

CURRICULUM VITAE



INFORMAZIONI PERSONALI

Nome e Cognome Alessandra Lo Presti
E-mail alessandra.lopresti@iss.it

Nazionalità Italiana

Data e luogo di nascita 11. 12. 1983 ROMA

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Date* dal 01.01.2022 - **contratto a tempo indeterminato**
Istituto Superiore di Sanità (ISS) – Dipartimento malattie infettive
Ricercatore III livello professionale – contratto a tempo indeterminato
Attività di ricerca nell'ambito dell'epidemiologia, analisi filogenetica, studio dell'evoluzione molecolare delle malattie infettive. Partecipazione in qualità di partecipante e collaboratore a diversi progetti scientifici.
- *Date* dal 27.07.2017 al 31.12.2021
- Tipo di azienda o settore Istituto Superiore di Sanità (ISS) – Dipartimento malattie infettive
- Tipo di impiego Ricercatore III livello professionale – contratto a tempo determinato
- Principali mansioni e responsabilità Attività di ricerca nell'ambito dell'epidemiologia, filogenesi, studio dell'evoluzione molecolare delle malattie infettive. **Principal Investigator** del progetto ricerca finalizzata GR - Convenzione n.120/GR-2011-02350817 con ruolo di coordinamento del progetto, attività di ricerca, realizzazione di lavori scientifici e relazioni. **Principal Investigator** del progetto Gilead Fellowship program 2017 con ruolo di coordinamento del Progetto, analisi epidemiologiche e filogenetiche.
- *Date* dal 1° ottobre 2016 al 26.07.2017
- Tipo di azienda o settore Istituto Superiore di Sanità (ISS) – Dipartimento Malattie Infettive Parassitarie ed Immunomediate
- Tipo di impiego co.co.co (contratto collaborazione coordinata e continuativa) - progetto "Cross

	sectional study to evaluate the interactions between gut microflora and immune system at the cross-road of the pathogenesis of Inflammatory Bowel Diseases and Irritable Bowel Syndrome” (P.I. Alessandra Lo Presti - Convenzione n.120/GR-2011-02350817)
• Principali mansioni e responsabilità	Coordinamento del Progetto (P.I.); analisi filogenetiche ed epidemiologiche
• Date	dal 17.10.2016 al 09/06/2017; e dal 13/06/2017 al 13/06/2017
• Tipo di azienda o settore	<i>ISTITUTO TECNICO STATALE PER IL TURISMO “C. COLOMBO”</i>
• Tipo di impiego	contratto di lavoro a tempo determinato - conferimento supplenza classe di concorso SC.NA., CH., GEOG., MIC. (precedente classe concorso A060 – nuova classe A050)
• Principali mansioni e responsabilità	Lezioni – supplenza classe A050 SC.NA., CH., GEOG., MIC.
• Date	dal 1 luglio 2015 al 30 settembre 2016
• Tipo di azienda o settore	Istituto Superiore di Sanità (ISS) – Dipartimento Malattie Infettive Parassitarie ed Immunomediate.
• Tipo di impiego	Borsa di studio, progetto convenzione: <i>“Cross Sectional study to evaluate the interactions between gut microflora and immune system at the cross-road of the pathogenesis of Inflammatory Bowel Diseases and Irritable Bowel Syndrome” (ruolo nel progetto Principal Investigator).</i>
• Principali mansioni e responsabilità	Coordinamento del Progetto (P.I.); analisi filogenetiche ed epidemiologiche
• Date	dal 1° luglio 2014 al 30 giugno 2015
• Tipo di azienda o settore	Istituto Superiore di Sanità (ISS) – Dipartimento Malattie Infettive Parassitarie ed Immunomediate.
• Tipo di impiego	Borsa di studio, per la ricerca nell’ambito del progetto “Epidemiology of HIV-2 in immigrants in Italy, the role of subtypes and / or recombinant forms on antiretroviral therapy; study of the trend of the disease in different subtypes. Study on the resistance to antiretroviral drugs”.
• Principali mansioni e responsabilità	Analisi filogenetica ed epidemiologica.
• Date	dal 1° luglio 2013 al 30 giugno 2014
• Tipo di azienda o settore	Istituto Superiore di Sanità (ISS) – Dipartimento Malattie Infettive Parassitarie ed Immunomediate.
• Tipo di impiego	Borsa di studio, per la ricerca nel campo “studio di filogenesi ed evoluzione delle epatiti B occulte”- Progetto: “Micro RNA: nuovi marcatori per la diagnosi di epatite B occulta”.
• Principali mansioni e responsabilità	analisi epidemiologica, analisi filogenetica, stima dei tassi evolutivi virali, analisi filo dinamica, valutazione della pressione selettiva che agisce su specifiche proteine e studio dei flussi migratori (filogeografia).

- Date dal 01.01.2013 al 28.02.2013
- Tipo di azienda o settore Istituto Nazionale per le Malattie Infettive Lazzaro Spallanzani (attività svolta presso Iss).
- Tipo di impiego Prestazione d'opera occasionale: Progetto "Genetic and epidemiological characteristics of HIV infection among migrants living in Rome, Italy 2003-2008"
 - Principali mansioni e responsabilità Analisi epidemiologica, filogenetica, filo dinamica e filogeografica di sequenze di HIV al fine di identificare potenziali network di trasmissione dei sottotipi di HIV fra gli immigrati e gli italiani con infezione acuta/recente e cronica

- Date dal 03.01.2011 al 30.03.2011
- Tipo di azienda o settore Formez PA
- Tipo di impiego Contratto d'opera (Programma "Twinning Light Bulgaria BG/2007/IB/SO/01/UE/TWL")
 - Principali mansioni e responsabilità Analisi critica e della sistematizzazione dei dati emersi con realizzazione di report; predisposizione di un documento di diffusione dei risultati di progetto finalizzato anche alla cooperazione dell'ISS in Italia ed in Europa (attività svolta in Iss).

- Date dal 20.01.2010 al 08.08.2010
- Tipo di azienda o settore Formez PA
- Tipo di impiego Collaborazione a Progetto (Progetto "Twinning Light Bulgaria BG/2007/IB/SO/01/UE/TWL")
 - Principali mansioni e responsabilità Organizzazione, coordinamento e follow up dei corsi di formazione e delle missioni degli esperti sulle tematiche delle malattie trasmissibili; organizzazione e partecipazione agli incontri tra esperti italiani e bulgari presso l'ISS e predisposizione dei relativi materiali; verifica e sistematizzazione degli output di progetto (attività svolta in Iss).

- Date dal 2009 a Maggio 2013
- Tipo di azienda o settore ANLAIDS-LAZIO
- Tipo di impiego Prestazione lavoro autonomo non abituale nell'ambito del "Progetto Scuole: "Informazione e Prevenzione sull'Infezione da HIV/AIDS in ambito scolastico"
 - Principali mansioni e responsabilità Incontri in qualità di Esperta nell'ambito del "Progetto Scuole: "Informazione e Prevenzione sull'Infezione da HIV/AIDS in ambito scolastico".

- Date Inizialmente dal 10.02.2009 frequenta l'Istituto Superiore di Sanità in qualità di ospite e come volontaria, sotto la supervisione del Dr. Massimo Ciccozzi per attività di ricerca in bioinformatica, filogenesi, filo-geografia, genomica, epidemiologia molecolare, studi di pressione selettiva nel campo delle malattie infettive e proseguita durante tutti i periodi di attività / lavoro / collaborazioni / borse di studio ed inquadramenti presso l'Istituto Superiore di Sanità. Successivamente immatricolata il 28.12.2009 (A.A. 2009/2020) al Dottorato di Ricerca in Microbiologia Medica, Immunologia e Malattie Infettive dell'Università Tor Vergata di Roma (con frequenza presso l'Istituto Superiore di Sanità).
- Tipo di azienda o settore Istituto Superiore di Sanità – Dipartimento Malattie Infettive Parassitarie ed Immunomediate.
- Tipo di impiego Attività di ricerca
 - Principali mansioni e responsabilità Analisi epidemiologica, analisi filogenetiche, filogeografiche ed evolutive sulle malattie infettive.

TIROCINIO PRESSO LABORATORI

- Date da Febbraio 2008 a Dicembre del 2008

<ul style="list-style-type: none"> • Tipo di azienda o settore • Tipo di tirocinio • Date • Tipo di azienda o settore • Tipo di tirocinio • Date • Tipo di azienda o settore • Tipo di tirocinio 	<p>1^a Clinica Medica - Policlinico Umberto I di Roma - Dipartimento di Clinica e Terapia Medica- Laboratorio "genetica delle dislipidemie" Attività di ricerca per lo svolgimento della Tesi Specialistica dal titolo "Aspetti molecolari e cellulari delle malattie da accumulo di lipidi neutri"</p> <p>da Ottobre 2006 a Dicembre 2007</p> <p>C.N.R. (via del Fosso di Fiorano, 64 –Roma)- Laboratorio "adesione e motilità cellulare" Attività sperimentale, in qualità di tirocinante, nel progetto "Ruolo della catenina p120 nella regolazione dell'adesione cellulare e nell'organizzazione del citoscheletro di actina"</p> <p>da marzo 2005 a febbraio 2006</p> <p>Università "La Sapienza" di Roma - Dipartimento di Scienze Biochimiche A. Rossi Fanelli - Laboratorio Biochimica Attività di ricerca, sperimentale, per lo svolgimento della Tesi triennale dal titolo "Influenza del processo di poli(ADP-ribosil)azione nel rimodellamento dell'actina durante il ciclo infettivo del virus di Epstein Barr".</p>
<p>ISTRUZIONE E FORMAZIONE</p> <ul style="list-style-type: none"> • Date • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio • Qualifica conseguita • Date • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Qualifica conseguita 	<p>19 Luglio 2013 (data esame) – 27.02.2014 (data consegna titolo e Diploma) Università Tor Vergata di Roma</p> <p>Microbiologia medica, Immunologia, Malattie Infettive e Filogenesi</p> <p>Dottorato di Ricerca in Microbiologia Medica, Immunologia e Malattie infettive (XXV CICLO). Titolo della Tesi "ORIGIN, EVOLUTION AND PHYLOGEOGRAPHY OF RECENT EPIDEMIC CHIKV STRAINS".</p> <p>Seconda sessione 2008 (novembre) Università degli Studi della Tuscia - Viterbo</p> <p>Esame di Stato per l'abilitazione all'esercizio della professione di Biologo superato nella seconda sessione relativa all'anno 2008 (svoltasi nel mese di novembre) e abilitazione all'esercizio della professione di Biologo conseguita.</p> <p>Iscrizione all'Ordine Nazionale dei Biologi Sezione A dal 9/04/2009 (Abilitazione all'esercizio della professione di Biologo).</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Qualifica conseguita 	<p>Anno Accademico 2007/2008 Università degli Studi di Roma "La Sapienza"</p> <p>Laurea Specialistica in Biotecnologie Mediche Molecolari e Cellulari (LS) (classe 9/S) conseguita il 25/07/2008. Titolo della Tesi "Aspetti molecolari e cellulari delle malattie da accumulo di lipidi neutri".</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Livello nella classificazione nazionale 	<p>110/110 e lode</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Qualifica conseguita 	<p>Anno Accademico 2004/2005 Università degli Studi di Roma "La Sapienza"</p> <p>Laurea in Biotecnologie conseguita il 22.02.2006. Titolo della Tesi "Influenza del processo di poli(ADP-ribosil)azione nel rimodellamento dell'actina durante il ciclo</p>

- infettivo del virus di Epstein Barr".
- Livello nella classificazione nazionale 110/110
- Date Anno scolastico 2001/2002
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione Liceo Scientifico "Aristotele" (Roma)
- Qualifica conseguita Diploma di maturità scientifica
- Livello nella classificazione nazionale 100/100

CAPACITÀ E COMPETENZE PERSONALI

MADRELINGUA Italiano

ALTRA LINGUA: Inglese

- Capacità di lettura: Eccellente
- Capacità di scrittura: Eccellente
- Capacità di espressione orale: Buona
- Certificato *Course Certificate*- level B2 – 2001.

ALTRA LINGUA

Spagnolo

- Capacità di lettura: Buona
- Capacità di scrittura: Buona
- Capacità di espressione orale: Buona

Certificazione: "Certificado inicial de Español" rilasciato da "La Ministra de Educaciòn, Cultura y Deporte del Reino de España" 2001- Esami sostenuti presso l'**Istituto Cervantes di Roma**.

CAPACITÀ E COMPETENZE RELAZIONALI

Ottima capacità di comunicativa e di relazione. Ottima capacità di lavorare in gruppo ed in situazioni di stress.

