15.

Data 09/09/2024

f.to