CAPACITÀ E COMPETENZE ORGANIZZATIVE

Alta capacità organizzativa e forte senso di responsabilità. Capacità di valutare ed affrontare al meglio le problematiche. Alta capacità di organizzare attività di gruppo.

CAPACITÀ E COMPETENZE TECNICHE

Competenze informatiche: Ottima conoscenza degli applicativi software di Office (Word, Excel, Power Point, Access). Ottima navigazione Internet ed utilizzo e-mail. Esperienza nell'uso di programmi per raccolta dati es. Excell, Epi Info, Access. Buona conoscenza dei software: Oligo Explorer e Chromas. NGS "basic toolkits" (Galaxy, Genepatterns). Ottima conoscenza dei programmi per analisi filogenetiche: Bioedit, Clustal X, Mega 6, PAML, HYPHY, PAUP, Phylip, TreePuzzle, Beast, Phyml, FastTrees, Mc Clade, Mr Bayes, Geneious, Galaxy. Ottima esperienza nella ricerca di sequenze in banche dati, utilizzo di Blast e server per analisi filogenetica. Buona conoscenza del programma di Epidemiologia e Statistica: EpiInfo. Programmi di analisi dati e statistica: Stata; R

Competenze di laboratorio- Tecniche acquisite: Elettroforesi su gel di poliacrilammide con sodio dodecilsolfato (SDS-PAGE); Western Blot; Immunoprecipitazione; Pull-Down Assay; Immunofluorescenza; Citofluorimetria; Coltura di linee cellulari; Trasformazione batterica; uso di enzimi di restrizione, clonaggio e isolamento di DNA plasmidico; manipolazione sangue, estrazione di DNA e RNA da campioni di sangue; Elettroforesi di DNA su gel d'agarosio; Sintesi cDNA; Polymerase chain reaction (PCR); Sequenziamento mediante elettroforesi capillare su ABI PRISM 310. Analisi di sequenze e ricerca di mutazioni.

Idoneità in concorsi:

- Idoneità al Concorso pubblico per titoli e colloquio, per il conferimento di una borsa di studio, per laureati e ricerche nel campo dell'analisi filogenetica di ceppi di virus trasmessi da artropodi da usufruirsi presso il Dipartimento di Malattie Infettive, Parassitarie ed Immunomediate dell'ISS, nell'ambito della seguente tematica "Studio e caratterizzazione biologica e molecolare dei virus trasmessi da artropodi vettori con potenziale epidemico" G.U. – IV serie speciale – n. 65 del 17/08/2010 (graduatoria di merito Decreto 525/10 pubblicata nel Bollettino ufficiale dell'Istituto Superiore di Sanità Anno 2011 Maggio Supplemento N. 9)
- Idoneità alla Selezione pubblica per titoli e prova-colloquio per l'assunzione con contratto a tempo determinato, di una unità di personale, con il profilo di Ricercatore – III livello professionale dell'Istituto Superiore di Sanità per il Dipartimento di Biologia cellulare e neuroscienze – "Progetto AIRC – Genetics – Driven targeted management of lymphoid malignancies" (lett. e) dell'art. 1 del bando pubblicato nella GU - 4^a serie speciale n. 5 del 18.1.2011 (graduatoria di merito Decreto N. 185/11 pubblicata nel Bollettino Ufficiale dell'Istituto Superiore di Sanità Anno 2011 Agosto N. 13)
- Idoneità alla pubblica selezione, per titoli e prova-colloquio per l'assunzione a tempo determinato di n. 1 unità di personale con il profilo di Collaboratore tecnico enti di ricerca - VI livello professionale dell'Istituto Superiore di Sanità, Dipartimento di Biologia Cellulare e Neuroscienze - indetta per svolgere attività di supporto nell'ambito del progetto: "Sorveglianza della Malattia di Creutzfeldt- Jacob", di cui alla lett. e dell'art. 1 del bando pubblicato per estratto nella G.U. IV serie speciale n. 15 del 22.02.2013
- Idoneità al concorso di ammissione (idoneità alla prova di ammissione) al Dottorato di Ricerca in: Epatologia Sperimentale e Clinica (24° CICLO), Sapienza Università di Roma con il punteggio di 86.
- Idoneità al concorso di ammissione (idoneità alla prova di ammissione) al Dottorato di Ricerca in: Biologia Umana e Genetica (25° CICLO) presso l'Università La Sapienza di Roma, con il punteggio di 102.

Attività di laboratorio - Attività sperimentale e di ricerca prestata in qualità di tirocinante

- Attività sperimentale e di ricerca prestata in qualità di tirocinante nel periodo ottobre 2006 – dicembre 2007 presso il laboratorio "Adesione e motilità cellulare" (sotto la supervisione del Ricercatore: Dr. Anna Maria Salvatore) dell'Istituto CNR (Consiglio Nazionale delle Ricerche)- Istituto di Biologia Cellulare e Neurobiologia, Via del Fosso di Fiorano, 64 (CAP: 00143 – Roma) partecipando al progetto di ricerca "Ruolo della catenina p120 nella regolazione dell'adesione cellulare e nell'organizzazione del citoscheletro di actina" ed esperienza acquisita nell'utilizzo di varie tecniche di biologia cellulare e biochimica ed in particolare nella coltura di linee cellulari, trasfezione e isolamento di linee clonali; nell'uso di enzimi di restrizione, clonaggio e isolamento di DNA plasmidico; nelle tecniche di immunofluorescenza indiretta, western blot, immunoprecipitazione e pull-down assay per la misura dell'attivazione delle Rho-GTasi.

- Attività sperimentale e di laboratorio prestata da Marzo 2005 a Febbraio 2006 presso il laboratorio di Biochimica del Dipartimento di Scienze Biochimiche "A. Rossi Fanelli" dell'Università degli Studi di Roma La Sapienza (Supervisore e Relatore: Prof.ssa Maria D'Erme – Correlatore: Prof.ssa Patrizia Mancini) per svolgere le attività della tesi sperimentale dal titolo “Influenza del processo di poly(ADP-ribosilazione) nel rimodellamento dell’actina durante il ciclo infettivo del virus di Epstein Barr” con competenze ed esperienze acquisite nell’ambito di tecniche di biochimica, biologia cellulare, microscopia immunofluorescenza, citofluorimetria a flusso, colture cellulari e western-blot.
- Attività sperimentale e di laboratorio presso il laboratorio del Prof. Marcello Arca - Policlinico Umberto I –Dipartimento di Clinica e Terapia Medica, Università degli Studi di Roma La Sapienza per lo svolgimento delle attività sperimentali per la Tesi Specialistica in Biotecnologie Mediche, Molecolari e Cellulari conseguita dalla sottoscritta il 25/07/2008 presso l’Università degli Studi di Roma “La Sapienza”, titolo della tesi “Aspetti molecolari e cellulari delle malattie da accumulo di lipidi neutri” (Relatore: Prof. Marcello Arca) con esperienza acquisita in analisi morfologica di biopsie muscolari con tecnica di microscopia ottica, analisi mutazionale del gene ATGL e del gene CGI-58 in pazienti con NLDM ed in pazienti con sindrome di CDS (Chanarin-Dorfman). Esperienza acquisita in tecnica di isolamento del DNA genomico dai leucociti dal sangue periferico (metodo di estrazione Quiagen), amplificazione del DNA genomico con coppie di primers disegnati con Oligo Explorer software (amplificazione), purificazione dei prodotti di PCR e sequenziamento con metodo BigDye Terminator Cycle Sequencing, ver. 3.1 Applied Biosystems in un sequenziatore automatico ABI 310 (Applied Biosystems), analisi dell’elettroferogramma con software Chromas e con Blast.

Attività progettuale

Progetti presentati ed assegnati (finanziati) a seguito di bando con ruolo Principal Investigator

- Progetto presentato ed assegnato, finanziato a seguito di bando con ruolo di Principal Investigator: **Progetto Ricerca Finalizzata GR** dal Titolo “Cross Sectional study to evaluate the interactions between gut microflora and immune system at the cross-road of the pathogenesis of Inflammatory Bowel Diseases and Irritable Bowel Syndrome.” - codice WFR GR-2011-02350817 - Destinatario Istituzionale: Istituto Superiore di Sanità - **Principal Investigator: Alessandra Lo Presti** - Convenzione n.120/GR-2011-02350817 - Data inizio attività: 10.11.2014 - Data fine progetto: 09.11.2018 - Data compilazione della Relazione finale per il Ministero della Salute: 06.01.2019 - Data Invio al Ministero della Salute tramite Workflow della ricerca delle Relazioni Finali, Allegati e rendiconti: 09.01.2019.
- Progetto presentato ed assegnato, finanziato a seguito di bando, con ruolo di Ricercatore principale: **Progetto Gilead Fellowship Program 2017**: Titolo Progetto: Valutazione epidemiologica e monitoraggio dell’infezione da HBV e HCV, in pazienti affetti da Lupus Eritematoso Sistemico mediante un nuovo modello di screening integrato dall’analisi filogenetica. Area di interesse e settore tematico: Area Epatiti B e C - Settore tematico: Popolazioni ad alto rischio per infezione da HBV e HCV: modelli di screening e linkare to care - Ente partecipante: Istituto Superiore di Sanità - **Ricercatore**

principale: Dott.ssa Alessandra Lo Presti - Convenzione data: 9.11.2017 - Proroga approvata dalla Gilead per la fine del Progetto: 6 dicembre 2020.

Partecipazione a Progetti in qualità di Collaboratore – Partecipante- co-Ricercatore – Co-Referente:

- Partecipante al progetto SeCOV+ (Project number: 101102366 – Type of action: EU4H Project Grants
- Partecipante nell’ambito della WP4.1 (Innovative models of One Health genomic surveillance) e Task Task 4.1.1 (Human emerging respiratory viruses) - Progetto INF-ACT - One Health Basic and Translational Research Actions addressing Unmet Needs on Emerging Infectious Diseases – finanziato da: European Union – NextGenerationEU
- Partecipante al progetto: INvestigating and tranSlating genomIc eviDence for public health rEsponse to SARS-CoV-2 (**INSIDE SARS-CoV-2**) - K.O.M. 13 June 2022
- Partecipazione al Progetto esecutivo-Programma **CCM 2021** dal titolo “Studio pilota per la sorveglianza epidemiologica e virologica del Virus Respiratorioo Sinciziale in Italia” – in qualità di Collaboratore nell’Unità Operativa 1 (Dip. Malattie Infettive, Istituto Superiore di Sanità – Coordinatore Scientifico: Prof.ssa Anna Teresa Palamara).
- Partecipazione in qualità di collaboratore al **Progetto CCM 2020** dal titolo “Caratterizzazione molecolare del virus pandemico SARS-CoV-2 in Italia” – **in qualità di Collaboratore nell’Unità Operativa 1** (Dip. Malattie Infettive, ISS) - ENTE CAPOFILA: Istituto Superiore di Sanità - ENTI PARTECIPANTI: Istituto Superiore di Sanità, INMI, IZS, Regione. Responsabile Scientifico: Paola Stefanelli.
- Partecipazione al **Progetto CCM 2020** dal titolo “Sorveglianza epidemiologica e controllo del COVID-19 in aree urbane metropolitane e per il contenimento della circolazione del SARS-CoV-2 nella popolazione immigrata in Italia” **in qualità di Collaboratore nell’ambito dell’ Unità Operativa 9** - Università di Palermo, Dipartimento di Promozione della Salute, Materno-Infantile, di Medicina Interna e Specialistica di Eccellenza “G. D’Alessandro” – PROMISE Laboratorio di Riferimento Regionale della Sicilia Occidentale per l’Emergenza COVID-19 - ENTE CAPOFILA: Dipartimento per le Attività Sanitarie e Osservatorio Epidemiologico – Assessorato della Salute – Regione Siciliana.
- Partecipazione nell’ambito del **Progetto Gilead Fellowship Program 2012** “Micro RNA: nuovi marcatori per la diagnosi di epatite B occulta” in qualità di esperta in filogenesi ed evoluzione; ruolo nel Progetto: altro ricercatore coinvolto nella realizzazione della ricerca - Ente partecipante: Istituto Superiore di Sanità ammesso al finanziamento.
- Partecipazione al **progetto Gilead Fellowship Program 2013** “Epidemiology of HIV-2 in immigrants in Italy, the role of subtypes and / or recombinant forms on antiretroviral therapy; study of the trend of the disease in different subtypes. Study on the resistance to antiretroviral drugs” (Fellowship Program Gilead, Ente partecipante: Istituto Superiore di Sanità – 2014 – 2015). ruolo nel Progetto: co - ricercatore.
- Partecipazione al progetto **Twinning Reference Number BG / 2007/IB/ SO/ 01/ UE/ TWL (Twinning Light Bulgaria)** - “Regulation, quality and standard operating procedure aspects in strengthening molecular-biology laboratories operating in communicable diseases surveillance in Bulgaria” ruolo nel progetto: esperta in epidemiologia e filogenesi. Anno: 2010.

Partecipazione al seguente brevetto:

Brevetto per la realizzazione di un test rapido per la identificazione del virus Ebola: "Use of amino acid sequences of Ebola virus and their antisense peptides for the immunological diagnosis of and viremia determination of Ebola virus infection." Bulgarian Patent, 12/12/2014, N° 111877 Applicant ProxAgen Ltd. Amicosante M, Montesano C., Ciccozzi M., Grifoni A., Minutolo A., Potestà A., Cella E., Giovanetti M., Lo Presti A., d'Agostino F. dal 12-12-2014 al 12-12-2015.

Partecipazione come Relatore a Congressi, Workshop, Corsi:

-Relatore al **Second Joint Virtual Seminar Italy- India** (progetto INSIDE SARS-CoV-2) – Titolo della presentazione: SARS-CoV-2: Evolutionary and Phylogenetics Insights - March 14, 2024

-Partecipazione all'attività di docenza frontale e pratica il 22, 23 e 24 giugno 2016, nell'ambito del modulo di filogenesi molecolare (del Master di II livello in "Virologia Molecolare" - Sapienza, Università di Roma) diretto dal Dott. Massimo Ciccozzi.

-Attività didattica nell'ambito del Master di II livello in "Virologia Molecolare" - Sapienza, Università di Roma per A.A. 2016-2017, relativa al seguente argomento "Analisi del segnale filogenetico e teoria delle distanze genetiche" ed attività didattica nell'ambito delle esercitazioni pratiche.

-Collaborazione all'attività di docenza del Prof. Massimo Ciccozzi, nell'anno accademico 2015/2016, nell'ambito della disciplina "Statistica sanitaria" 2° anno del corso di Laurea in Infermieristica presso la sede ex ASL RMC in convenzione con l'Università degli Studi di Roma Tor Vergata.

-Collaborazione all'attività di docenza del Prof. Massimo Ciccozzi, nell'anno accademico 2015/2016, nell'ambito della disciplina "Statistica Sanitaria" al Master di I livello in "Infermieristica clinica nel Paziente Critico" presso la sede ex ASL RMC in convenzione con l'Università degli Studi di Roma Tor Vergata.

-Collaborazione all'attività di docenza del Prof. Massimo Ciccozzi, nell'anno accademico 2015/2016, nell'ambito della disciplina "Statistica Sanitaria" al Master di I livello in "Management per le funzioni di Coordinamento Infermieristico e per le Professioni Sanitarie" presso la sede ex ASL RMC in convenzione con l'Università degli Studi di Roma Tor Vergata.

-Partecipazione in qualità di docente per la lezione dal titolo "Alberi filogenetici e metodi di ricostruzione filogenetica" al Master di II livello in "Virologia Molecolare" (Sapienza, Università di Roma), ed esercitazioni del 17, 18, 19 giugno 2015.

-Partecipazione come relatore alla **conferenza** dal titolo "Molecular epidemiology, phylogenetic and phylogeographic analysis of infectious diseases" Settembre 2015, Antananarivo, Madagascar dal 08-09-2015 al 17-09-2015.

-Attività di docenza dal 29-06-2015 al 03-07-2015 nell'ambito del corso "Applicazioni bioinformatiche nello studio dell'Epidemiologia molecolare e dell'evoluzione delle malattie infettive e delle zoonosi in sanità pubblica" – Sassari (Istituto Zooprofilattico Sperimentale della Sardegna - Aula di Informatica della Promocamera – Azienda Speciale della CCAA di Sassari) ed in qualità di Tutor (conseguimento di 5 Crediti Formativi E.C.M).

-Attività didattica di laboratorio nell'ambito del seminario specialistico "Filogenesi" nell' A.A. 2014-2015 nel corso del Master in Bioinformatica: applicazioni biomediche e farmaceutiche (Università La Sapienza di Roma- Direttore del Master: Prof. Stefano Pascarella).

-Collaborazione all'attività di docenza del Prof. Massimo Ciccozzi, nell'anno accademico 2014/2015, nell'ambito della disciplina "Statistica sanitaria" al Master di I livello in "Infermieristica clinica nel

paziente critico” presso la sede ASL RMC (Servizio Aziendale delle Professioni Sanitarie) in convenzione con l’Università degli Studi di Roma Tor Vergata.

-Partecipazione in qualità di Relatore dal 10 al 14 giugno 2013 al Corso di Perfezionamento in Bioinformatica applicata all’evoluzione molecolare e filogenesi degli agenti infettivi tenutosi a Milano (Università degli Studi di Milano- Dipartimento di Scienze Cliniche L. Sacco).

-Attività didattica di laboratorio nell’ambito del seminario specialistico “Filogenesi” nell’ A.A. 2013-2014 nel corso del Master in Bioinformatica: applicazioni biomediche e farmaceutiche (Università La Sapienza di Roma- Direttore del Master: Prof. Stefano Pascarella).

-Collaborazione in qualità di cultore della materia alle esercitazioni pratiche il 12 e 13 aprile 2012 nell’ambito del modulo di Filogenesi Molecolare (per il master di II livello in “Virologia Molecolare” Sapienza, Università di Roma) di cui sono stati titolari i docenti Dott. Massimo Ciccozzi e Dott. Gianguglielmo Zehender.

-Partecipazione in qualità di docente nell’ a.a. 2012-2013 alle esercitazioni del modulo sulla “Filogenesi ed epidemiologia molecolare dei virus” per il master di II livello in “Virologia Molecolare”, Sapienza, Università di Roma.

-Partecipazione in qualità di Relatore dal 18 al 22 giugno 2012 al Corso di Perfezionamento in Bioinformatica applicata all’evoluzione molecolare e filogenesi degli agenti infettivi tenutosi a Milano (Università degli Studi di Milano- Dipartimento di Scienze Cliniche L. Sacco).

-Partecipazione Relatore nell’ambito del **whorkshop “Molecular Epidemiology and phylogenesis of infectious diseases”** presso il “Medical Technology Centre, Medical Research Institute”, Università di Alexandria – Egitto dal 19-03-2012 al 21-03-2012.

-Attività di docenza ed esercitazioni svolte nell’ambito del Master (1° edizione) in “Tecniche di Bioinformatica e Epidemiologia molecolare applicate alle malattie infettive” tenutosi a Bari presso la sede operativa Abap per il 5°, 6° e 7° Modulo, nello specifico per le giornate: 28/09/2012, 29/09/2012, 12/10/2012, 20/10/2012, 27/10/2012, 23/11/2012, 24/11/2012.

-Partecipazione come relatore nell’ambito del **corso “Regulation, quality and standard operating procedure aspects in strengthening molecular - biology laboratories operating in communicable diseases surveillance in Bulgaria”** presso il National Center of Infectious and Parasitic Diseases (NCIPD), Sofia, Bulgaria dal 22-02-2010 al 26-02-2010.

-Partecipazione in qualità di Relatore dal 7 all’11 giugno 2010 al Corso di Perfezionamento in Bioinformatica applicata all’evoluzione molecolare e filogenesi degli agenti infettivi tenutosi a Milano (Università degli Studi di Milano- Dipartimento di Scienze Cliniche L. Sacco).

- Partecipazione in qualità di relatore, con comunicazione orale al Congresso **SIVIM 5 - 7** Maggio 2010 - **4° CONGRESSO NAZIONALE DI VIROLOGIA MEDICA** comunicazione orale dal titolo “HCV in Turkey: a new metodologic approach”. dal 05-05-2010 al 07-05-2010 (Italia).

-Partecipazione dall’ 08/06/2009 al 12/06/2009 al Corso di Perfezionamento in Bioinformatica applicata all’evoluzione molecolare e filogenesi degli agenti infettivi tenutosi a Milano (Università degli Studi di Milano- Dipartimento di Scienze Cliniche L. Sacco).

Poster accettati a convegni/congressi:

-Presenting Author dell’e-poster accettato al Congresso AMCLI 2023 (P327) – Titolo: **TRACKING THE**

SELECTIVE PRESSURE PROFILE AND GENE FLOW OF SARS-COV-2 DELTA VARIANT IN ITALY.

Alessandra Lo Presti¹, Angela Di Martino¹, Luigina Ambrosio¹, Luca De Sabato², Arnold Knijn², Gabriele Vaccari², Ilaria Di Bartolo², Stefano Morabito², Calogero Terregino³, Fabio Tramuto⁴, Maria Rosaria Capobianchi⁵, Anna Teresa Palamara¹, Paola Stefanelli¹

-Autore (Presenting Author) del seguente ePoster accettato alla conferenza ECCVID – ESCMID Conference on Coronavirus Disease (online) dal 23 al 25 Settembre 2020 dal titolo “Selective pressure along SARS-CoV-2 protein coding genes: A focus on the evolution and gene flows on surface glycoprotein”. **A. Lo Presti**, G. Rezza and P. Stefanelli.

-Co-autore del Poster accettato a Congresso: Anna Carannante, **Alessandra Lo Presti**, Arianna Neri, Cecilia Fazio, Paola Vacca, Luigina Ambrosio, Annapina Palmieri, Pasqualina Leone and Paola Stefanelli. Human factor H binding protein (fHBP) phylogenetic analysis in invasive *Neisseria meningitidis* B strains, Italy, in 4 years period. 15th EMGM (Congress of the European Meningococcal and Haemophilus Disease Society) 27- 30 May 2019. Lisbon.

-Presenting Author del poster accettato a Congresso: **A. Lo Presti** (Rome, Italy), A. Neri, C. Fazio, P. Vacca, L. Ambrosio, C. Grazian, B. Liseo, G. Rezza, P. Stefanelli. Evaluation of the spatio-temporal origin of C:P1.5-1,10- 8:F3-6:ST-11(cc11) meningococcal isolates in Italy through a Bayesian model. P0405. European Congress of Clinical Microbiology and Infectious Diseases. ECCMID 2019, Amsterdam 13 – 16 April 2019.

-Co-autore presentazione poster accettato al DDW: **Lo Presti, Alessandra**; Zorzi, Francesca; Altomare, Annamaria; Del Chierico, Federica, Cocca, Silvia; Avola, Alessandra; Cella, Eleonora; Calabrese, Emma; Biancone, Livia; Monteleone, Giovanni; Cicala, Michele; Angeletti, Silvia; Ciccozzi, Massimo; Putignani, Lorenza; Guarino, Michele Pier Luca. FECAL AND MUCOSAL MICROBIOTA PROFILING IN INFLAMMATORY BOWEL DISEASE AND IRRITABLE BOWEL SYNDROME: A FOCUS ON THE GENETIC DIVERSITY OF *AKKERMANTIA MUCINIPHILA*. Poster presentation during Digestive Disease Week® - San Diego Convention Center, San Diego, May 18-21, 2019. ID: 3156984.

-Autore (Presenting Author) del seguente Poster: **Lo Presti A**; Altomare A; Zorzi F; Angeletti S; Cella E; Putignani L; del Chierico F; Cocca S; Avola A; Monteleone G; Guarino MPL; Cicala M; Ciccozzi M. 2016. Studio trasversale per valutare le interazioni tra microflora intestinale e sistema immunitario al bivio della patogenesi delle malattie infiammatorie croniche intestinali e della Sindrome del colon irritabile. Conferenza Stati Generali della Ricerca Biomedica organizzata dal Ministero della Salute presso l'Auditorium del Massimo Roma, 27 e 28 Aprile 2016.

-Autore (Presenting Author) del seguente Poster accettato ad ICAR: Giuliani M; Maria M. Santoro MM; **Lo Presti A**; Cella E; Scognamiglio P; Lai A; Latini A; Fabeni L; Gori C; Pinnetti C; Girardi E; Perno CF; Zehender G; Ciccozzi M. Circulation of HIV-1 CRF02_AG among MSM Population in Central Italy: A Molecular Epidemiology-Based Study. ICAR 2014. Italian Conference on AIDS and Retroviruses. VI Congresso Nazionale. 25-27/05/2014. Rome –Italy.

-Autore (Presenting Author) del seguente Poster accettato alla SIVIM 2014: Ciccozzi M; **Lo Presti A**; Andreotti M; Mancinelli S; Ceffa S; Galluzzo MG; Buonomo E; Luhanga R; Jere H; Cella E; Scarcella P; Mirra M; Marazzi MC; Vella S; Palombi L; Giuliano M. VIRAL SEQUENCE ANALYSIS OF HIV-POSITIVE WOMEN AND THEIR INFECTED CHILDREN: INSIGHT ON THE TIMING OF INFECTION AND ON THE TRANSMISSION NETWORK. SIVIM 10- 12 Dicembre 2014. Roma.

-Autore (Presenting Author) del seguente Poster accettato alla ICAR 2013: **Lo Presti A**, Ciccozzi M, Gori C, Cella E, Lover D, Greco MF, Bertoli A, Vullo V, Perno CF, Ciotti M, Foley BT, Zehender G, D'Etorre G on behalf of the HIV-2 study group (2013). AN HIV-2 CASE SERIES IN ITALY: A PHYLOGENETIC ANALYSIS. In: ICAR 2013. Torino, Italia, 12-14 maggio 2013

-Co-autore del seguente Poster accettato ad ICAR 2013: Cella E, **Lo Presti A**, Ciccaglione AR, Equestre

M, Villano U, Bruni R, Tritarelli E, Yalcinkaya T, Lai A, Gabanelli E, Zehender G, Ciccozzi M (2013). RECONSTRUCTION OF EVOLUTIONARY DYNAMICS OF HBV-D1 GENOTYPE EPIDEMIC IN TURKEY. In: New Microbiologica ICAR 2013. NEW MICROBIOLOGICA, ISSN: 1121-7138

-Co-autore del seguente Poster ICAR 2013: Monteleone K, Di Maio P, Selvaggi C, Mauro E, Mazzuti L, Ciccozzi M, **Lo Presti A**, Falciano M, Mezzaroma I, D'Etto G, Turriziani O, Antonelli G, Scagnolari C (2013). SAMHD1: IN VIVO EXPRESSION AND INTERACTIONS WITH IFN SYSTEM IN HIV-1 INFECTED PATIENTS. In: NEW MICROBIOLOGICA ICAR 2013. NEW MICROBIOLOGICA, ISSN: 1121-7138, Torino, 12-14 Maggio 2013

-Autore (Presenting Author) del seguente Poster accettato ad ICAR 2012: **Lo Presti A**, Ciccaglione AR, Equestre M, Costantino A, Marascio N, Quirino A, Bruni R, Liberto MC, Focà A, Pisani G, Zehender G, Ciccozzi M (2012). Hepatitis C Virus genotype 4d in Southern Italy: reconstruction of its origin and spread by a phylodynamic analysis. In: ICAR 2012. Napoli, 10-12 Giugno 2012

Altre pubblicazioni / Co-autore nei seguenti Meeting Abstract:

-Co-autore nel seguente Meeting Abstract: OC-(EMGM2019-13209) - EVALUATION OF THE DEMOGRAPHY RECONSTRUCTION AND EPIDEMIC BEHAVIOR OF C:P1.5-1,10-8:F3-6:ST-11(CC11) NEISSERIA MENINGITIDIS ISOLATES CIRCULATING IN ITALY. Giovanni Rezza¹, **Alessandra Lo Presti**¹, Arianna Neri¹, Cecilia Fazio¹, Paola Vacca¹, Paola Stefanelli¹. 1 - Dept. Infectious Diseases, Istituto Superiore di Sanità, Rome, Italy. 15 th EMGM Congress (27-30 May 2019) - Lisbon, Portugal

Meeting Abstract: co-autore nel seguente Meeting Abstract: MOLECULAR EPIDEMIOLOGY OF HEPATITIS B VIRUS GENOTYPES CIRCULATING IN ACUTE HEPATITIS B PATIENTS IN CAMPANEA AREA. Sagnelli, C (Sagnelli, C.) [1]; Ciccozzi, M (Ciccozzi, M.) [2]; Pisaturo, M (Pisaturo, M.) [3]; Zehender, G (Zehender, G.) [4]; **Lo Presti, A** (Lo Presti, A.) [2]; Messina, V (Messina, V.) [5]; Alessio, L (Alessio, L.) [3]; Tonziello, G (Tonziello, G.) [3]; Starace, M (Starace, M.) [3]; Greco, MF (Greco, M. F.) [2]; Lovero, D (Lovero, D.) [2]; Sagnelli, E (Sagnelli, E.) [3]; Coppola, N (Coppola, N.) [3]. JOURNAL OF HEPATOLOGY. Volume 60 Issue 1 Page S296-S296 Supplement S - Meeting Abstract P682 DOI: 10.1016/S0168-8278(14)60844-8. Published: April 2014. Meeting 49th Annual International Liver Congress of the European-Association-for-the-Study-of-the-Liver Location London, ENGLAND Date APR 09-13, 2014 Sponsor European Assoc Study Liver.

Meeting Abstract: co-autore nel seguente Meeting Abstract: High frequency of man having sex with man with unknown duration of infection in epidemiological networks involving primary resistance in HIV-1 naive individuals. By Lai, A (Lai, A.) [1]; Violin, M (Violin, M.)^[1]; Ebranati, E (Ebranati, E.)^[1]; Franzetti, M (Franzetti, M.)^[1]; **Lo Presti, A** (Lo Presti, A.)^[2]; Rossini, V (Rossini, V.)^[1]; Ranghiero, A (Ranghiero, A.)^[1]; Simonetti, F (Simonetti, F.)^[1]; Meraviglia, P (Meraviglia, P.)^[3]; Rizzardini, G (Rizzardini, G.)^[3]; Gismondo, MR (Gismondo, M. R.)^[4]; Galli, M (Galli, M.)^[1]; Zehender, G (Zehender, G.)^[1]; Balotta, C (Balotta, C.) [1]. INFECTION. ISSN: 0300-8126. Volume 38 – Page 17-17 – Supplement 1. Published JUN 10 2010. Document Type Meeting Abstract Indexed 2010-06-10.

Meeting Abstract: Co-autore nel seguente Meeting Abstract: HBV Evolution and Drug Resistance Emergence in HIV-HBV Co-infected Patients depends upon the Synergistic Interaction between Immunological and Pharmacological Selective Pressure. By: Cento, V (Cento, V.) [1]; Salpini, R (Salpini, R.) [1]; **Lo Presti, A** (Lo Presti, A.) [2]; Gori, C (Gori, C.) [3]; Bertoli, A (Bertoli, A.) [4]; Marcuccilli, F (Marcuccilli, F.) [4]; Arlotti, M (Arlotti, M.) [5]; Puoti, M (Puoti, M.) [6]; Ladisa, N (Ladisa, N.) [7]; Rizzardini, G (Rizzardini, G.) [8]; Ciccozzi, M (Ciccozzi, M.) [2]; Monforte, AD (Monforte, A. D'Arminio) [9]; Perno, CF (Perno, C. F.) [1]; Svicher, V (Svicher, V.) [1]. INFECTION. Volume 38 Page 34-34 Supplement 1. JUN 10 2010.

Partecipazione a numerosi Corsi, Workshop, Convegni fra cui è possibile evidenziare:

Partecipazione al corso “Basic Next Generation Sequencing procedures” dal 4 al 6 aprile 2016 a Busto Arsizio, presso l’Università degli studi dell’Insubria, Dipartimento di Scienze Teoriche e Applicate.

Partecipazione al seguente Workshop: “19th International Bioinformatics Workshop on Virus Evolution and Molecular Epidemiology 19th VEME” presso l’Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “Lazzaro Spallanzani” dal 7 al 12 settembre 2014.

Partecipazione il 18 e 19 novembre 2013 (Roma) all’Illumina User Group Meeting.

Partecipazione alla conferenza online “ECCVID – ESCMID Conference on Coronavirus Disease” dal 23 al 25 Settembre 2020.

Partecipazione al corso “Biostatistics I Principle of Epidemiology” 4-9 Giugno 2012 nell’ambito della “Summer School on Modern Methods in Biostatistics and Epidemiology”, Cison Di Valmarino, Treviso, Italy.

Partecipazione il 04/02/2014 al Seminario online dal titolo: “Microbiome: From identification to characterization” organizzato dalla QIAGEN.

Partecipazione e frequentazione del corso “Epi Info, corso base” presso l’Istituto Superiore di Sanità nei giorni 30 giugno 2009, e 1,2,3 luglio 2009 per un totale di 28 ore di formazione.

Partecipazione al XIX Corso Introduttivo di Farmacoepidemiologia dal 21 al 25 marzo 2011, presso l’Istituto Superiore di Sanità (organizzato CNESPS) per un totale di 29 ore di formazione.

Partecipazione al Corso: “Acquacoltura: aspetti ambientali ed alimentari” Roma, 8-9 ottobre 2013. Istituto Superiore di Sanità (in collaborazione con Università “Tor Vergata” Dip.to Sanità Pubblica Veterinaria e Sicurezza Alimentare.

Partecipazione al Convegno “Tubercolosi, HIV, e Migrazione: Una reale emergenza?” Istituto Superiore di Sanità (organizzato da Unità Operativa Psico-Socio-Comportamentale, Comunicazione e Formazione), Dipartimento malattie Infettive, Parassitarie ed Immunomediate - Roma, 19 maggio 2011.

Workshop “Indagine sulle malattie sessualmente trasmissibili (MST) nelle scuole secondarie superiori della provincia di Bari - 12 Gennaio 2013 (Abap) presso Auditorium Istituto Professionale R. Gorbux – N. Tridente.

Partecipazione al Modulo Formativo: L’informazione sull’infezione da HIV/AIDS/IST in ambito scolastico - Corso di formazione/ aggiornamento rivolto ad operatori impegnati in strategie di prevenzione dell’infezione da HIV/AIDS/IST mirate alla popolazione giovanile. Roma, 15 Ottobre 2012- Istituto Superiore di Sanità.

Partecipazione a: Studio Epidemiologico delle Nuove Diagnosi di Infezione da HIV nel Lazio (SENDIH) WORKSHOP PERIODICO – “Dialogo fra pratica Clinica, Virologia e Epidemiologia molecolare”. Roma, 15 Gennaio 2013 presso Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “Lazzaro Spallanzani” I.R.C.C.S.

Partecipazione al XII CONVEGNO dell’Italian National Focal Point Infectious Diseases and Migrant: “La copertura vaccinale nelle popolazioni migranti e nelle popolazioni marginali” Istituto Superiore di Sanità, 28 maggio 2013.

Partecipazione all’evento organizzato dall’ Associazione “Giuseppe Dossetti: i Valori- Sviluppo e Tutela dei Diritti”: I Vaccini: Sicurezza per i cittadini e Risparmio per il SSN. Roma, 8 febbraio 2017, Senato della Repubblica, Biblioteca del Senato “Giovanni Spadolini” - Sala degli Atti parlamentari.

Partecipazione all’8 Forum Sivim “I virus dell’epatite” Patogenesi, terapia e monitoraggio dell’infezione: attualità e prospettive. Roma, 12-13-14 Dicembre 2011. Aula Convegni CNR. Piazzale Aldo Moro, 7 -Roma.

Partecipazione al “6° Congresso Nazionale SIVIM”. Roma, 10-11-12 Dicembre 2014. CNR. Piazzale Aldo Moro, 7 -Roma.

Partecipazione al XIII Convegno dell’Italian National Focal Point Infectious Diseases and Migrant “Salute e Migrazione: Nuovi scenari internazionali e nazionali” – Roma, 17 febbraio 2015, Istituto Superiore di Sanità.

Partecipazione al Congresso HIV, Focus on Dalla precocità della diagnosi al governo clinico. Roma, 4 luglio 2014 – IFO.

Partecipazione alla Giornata di Studio “Metodologie microbiologiche per le acque industriali utilizzate nel settore dei dispositivi medici” Istituto Superiore di Sanità, Roma, 1 ottobre 2013.

Partecipazione all’evento organizzato dall’ Associazione “Giuseppe Dossetti: i Valori- Sviluppo e Tutela dei Diritti”: Una nuova resistenza contro la sfida globale dei *superbatteri*. Roma, 21 settembre 2016 (Pinacoteca del Tesoriere – Palazzo Patrizi, Roma).

Partecipazione al Convegno “Vaccinazioni e loro impatto sulla salute del cittadino. Quale coinvolgimento per il professionista infermiere”. Roma, 22 marzo 2018. Istituto Superiore di sanità (3,5 crediti formativi).

Corso di formazione generale per lavoratori (in modalità e-learning). 2013, Istituto Superiore di Sanità.

Corso di formazione specifica per lavoratori il 19 e 21 gennaio 2015. Istituto Superiore di Sanità.

Partecipazione al “Corso di aggiornamento IVIG efficacia biologica, immunomodulazione, impiego clinico” Azienda Ospedaliera Sant’ Andrea Roma, Roma 19-20 Settembre 2008 (7 crediti formativi E.C.M.).

Partecipazione al seminario di formazione / aggiornamento: Comunicazione efficace in ambito scolastico: obiettivi e strategie di intervento. Roma, 11 Ottobre 2011. Istituto Superiore di Sanità.

Partecipazione al Convegno “Le immunodeficienze: implicazioni diagnostico-cliniche, comunicativo-relazionali e gestione assistenziale” Roma, 24 novembre 2010. Istituto Superiore di Sanità.

Partecipazione al Convegno “Prima Giornata Europea degli Antibiotici”, Roma, 18 Novembre 2008 (Istituto Superiore di Sanità).

Partecipazione al Convegno “Salute e transculturalità. L’impegno scientifico e il contributo operativo del National Focal Point Italiano” – Roma, 4 giugno 2009 (Istituto Superiore di Sanità).

Corso “Strutturazione di una dieta in condizioni fisiologiche” organizzato dall’ ABNI (Associazione Biologi Nutrizionisti Italiani) a Roma 3-4-5 Aprile 2009 (18 Crediti formativi).

Partecipazione al Workshop “prevenzione e terapia delle tossicodipendenze e delle malattie correlate all’uso di droghe” - 20 Maggio 2009- Roma – Sala Gonzaga (Via della Consolazione, 4- Roma).

Partecipazione al corso esecutore rianimazione cardiopolmonare e defibrillazione (BLSD) in età adulta e pediatrica (“Full D”) per la popolazione (corso BLSD/PBLSD), ed autorizzazione all’uso del defibrillatore semiautomatico esterno secondo la normativa vigente (Centro di Formazione CRI AREA METROPOLITANA DI ROMA CAPITALE accreditato dalla Regione Lazio) organizzato da Croce Rossa Italiana, Roma, 22 Febbraio 2020 (Via Ramazzini, 31).

Partecipazione al seminario “Pubblicare in open access. Come, dove, perché” il 26/22/2019 presso la Biblioteca dell’Istituto Superiore di Sanità.

Corso sulla sicurezza informatica il 6 novembre 2019 –Roma, Istituto Superiore di Sanità.

Partecipazione evento formativo FAD dal titolo “La sicurezza microbiologica degli Alimenti” (Provider: Ordine Nazionale dei Biologi evento FAD n. 255725 dal 03/03/2019 al 03/09/2019) e di aver conseguito 3 crediti formativi E.C.M. nella professione Biologo.

Partecipazione al webinar “Gli italiani e gli antibiotici: informazione, utilizzo e consapevolezza del fenomeno dell’antimicrobico resistenza “il 18 novembre 2020 - evento formativo n. 310035, edizione n. 1, denominato «Gli italiani e gli antibiotici: informazione, utilizzo e consapevolezza del fenomeno dell’antimicrobico resistenza» e di aver conseguito N. 3.60 (trevirgolasessanta) Crediti Formativi E.C.M.

Corso Emergenza Covid -19 nell'ambito della Salute e Sicurezza sul lavoro (ISS) - 2020.

Partecipazione al Convegno "II° Convegno MoRoNet. La Rete Nazionale dei Laboratori di Riferimento per il Morbillo e la Rosolia" tenutosi a Roma presso l'Istituto Superiore di Sanità il 4 aprile 2019 e di aver conseguito 5 crediti formativi E.C.M. (professione Biologo).

Partecipazione al Convegno "Global Blood Product Safety" tenutosi a Roma presso l'Istituto Superiore di Sanità il 10 aprile 2019 e di aver conseguito 2,8 crediti formativi E.C.M. (professione Biologo).

Partecipazione alla conferenza tenuta dal Prof. Fabrizio Conti sul seguente tema "Lupus eritematoso sistemico: dalla patogenesi alla clinica" il 28 febbraio 2019, Roma, Accademia Medica di Roma.

Partecipazione al Convegno "Una giornata all'Istituto Superiore di Sanità dedicata ai giovani. Istituzioni a confronto per la prevenzione delle Infezioni a Trasmissione Sessuale". Roma, 27 novembre 2019, Istituto Superiore di Sanità.

Partecipazione al Convegno "Violenza di genere: l'impegno dell'ISS nelle azioni di contrasto e prevenzione per l'assistenza alle donne vittime di violenza" Roma, 28 novembre 2019. Istituto Superiore di Sanità.

Partecipazione al Congresso ECCMID - 29th European Congress of Clinical Microbiology and Infectious Diseases (ECCMID) dal 13 - 16 Aprile 2019 – Amsterdam e di aver conseguito 12 CME credit(s). (poster accettato al Congresso).

Partecipazione al Convegno "Salute mentale, stili di vita e malattie infettive nella popolazione migrante" - 16 febbraio 2012 (Istituto Superiore di Sanità).

Partecipazione al Corso di aggiornamento "Sistemi di regolazione con immunoglobuline dalla terapia sostitutiva al controllo biologico della risposta immunitaria" il 9-10 ottobre 2009 Azienda Ospedaliera Sant'Andrea- Roma.

Partecipazione al Corso di Perfezionamento in Bioinformatica applicata all'evoluzione molecolare e filogenesi degli agenti infettivi" dall'8.06.2009 al 12.06.2009 Università degli Studi di Milano.

Attività di revisione di articoli per riviste scientifiche

Journal of Clinical Virology, Plos One, PeerJ, AIDS RESEARCH HUMAN RETROVIRUSES ecc.

"Editorial board member":

Editor per la rivista PeerJ (<https://peerj.com/Alessandra/#contributions>).

Pubblicazione – Libro:

-Libro pubblicato: Massimo Ciccozzi, **Alessandra Lo Presti**. The history of Chikungunya virus: Origin and evolution. Editore: Edizioni Accademiche Italiane, 2018 (ISBN: 978-620-2-44985-4).

Pubblicazioni scientifiche:

1. **Lo Presti, A.**; Ambrosio, L.; Di Martino, A.; Knijn, A.; De Sabato, L.; Vaccari, G.; Di Bartolo, I.; Morabito, S.; Palamara, A.T.; Stefanelli, P.; et al. Selective Pressure and Evolution of SARS-CoV-2 Lineages BF.7 and BQ.1.1 Circulating in Italy from July to December 2022. *Microorganisms* **2024**, *12*, 908. <https://doi.org/10.3390/microorganisms12050908>

2. Pubblicazione: **Lo Presti A**, Rubino S, Ibba G, Ambrosio L, Di Martino A, Ferraro F, Rapiti A, Maraglino F, Frisicale EM, Rezza G, Angioj F, Uzzau S, Contini ML, Manca S, Coghe F, Orrù G, Palamara AT, Stefanelli P; AOUSS COVID team. An outbreak of COVID-19 after a pilgrimage to Medjugorje due to Delta sub-lineages. *J Infect Dev Ctries*. 2024 Mar 31;18(3):332-336. doi: 10.3855/jidc.18652.PMID: 38635610
3. Pubblicazione: **Lo Presti A**, Di Martino A, Ambrosio L, De Sabato L, Knijn A, Vaccari G, Di Bartolo I, Morabito S, Terregino C, Fusaro A, Monne I, Giussani E, Tramuto F, Maida CM, Mazzucco W, Costantino C, Rueca M, Giombini E, Gruber CEM, Capobianchi MR, Palamara AT, Stefanelli P, On Behalf Of The Italian Genomic Laboratory Network. Tracking the Selective Pressure Profile and Gene Flow of SARS-CoV-2 Delta Variant in Italy from April to October 2021 and Frequencies of Key Mutations from Three Representative Italian Regions. *Microorganisms*. 2023 Oct 27;11(11):2644. doi: 10.3390/microorganisms11112644. PMID: 38004656; PMCID: PMC10673055. IF: 4.5
4. Pubblicazione: Borghi M, Gallinaro A, Pirillo MF, Canitano A, Michelini Z, De Angelis ML, Cecchetti S, Tinari A, Falce C, Mariotti S, Capocéfalo A, Chiantore MV, Iacobino A, Di Virgilio A, van Gils MJ, Sanders RW, **Lo Presti A**, Nisini R, Negri D, Cara A. Different configurations of SARS-CoV-2 spike protein delivered by integrase- defective lentiviral vectors induce persistent functional immune responses, characterized by distinct immunogenicity profiles. *Front Immunol*. 2023 Apr 5;14:1147953. doi: 10.3389/fimmu.2023.1147953. PMID: 37090707; PMCID: PMC10113491. IF: 7.3
5. Pubblicazione: **Lo Presti A**, Carannante A, Fazio C, Neri A, Vacca P, Ambrosio L, Lista F, Fillo S, Stefanelli P. FHbp variants among meningococci of serogroup B in Italy: Evolution and selective pressure, 2014-2017. *PLoS One*. 2023 Feb 16;18(2):e0277976. doi: 10.1371/journal.pone.0277976. PMID: 36795654; PMCID: PMC9934395. IF: 3.7
6. Pubblicazione: Petrone D, Mateo-Urdiales A, Sacco C, Riccardo F, Bella A, Ambrosio L, **Lo Presti A**, Di Martino A, Ceccarelli E, Del Manso M, Fabiani M, Stefanelli P, Pezzotti P, Palamara A; Italian Integrated Surveillance of COVID-19. Reduction of the risk of severe COVID-19 due to Omicron compared to Delta variant in Italy (November 2021 - February 2022). *Int J Infect Dis*. 2023 Apr; 129:135-141. doi: 10.1016/j.ijid.2023.01.027. Epub 2023 Jan 26. PMID: 36708869; PMCID: PMC9877142. IF: 8.4
7. Pubblicazione: **Lo Presti A**, Del Chierico F, Altomare A, Zorzi F, Monteleone G, Putignani L, Angeletti S, Cicala M, Guarino MPL, Ciccozzi M. Phylogenetic analysis of *Prevotella copri* from fecal and mucosal microbiota of IBS and IBD patients. *Therap Adv Gastroenterol*. 2023 Jan 10; 16:17562848221136328. doi: 10.1177/17562848221136328. PMID: 36644130; PMCID: PMC9837282. IF: 4.2
8. Pubblicazione: Schiavoni I, Olivetta E, Natalucci F, Olivieri G, **Lo Presti A**, Fedele G, Stefanelli P, Ceccarelli F, Conti F. Evidence of immune response to BNT162b2 COVID-19 vaccine in systemic lupus erythematosus patients treated with Belimumab. *Lupus*. 2023 Mar;32(3):394-400. doi: 10.1177/09612033221151012. Epub 2023 Jan 6. PMID: 36607313; PMCID: PMC9833998. IF: 2.6

9. Pubblicazione: **Lo Presti A**, Ceccarelli F, Dorrucchi M, Farchi F, Pirone C, Garufi C, Valdarchi C, Spinelli FR, Alessandri C, Chionne P, Madonna E, Pisani G, Martina A, Simeoni M, Bruni R, Ciccozzi M, Iaiani G, Ciccaglione AR, Spada E, Conti F. Hepatitis B and C virus infection in patients with Systemic and Cutaneous Lupus Erythematosus. *New Microbiol.* 2022 Dec;45(4):296-303. PMID: 36538293. IF: 1.8

10. Pubblicazione: Villano U, Mataj E, Dorrucchi M, Farchi F, Pirone C, Valdarchi C, Equestre M, Madonna E, Bruni R, Pisani G, Martina A, Simeoni M, Iaiani G, Ciccozzi M, Ciccaglione AR, Conti F, Ceccarelli F, **Lo Presti A**. Molecular Characterization of Hepatitis B Virus Infection in a Patient with Cutaneous Lupus Erythematosus. *Diagnostics (Basel)*. 2022 Nov 19;12(11):2866. doi: 10.3390/diagnostics12112866. PMID: 36428926; PMCID: PMC9689093. IF: 3.6

11. Pubblicazione: Stefanelli P, Trentini F, Petrone D, Mammone A, Ambrosio L, Manica M, Guzzetta G, d'Andrea V, Marziano V, Zardini A, Molina Grane' C, Ajelli M, Di Martino A, Riccardo F, Bella A, Sane Schepisi M, Maraglino F, Poletti P, Palamara AT, Brusaferrero S, Rezza G, Pezzotti P, Merler S; Genomic SARS-CoV-2 National Surveillance Working Group; Italian Integrated Surveillance of COVID-19 Study Group; Italian Integrated Surveillance of COVID-19 Study Group; Genomic SARS-CoV-2 National Surveillance Working Group. Tracking the progressive spread of the SARS-CoV-2 Omicron variant in Italy, December 2021 to January 2022. *Euro Surveill.* 2022 Nov;27(45):2200125. doi: 10.2807/1560-7917.ES.2022.27.45.2200125. PMID: 36367013; PMCID: PMC9650705. IF: 19

12. Pubblicazione: Luigina Ambrosio#, Matteo Chiara #, **Alessandra Lo Presti#**, Piero Poletti#, Claudia Alteri, Davide Cacchiarelli, Valentina Bouchè, Michele Morgante, Andrea Ballabio, Carlo Federico Perno, Stefano Merler, Graziano Pesole, Paola Stefanelli*. SARS-CoV-2 variants: what have we learnt so far? # **These authors contributed equally**. *Ann Ist Super Sanità* 2022. Apr-Jun;58(2):81-84. doi: 10.4415/ANN_22_02_02. PMID: 35722793. IF: 1.663.

13. Pubblicazione: **Alessandra Lo Presti***, Ferdinando Coghe, Angela Di Martino, Sara Fais, Riccardo Cappai, Manuela Marra, Maria Carollo, Marco Crescenzi, Germano Orrù, Giovanni Rezza and Paola Stefanelli. First detection of SARS-CoV-2 lineage A.27 in Sardinia, Italy. *Ann Ist Super Sanità* 2022 | Vol. 58, n. 1. * **corresponding author**. IF: 1.663.

14. Pubblicazione: **Alessandra Lo Presti***, Angela Di Martino, Giovanni Faggioni, Francesco Giordani, Silvia Fillo, Anna Anselmo, Vanessa Vera Fain, Antonella Fortunato, Giancarlo Petralito, Filippo Molinari, Stefano Palomba, Riccardo De Santis, Stefano Fiore, Concetta Fabiani, Giuseppina Di Mario, Marzia Facchini, Laura Calzoletti, Florigio Lista, Giovanni Rezza and Paola Stefanelli. Analysis of Genomic Characteristics of SARS-CoV-2 in Italy, 29 January to 27 March 2020. ***corresponding author**. *Viruses* 2022, 14(3), 472. <https://doi.org/10.3390/v14030472>. Pubblicato on line su rivista *Viruses*. IF: 5.048.

15. Pubblicazione: Funk T, Pharris A, Spiteri G, Bundle N, Melidou A, Carr M, Gonzalez G, Garcia-Leon A, Crispie F, O'Connor L, Murphy N, Mossong J, Vergison A, Wienecke-Baldacchino AK, Abdelrahman T, Riccardo F, Stefanelli P, Di Martino A, Bella A, **Lo Presti A**, Casaca P, Moreno J, Borges V, Isidro J, Ferreira R, Gomes JP,

- Dotsenko L, Suija H, Epstein J, Sadikova O, Sepp H, Ikonen N, Savolainen-Kopra C, Blomqvist S, Möttönen T, Helve O, Gomes-Dias J, Adlhoch C; COVID study groups. Characteristics of SARS-CoV-2 variants of concern B.1.1.7, B.1.351 or P.1: data from seven EU/EEA countries, weeks 38/2020 to 10/2021. *Euro Surveill.* 2021 Apr;26(16):2100348. doi: 10.2807/1560-7917.ES.2021.26.16.2100348.PMID: 33890566. IF: 6.307.
16. Pubblicazione: Marascio N, Costantino A, Taffon S, **Lo Presti A**, Equestre M, Bruni R, Pisani G, Barreca GS, Quirino A, Treçarichi EM, Costa C, Mazzitelli M, Serapide F, Matera G, Torti C, Liberto MC, Ciccaglione AR. Phylogenetic and Molecular Analyses of More Prevalent HCV1b Subtype in the Calabria Region, Southern Italy. *J Clin Med.* 2021 Apr 13;10(8):1655. doi: 10.3390/jcm10081655.PMID: 33924449. IF: 4.242.
 17. Pubblicazione: Altomare A, Del Chierico F, Rocchi G, Emerenziani S, Nuglio C, Putignani L, Angeletti S, **Lo Presti A**, Ciccozzi M, Russo A, Cocca S, Ribolsi M, Muscaritoli M, Cicala M, Guarino MPL. Association between Dietary Habits and Fecal Microbiota Composition in Irritable Bowel Syndrome Patients: A Pilot Study. *Nutrients.* 2021 Apr 27;13(5):1479. doi: 10.3390/nu13051479.PMID: 33925672. IF: 5.719.
 18. Pubblicazione: Faggioni G, Stefanelli P, Giordani F, Fillo S, Anselmo A, Vera Fain V, Fortunato A, Petralito G, Molinari F, **Lo Presti A**, Di Martino A, Palomba S, De Santis R, Rezza G, Lista F. Identification and characterization of SARS-CoV-2 clusters in the EU/EEA in the first pandemic wave: additional elements to trace the route of the virus. *Infect Genet Evol.* 2021 Dec; 96:105108. doi: 10.1016/j.meegid.2021.105108. Epub 2021 Oct 9.PMID: 34637920. IF: 3.342.
 19. Pubblicazione: Giufrè M, Dorrucchi M, **Lo Presti A**, Farchi F, Cardines R, Camilli R, Pimentel de Araujo F, Mancini F, Ciervo A, Corongiu M, Pantosti A, Cerquetti M, Valdarchi C; FIMMG Group. Nasopharyngeal carriage of *Haemophilus influenzae* among adults with co-morbidities. *Vaccine.* 2022 Jan 31;40(5):826-832. doi: 10.1016/j.vaccine.2021.12.030. Epub 2021 Dec 21. PMID: 34952754. IF: 3.641.
 20. Pubblicazione: Stefanelli P, Trentini F, Guzzetta G, Marziano V, Mammone A, Sane Schepisi M, Poletti P, Molina Grané C, Manica M, Del Manso M, Andrianou X, Ajelli M, Rezza G, Brusaferrero S, Merler S; **COVID-19 National Microbiology Surveillance Study Group**. Co-circulation of SARS-CoV-2 Alpha and Gamma variants in Italy, February and March 2021. *Euro Surveill.* 2022 Feb;27(5):2100429. doi: 10.2807/1560-7917.ES.2022.27.5.2100429.PMID: 35115077. IF: 6.307.
 21. Pubblicazione: Tramuto* F, Reale* S, **Lo Presti*** A, Vitale F, Pulvirenti C, Rezza G, Vitale F, Purpari G, Maida CM, Zichichi S, Scibetta S, Mazzucco W, Stefanelli P. Genomic Analysis and Lineage Identification of SARS-CoV-2 Strains in Migrants Accessing Europe Through the Libyan Route. *Front Public Health.* 2021 Apr 15;9: 632645. doi: 10.3389/fpubh.2021.632645. PMID: 33937168. ***equal contribution.** IF: 3.709.
 22. Pubblicazione: Ceccarelli F*, Lo Presti A*, Olivieri G, Angeletti S, Perricone C, Garufi C, Iaiani G, De Florio L, Antonelli F, De Cesaris M, Giordano A, Amori L, Spinelli FR, Alessandri C, Valesini G, Ciccozzi M, Conti F. Genetic diversity of *Staphylococcus aureus* influences disease phenotype of systemic lupus erythematosus. *Rheumatology (Oxford).* 2021 Feb 1; 60(2):958-966. doi: 10.1093/rheumatology/keaa519. PMID: 32995882. ***these authors equally contributed.** IF: 7.580.
 23. Pubblicazione: **Lo Presti A***, Bruni R, Villano U, Marcantonio C, Equestre M, Ciuffetelli M, Grimaldi A, Suffredini E, Di Pasquale S, De Medici D, Ciccaglione AR. Phylogenetic analysis and epidemiological history of Hepatitis E virus 3f and 3c in swine and wild boar, Italy. *Heliyon.* 2020 Oct 14;6(10): e05110. doi: 10.1016/j.heliyon.2020.e05110. PMID: 33088938; PMCID: PMC7567929. *** corresponding author.** IF: 0.46.

24. Pubblicazione: **Lo Presti A**, Rezza G, Neri A, Fazio C, Ambrosio L, Palmieri A, Vacca P, Stefanelli P. Gene flow and Bayesian phylogeography of serogroup C meningococci circulating in Italy. *Ann Ist Super Sanita*. 2020 Oct-Dec; 56(4):430-436. doi: 10.4415/ANN_20_04_04. PMID: 33346168. IF: 1.663.
25. Pubblicazione: **Lo Presti A***, Rezza G, Stefanelli P. Selective pressure on SARS-CoV-2 protein coding genes and glycosylation site prediction. *Heliyon*. 2020 Sep; 6(9):e05001. doi: 10.1016/j.heliyon.2020.e05001. Epub 2020 Sep 21. PMID: 32984566; PMCID: PMC7505600. * **corresponding author**. IF: 0.46.
26. Pubblicazione: **Lo Presti A**, Vacca P, Neri A, Fazio C, Ambrosio L, Rezza G, Stefanelli P. Estimates of the reproductive numbers and demographic reconstruction of outbreak associated with C:P1.5-1,10-8:F3-6:ST-11(cc11) *Neisseria meningitidis* strains. *Infect Genet Evol*. 2020 Oct;84:104360. doi: 10.1016/j.meegid.2020.104360. Epub 2020 May 11. PMID:32407793. IF: 3.342.
27. Pubblicazione: Stefanelli P, Faggioni G, **Lo Presti A**, Fiore S, Marchi A, Benedetti E, Fabiani C, Anselmo A, Ciammaruconi A, Fortunato A, De Santis R, Fillo S, Capobianchi MR, Gismondo MR, Ciervo A, Rezza G, Castrucci MR, Lista F, On Behalf Of Iss Covid-Study Group. Whole genome and phylogenetic analysis of two SARS- CoV-2 strains isolated in Italy in January and February 2020: additional clues on multiple introductions and further circulation in Europe. *Euro Surveill*. 2020 Apr; 25(13):2000305. doi: 10.2807/1560-7917.ES.2020.25.13.2000305. PMID: 32265007; PMCID:PMC7140597. IF: 6.307.
28. Pubblicazione: **Lo Presti A**, Neri A, Fazio C, Vacca P, Ambrosio L, Grazian C, Liseo B, Rezza G, Maiden MCJ, Stefanelli P. Reconstruction of Dispersal Patterns of Hypervirulent Meningococcal Strains of Serogroup C:cc11 by Phylogenomic Time Trees. *J Clin Microbiol*. 2019 Dec 23;58(1): e01351-19. doi: 10.1128/JCM.01351-19. PMID: 31666361; PMCID: PMC6935922. IF: 5.897.
29. Pubblicazione: **Lo Presti A***, Del Chierico F, Altomare A, Zorzi F, Cella E, Putignani L, Guarino MPL, Monteleone G, Cicala M, Angeletti S, Ciccozzi M. Exploring the genetic diversity of the 16S rRNA gene of *Akkermansia muciniphila* in IBD and IBS. *Future Microbiol*. 2019 Nov; 14:1497-1509. doi: 10.2217/fmb-2019-0175. Epub 2019 Dec 18. PMID: 31850811. * **corresponding author**. IF: 2.907.
30. Pubblicazione: **Lo Presti A**, Farcomeni S, Fontanelli Sulekova L, Grieco S, Sernicola L, Baesso M, Maggiorella MT, Angeletti S, Foley B, Ciccozzi M, Taliani G, Borsetti A. Characterization of HIV-1 Subtypes Among South Sudanese Patients. *AIDS Res Hum Retroviruses*. 2019 Oct;35(10):968-971. doi: 10.1089/AID.2019.0133. Epub 2019 Aug 8. PMID: 31280584. IF: 1.823.
31. Pubblicazione: **Lo Presti A* †**, Zorzi F †, Del Chierico F*, Altomare A, Cocca S, Avola A, De Biasio F, Russo A, Cella E, Reddel S, Calabrese E, Biancone L, Monteleone G, Cicala M, Angeletti S, Ciccozzi M, Putignani L, Guarino MPL. Fecal and Mucosal Microbiota Profiling in Irritable Bowel Syndrome and Inflammatory Bowel Disease. *Front Microbiol*. 2019 Jul 17;10:1655. doi: 10.3389/fmicb.2019.01655. PMID: 31379797; PMCID: PMC6650632. * **corresponding authors**. †These authors have contributed equally to this work. IF: 4.236.
32. Pubblicazione: Dei Giudici S, **Lo Presti A**, Bonelli P, Angioi PP, Sanna G, Zinellu S, Balzano F, Salis F, Ciccozzi M, Oggiano A. Phylogenetic analysis of porcine circovirus type 2 in Sardinia, Italy, shows genotype 2d circulation among domestic pigs and wild boars. *Infect Genet Evol*. 2019 Jul; 71:189-196. doi: 10.1016/j.meegid.2019.03.013. Epub 2019 Mar 20. PMID: 30904672. IF: 2.773.
33. Pubblicazione: Capone A, **Lo Presti A**, Sernicola L, Farcomeni S, Ferrantelli F, Maggiorella MT, Mee ET, Rose NJ, Cella E, Ciccozzi M, Ensoli B, Borsetti A. Genetic diversity in the env

V1-V2 region of proviral quasispecies from long-term controller MHC-typed cynomolgus macaques infected with SHIVSF162P4cy. *J Gen Virol.* 2018 Dec; 99(12):1717-1728. doi: 10.1099/jgv.0.001159. Epub 2018 Oct 12. PMID: 30311877. IF: 2.809.

34. Pubblicazione: Alexiev I, **Lo Presti A**, Dimitrova R, Foley B, Gancheva A, Kostadinova A, Nikolova L, Angeletti S, Cella E, Elenkov I, Stoycheva M, Nikolova D, Doychinova T, Pekova L, Ciccozzi M. Origin and Spread of HIV-1 Subtype B Among Heterosexual Individuals in Bulgaria. *AIDS Res Hum Retroviruses.* 2018 Mar;34(3):244-253. doi: 10.1089/AID.2017.0167. Epub 2018 Jan 23. PMID: 29258326. IF: 1.805.
35. Pubblicazione: Bruni R, Taffon S, Equestre M, Cella E, **Lo Presti A**, Costantino A, Chionne P, Madonna E, Golkocheva-Markova E, Bankova D, Ciccozzi M, Teoharov P, Ciccaglione AR. Hepatitis a virus genotypes and strains from an endemic area of Europe, Bulgaria 2012-2014. *BMC Infect Dis.* 2017 Jul 14; 17(1):497. doi: 10.1186/s12879-017-2596-1. PMID: 28705178; PMCID: PMC5513050. IF: 2.620.
36. Pubblicazione: Cella E, Ciccozzi M, **Lo Presti A**, Fogolari M, Azarian T, Prosperi M, Salemi M, Equestre M, Antonelli F, Conti A, Cesaris M, Spoto S, Incalzi RA, Coppola R, Dicuonzo G, Angeletti S. Multi-drug resistant *Klebsiella pneumoniae* strains circulating in hospital setting: whole-genome sequencing and Bayesian phylogenetic analysis for outbreak investigations. *Sci Rep.* 2017 Jun 14; 7(1):3534. doi: 10.1038/s41598-017-03581-4. PMID: 28615687; PMCID: PMC5471223. IF: 4.122.
37. Pubblicazione: Angeletti S, Cella E, Lai A, **Lo Presti A**, Antonelli F, Conti A, Lopalco M, Spoto S, Zehender G, Ciccozzi M. Whole-genome sequencing of *Klebsiella pneumoniae* MDR strain isolated in a Syrian refugee. *Pathog Glob Health.* 2017 Jun; 111(4):212-215. doi: 10.1080/20477724.2017.1316918. Epub 2017 Apr 12. PMID: 28403683; PMCID: PMC5498767. IF: 1.703.
38. Pubblicazione: Mugosa B, Cella E, Lai A, **Lo Presti A**, Blasi A, Vratnica Z, Vujošević D, Ebranati E, Laušević D, Guarino M, Zehender G, Milano T, Pascarella S, Spoto S, Angeletti S, Ciccozzi M. Hepatitis C virus genotype 3A in a population of injecting drug users in Montenegro: Bayesian and evolutionary analysis. *Arch Virol.* 2017 Jun; 162(6):1549-1561. doi: 10.1007/s00705-017-3224-5. Epub 2017 Feb 13. PMID: 28194580. IF: 2.160.
39. Pubblicazione: **Lo Presti A*** †, Andriamandimby SF†, Lai A, Angeletti S, Cella E, Mottini G, Guarino MP, Balotta C, Galli M, Heraud JM, Zehender G, Ciccozzi M. Origin and evolutionary dynamics of Hepatitis B virus (HBV) genotype E in Madagascar. *Pathog Glob Health.* 2017 Feb; 111(1):23-30. doi: 10.1080/20477724.2016.1278103. Epub 2017 Jan 12. PMID: 28081689; PMCID: PMC5375611. * **corresponding author**. † These authors equally contributed to the study. IF: 1.703.
40. Pubblicazione: Sagnelli C, Ciccozzi M, Coppola N, Minichini C, **Lo Presti A**, Starace M, Alessio L, Macera M, Cella E, Gualdieri L, Caprio N, Pasquale G, Sagnelli E. Molecular diversity in irregular or refugee immigrant patients with HBV- genotype-E infection living in the metropolitan area of Naples. *J Med Virol.* 2017 Jun;89(6):1015-1024. doi: 10.1002/jmv.24724. Epub 2016 Dec 9. PMID: 27805272. IF: 1.988.
41. Pubblicazione: Fiscon G, Weitschek E, Cella E, **Lo Presti A**, Giovanetti M, Babakir-Mina M, Ciotti M, Ciccozzi M, Pierangeli A, Bertolazzi P, Felici G. MISSEL: a method to identify a large number of small species-specific genomic subsequences and its application to viruses classification. *BioData Min.* 2016 Dec 6;9:38. doi: 10.1186/s13040-016-0116-2. PMID: 27980679; PMCID: PMC5139023. IF: 1.577.
42. Pubblicazione: Cella E, Ceccarelli G, Vita S, Lai A, **Lo Presti A**, Blasi A, Palco ML, Guarino MP, Zehender G, Angeletti S, Ciccozzi M; Sanitary Bureau of Asylum Seekers Center of Castelnuovo di Porto. First epidemiological and phylogenetic analysis of Hepatitis B virus

- infection in migrants from Mali. *J Med Virol.* 2017 Apr; 89(4):639-646. doi: 10.1002/jmv.24671. Epub 2016 Nov 17. PMID: 27576107. IF: 1.988.
43. Pubblicazione: Angeletti S, **Lo Presti A**, Cella E, Fogolari M, De Florio L, Dedej E, Blasi A, Milano T, Pascarella S, Incalzi RA, Coppola R, Dicuonzo G, Ciccozzi M. Klebsiella pneumoniae blaKPC-3 nosocomial epidemic: Bayesian and evolutionary analysis. *Infect Genet Evol.* 2016 Dec; 46:85-93. doi: 10.1016/j.meegid.2016.10.031. Epub 2016 Nov 1. PMID: 27815135. IF: 2.885.
 44. Pubblicazione: Angeletti S, **Lo Presti A**, Giovanetti M, Grifoni A, Amicosante M, Ciotti M, Alcantara LJ, Cella E, Ciccozzi M. Phylogenesis and homology modeling in Zika virus epidemic: food for thought. *Pathog Glob Health.* 2016 Oct- Dec; 110(7-8):269-274. doi: 10.1080/20477724.2016.1235337. Epub 2016 Sep 27. PMID: 27670692; PMCID: PMC5189860. IF: 1.695.
 45. Pubblicazione: Ciccozzi M, Chaouch H, **Lo Presti A**, Taffon S, Villano U, Equestre M, Bruni R, Marcantonio C, Tritarelli E, Cella E, Blasi A, Aouni M, Letaief A, Ciccaglione AR. Evolutionary dynamics of HBV-D7 subgenotype in Tunisia. *J Med Virol.* 2017 Mar; 89(3):469-475. doi: 10.1002/jmv.24665. Epub 2016 Aug 24. PMID: 27543368. IF: 1.988.
 46. Pubblicazione: Blasi A, **Lo Presti A**, Cella E, Angeletti S, Ciccozzi M. The phylogenetic and evolutionary history of Kokobera virus. *Asian Pac J Trop Med.* 2016 Oct; 9(10):968-972. doi: 10.1016/j.apjtm.2016.07.028. Epub 2016 Aug 10. PMID: 27794390. IF: 0.925.
 47. Pubblicazione: Cella E, **Lo Presti A**, Giovanetti M, Veo C, Lai A, Dicuonzo G, Angeletti S, Ciotti M, Zehender G, Ciccozzi M. Phylogenetic Analysis of Human Immunodeficiency Virus Type 2 Group B. *J Glob Infect Dis.* 2016 Jul- Sep;8(3):108-14. doi: 10.4103/0974-777X.188592. PMID: 27621561; PMCID: PMC4997794.
 48. Pubblicazione: Andriamandimby SF, **Lo Presti A**, Lai A, Olive MM, Angeletti S, De Florio L, Cella E, Razafindramparany M, Ravalohery JP, Andriamamonjy S, Giofrè S, Zehender G, Mottini G, Ciccozzi M, Heraud JM. Genetic diversity of hepatitis B virus (HBV) in Madagascar. *J Med Virol.* 2016 Dec;88(12):2138-2144. doi: 10.1002/jmv.24576. Epub 2016 Jun 14. PMID: 27183503. **Soa Fy Andriamandimby and Alessandra Lo Presti contributed equally to this work.** IF: 1.935.
 49. Pubblicazione: Angeletti S, **Lo Presti A**, Cella E, Ciccozzi M. Molecular epidemiology and phylogeny of Nipah virus infection: A mini review. *Asian Pac J Trop Med.* 2016 Jul;9(7):630-4. doi: 10.1016/j.apjtm.2016.05.012. Epub 2016 May 31. PMID: 27393089; PMCID: PMC7105010. IF: 0.925.
 50. Pubblicazione: Mugosa B, Vujosevic D, Ciccozzi M, Valli MB, Capobianchi MR, **Lo Presti A**, Cella E, Giovanetti M, Lai A, Angeletti S, Scarpa F, Terzić D, Vratnica Z. Genetic diversity of the haemagglutinin (HA) of human influenza A (H1N1) virus in Montenegro: Focus on its origin and evolution. *J Med Virol.* 2016 Nov; 88(11):1905-13. doi: 10.1002/jmv.24552. Epub 2016 Apr 25. PMID: 27088433. IF: 1.935.
 51. Pubblicazione: **Lo Presti A**, Cella E, Angeletti S, Ciccozzi M. Molecular epidemiology, evolution and phylogeny of Chikungunya virus: An updating review. *Infect Genet Evol.* 2016 Jul; 41:270-278. doi: 10.1016/j.meegid.2016.04.006. Epub 2016 Apr 13. PMID: 27085290. IF: 2.885.
 52. Pubblicazione: Giovanetti M, Milano T, Alcantara LC, Carcangiu L, Cella E, Lai A, **Lo Presti A**, Pascarella S, Zehender G, Angeletti S, Ciccozzi M. Zika Virus spreading in South America: Evolutionary analysis of emerging neutralizing resistant Phe279Ser strains. *Asian Pac J Trop Med.* 2016 May;9(5):445-52. doi: 10.1016/j.apjtm.2016.03.028. Epub 2016 Mar 23. PMID: 27261852. IF: 0.925.

53. Pubblicazione: Montesano C, Giovanetti M, Ciotti M, Cella E, **Lo Presti A**, Grifoni A, Zehender G, Angeletti S, Ciccozzi M. Hepatitis E Virus Circulation in Italy: Phylogenetic and Evolutionary Analysis. *Hepat Mon.* 2016 Mar 12; 16(3):e31951. doi: 10.5812/hepatmon.31951. PMID: 27226798; PMCID: PMC4875568. IF: 1.677.
54. Pubblicazione: Cella E, Gabrielli I, Zehender G, Giovanetti M, **Lo Presti A**, Lai A, Dicuonzo G, Angeletti S, Salemi M, Ciccozzi M. Phylogeny of Murray Valley encephalitis virus in Australia and Papua New Guinea. *Asian Pac J Trop Med.* 2016 Apr; 9(4):385-389. doi: 10.1016/j.apjtm.2016.03.006. Epub 2016 Mar 9. PMID: 27086158. IF: 0.925.
55. Pubblicazione: Grifoni A, **Lo Presti A**, Giovanetti M, Montesano C, Amicosante M, Colizzi V, Lai A, Zehender G, Cella E, Angeletti S, Ciccozzi M. Genetic diversity in Ebola virus: Phylogenetic and in silico structural studies of Ebola viral proteins. *Asian Pac J Trop Med.* 2016 Apr;9(4):337-343. doi: 10.1016/j.apjtm.2016.03.016. Epub 2016 Mar 9. PMID: 27086151. IF: 0.925.
56. Pubblicazione: Angeletti S, Ceccarelli G, Vita S, Dicuonzo G, Lopalco M, Dedej E, Blasi A, Antonelli F, Conti A, De Cesaris M, Farchi F, **Lo Presti A**, Ciccozzi M; Sanitary Bureau of Asylum Seekers Center of Castelnuovo di Porto. Unusual microorganisms and antimicrobial resistances in a group of Syrian migrants: Sentinel surveillance data from an asylum seekers centre in Italy. *Travel Med Infect Dis.* 2016 Mar-Apr;14(2):115-22. doi: 10.1016/j.tmaid.2016.03.005. Epub 2016 Mar 15. PMID: 26987764. IF: 3.055.
57. Pubblicazione: Angeletti S, Fogolari M, Morolla D, Capone F, Costantino S, Spoto S, De Cesaris M, **Lo Presti A**, Ciccozzi M, Dicuonzo G. Role of Neutrophil Gelatinase- Associated Lipocalin in the Diagnosis and Early Treatment of Acute Kidney Injury in a Case Series of Patients with Acute Decompensated Heart Failure: A Case Series. *Cardiol Res Pract.* 2016; 2016:3708210. doi: 10.1155/2016/3708210. Epub 2016 Feb 28. PMID: 27022499; PMCID: PMC4789043.
58. Pubblicazione: Angeletti S, Ciccozzi M, Fogolari M, Spoto S, **Lo Presti A**, Costantino S, Dicuonzo G. Procalcitonin and MR-proAdrenomedullin combined score in the diagnosis and prognosis of systemic and localized bacterial infections. *J Infect.* 2016 Mar; 72(3):395-8. doi: 10.1016/j.jinf.2015.12.006. Epub 2015 Dec 23. PMID: 26723912. IF: 4.201.
59. Pubblicazione: Angeletti S, **Lo Presti A**, Cella E, Dicuonzo G, Crea F, Palazzotti B, Dedej E, Ciccozzi M, De Florio L. Matrix-assisted laser desorption/ionization time of flight mass spectrometry (MALDI-TOF MS) and Bayesian phylogenetic analysis to characterize *Candida* clinical isolates. *J Microbiol Methods.* 2015 Dec; 119:214-22. doi: 10.1016/j.mimet.2015.11.003. Epub 2015 Nov 10. PMID: 26551247. IF: 1.857.
60. Pubblicazione: Serafino S, Cella E, Montagna C, Cavallari EN, Vittozzi P, **Lo Presti A**, Giovanetti M, Mazzuti L, Turriziani O, Ceccarelli G, d'Ettorre G, Vullo V, Ciccozzi M. An epidemiological investigation to reconstruct a probable human immunodeficiency virus-1 transmission network: a case report. *J Med Case Rep.* 2015 Nov 3; 9:253. doi: 10.1186/s13256-015-0717-2. PMID: 26527158; PMCID: PMC4630910. IF: 0.712.
61. Pubblicazione: Angeletti S, Dicuonzo G, **Lo Presti A**, Cella E, Crea F, Avola A, Vitali MA, Fagioni M, De Florio L. MALDI-TOF mass spectrometry and *bla*kpc gene phylogenetic analysis of an outbreak of carbapenem-resistant *K. pneumoniae* strains. *New Microbiol.* 2015 Oct;38(4):541-50. Epub 2015 Oct 20. PMID: 26485012. IF: 1.629.
62. Pubblicazione: Angeletti S, Ottaviani R, Lanotte AM, Pedicino L., De Cesaris M, **Lo Presti A**, Cella E, Fogolari M, Ciccozzi M, Dicuonzo G. Procalcitonin and mid-regional pro-adrenomedullin as promising markers for sepsis diagnosis and prognosis. *Asian Pacific Journal of Tropical Medicine.* Volume 6, Issue 11, November 2016, Pages 973-974. DOI: 10.1016/j.apjtb.2016.08.014. IF: 0.925.

63. Pubblicazione: **Lo Presti A**, Cella E, Giovanetti M, Lai A, Angeletti S, Zehender G, Ciccozzi M. Origin and evolution of Nipah virus. *J Med Virol*. 2016 Mar; 88(3):380-8. doi: 10.1002/jmv.24345. Epub 2015. Aug 14. PMID:26252523. IF: 1.935.
64. Pubblicazione: Villano U, **Lo Presti A**, Equestre M, Cella E, Pisani G, Giovanetti M, Bruni R, Tritarelli E, Amicosante M, Grifoni A, Scarcella C, El-Hamad I, Pezzoli MC, Angeletti S, Ciccaglione AR, Ciccozzi M. Molecular epidemiology and phylogenetic analysis of Hepatitis B virus in a group of migrants in Italy. *BMC Infect Dis*. 2015 Jul 25;15:287. doi: 10.1186/s12879-015-0994-9. Erratum in: *BMC Infect Dis*. 2015; 15:531. Silvia, Angeletti [corrected to Angeletti, Silvia]. PMID: 26209519; PMCID: PMC4514992. IF: 3.108.
65. Pubblicazione: Milano T, Contestabile R, **Lo Presti A**, Ciccozzi M, Pascarella S. The aspartate aminotransferase-like domain of Firmicutes MocR transcriptional regulators. *Comput Biol Chem*. 2015 Oct; 58:55-61. doi: 10.1016/ - j.compbiochem.2015.05.003. Epub 2015 May 21. PMID: 26026720. IF: 1.014.
66. Pubblicazione: Azarian T*, **Lo Presti A***, Giovanetti M, Cella E, Rife B, Lai A, Zehender G, Ciccozzi M, Salemi M. Impact of spatial dispersion, evolution, and selection on Ebola Zaire Virus epidemic waves. *Sci Rep*. 2015 May 14;5:10170. doi: 10.1038/srep10170. PMID: 25973685; PMCID: PMC4431419. * **These authors contributed equally to this work.** IF: 5.228.
67. Pubblicazione: Bon I, Musumeci G, Pavoni M, Misericocchi A, **Lo Presti A**, Morini S, Caio G, Della Vittoria A, Gibellini D, Re MC. Durable viral suppression in an HIV-infected patient in the absence of antiretroviral therapy. *New Microbiol*. 2015 Apr; 38(2):289-92. Epub 2015 Apr 29. PMID: 25938756. IF: 1.629.
68. Pubblicazione: Sagnelli C, Ciccozzi M, Pisaturo M, **Lo Presti A**, Cella E, Coppola N, Sagnelli E. The impact of viral molecular diversity on the clinical presentation and outcome of acute hepatitis B in Italy. *New Microbiol*. 2015 Apr;38(2):137-47. Epub 2015 Apr 21. PMID: 25915056. IF: 1.629.
69. Pubblicazione: De Luca A, Di Giambenedetto S, **Lo Presti A**, Sierra S, Prosperi M, Cella E, Giovanetti M, Torti C, Caudai C, Vicenti I, Saladini F, Almi P, Grima P, Blanc P, Fabbiani M, Rossetti B, Gagliardini R, Kaiser R, Ciccozzi M, Zazzi M. Two Distinct Hepatitis C Virus Genotype 1a Clades Have Different Geographical Distribution and Association With Natural Resistance to NS3 Protease Inhibitors. *Open Forum Infect Dis*. 2015 Mar 31; 2(2):ofv043. doi: 10.1093/ofid/ofv043. PMID: 26213689; PMCID: PMC4511743.
70. Pubblicazione: Giovanetti M, Grifoni A, **Lo Presti A**, Cella E, Montesano C, Zehender G, Colizzi V, Amicosante M, Ciccozzi M. Amino acid mutations in Ebola virus glycoprotein of the 2014 epidemic. *J Med Virol*. 2015 Jun;87(6):893-8. doi: 10.1002/jmv.24133. Epub 2015 Mar 17. PMID: 25783989. IF: 1.998.
71. Pubblicazione: Zehender G, Svicher V, Gabanelli E, Ebranati E, Veo C, **Lo Presti A**, Cella E, Giovanetti M, Bussini L, Salpini R, Alteri C, Lai A, Tanzi E, Perno CF, Galli M, Ciccozzi M. Reliable timescale inference of HBV genotype A origin and phylodynamics. *Infect Genet Evol*. 2015 Jun; 32: 361-9. doi: 10.1016/j.meegid.2015.03.009. Epub 2015 Mar 14. PMID: 25784568. IF: 2.591.
72. Pubblicazione: Vratnica Z, Zehender G, Ebranati E, Sorrentino C, Lai A, Vujošević D, Veo C, **Lo Presti A**, Cella E, Giovanetti M, Laušević D, Galli M, Ciccozzi M, Mugoša B. Hepatitis B virus genotype and subgenotype prevalence and distribution in Montenegro. *J Med Virol*. 2015 May;87(5):807-13. doi: 10.1002/jmv.24083. Epub 2015 Feb 24. PMID: 25712706. IF: 1.998.
73. Pubblicazione: Beji-Hamza A, Taffon S, Mhalla S, **Lo Presti A**, Equestre M, Chionne P, Madonna E, Cella E, Bruni R, Ciccozzi M, Aouni M, Ciccaglione AR. Migration

- pattern of hepatitis A virus genotype IA in North-Central Tunisia. *Virology*. 2015 Feb 8; 12:17. doi: 10.1186/s12985-015-0249-9. PMID: 25886374; PMCID: PMC4327963. IF: 2.362.
74. Pubblicazione: Cordiali-Fei P, Trento E, Giovanetti M, **Lo Presti A**, Latini A, Giuliani M, D'Agosto G, Bordignon V, Cella E, Farchi F, Ferraro C, Lesnoni La Parola I, Cota C, Sperduti I, Vento A, Cristaudo A, Ciccozzi M, Ensoli F. Analysis of the ORFK1 hypervariable regions reveal distinct HHV-8 clustering in Kaposi's sarcoma and non-Kaposi's cases. *J Exp Clin Cancer Res*. 2015 Jan 16; 34(1):1. doi: 10.1186/s13046-014-0119-0. PMID: 25592960; PMCID: PMC4311464. IF: 4.357.
 75. Pubblicazione: Mancini F, Ciccozzi M, **Lo Presti A**, Cella E, Giovanetti M, Di Luca M, Toma L, Bianchi R, Khoury C, Rezza G, Ciervo A. Characterization of spotted fever group Rickettsiae in ticks from a city park of Rome, Italy. *Ann Ist Super Sanita*. 2015;51(4):284-90. doi: 10.4415/ANN_15_04_07. PMID: 26783214. IF: 0.842.
 76. Pubblicazione: Angeletti S, Dicuonzo G, Fioravanti M, De Cesaris M, Fogolari M, **Lo Presti A**, Ciccozzi M, De Florio L. Procalcitonin, MR-Proadrenomedullin, and Cytokines Measurement in Sepsis Diagnosis: Advantages from Test Combination. *Dis Markers*. 2015; 2015:951532. doi: 10.1155/2015/951532. Epub 2015 Nov 9. PMID: 26635427; PMCID: PMC4655267. IF: 2.137.
 77. Pubblicazione: Rezza G, Farchi F, Pezzotti P, Ruscio M, **Lo Presti A**, Ciccozzi M, Mondardini V, Paternoster C, Bassetti M, Merelli M, Scotton PG, Luzzati R, Simeoni J, Mian P, Mel R, Carraro V, Zanin A, Ferretto R, Francavilla E; TBE Virology Group. Tick-borne encephalitis in north-east Italy: a 14-year retrospective study, January 2000 to December 2013. *Euro Surveill*. 2015;20(40). doi: 10.2807/1560-7917.ES.2015.20.40.30034. PMID: 26537646. IF: 5.983.
 78. Pubblicazione: Ciccozzi M, Cella E, Giovanetti M, **Lo Presti A**, Ciccaglione AR, Bon I, Gallo P, Musumeci M, Bonetti M, Picardi A, Riva E, Mottini G. Hepatitis A virus in a medical setting in Madagascar: a lesson for public health. *New Microbiol*. 2015 Jan;38(1):119-20. Epub 2015 Jan 1. PMID: 25742156. IF: 1.629.
 79. Pubblicazione: **Lo Presti A**, Lai A, Cella E, Zehender G, Ciccozzi M. Chikungunya virus, epidemiology, clinics and phylogenesis: A review. *Asian Pac J Trop Med*. 2014 Dec; 7(12):925-32. doi: 10.1016/S1995-7645(14)60164-4. PMID: 25479619. IF: 1.062.
 80. Pubblicazione: Ciccozzi M, **Lo Presti A**, Andreotti M, Mancinelli S, Ceffa S, Galluzzo CM, Buonomo E, Luhanga R, Jere H, Cella E, Scarcella P, Mirra M, Marazzi MC, Vella S, Palombi L, Giuliano M. Viral sequence analysis of HIV-positive women and their infected children: insight on the timing of infection and on the transmission network. *AIDS Res Hum Retroviruses*. 2014 Oct;30(10):1010-5. doi: 10.1089/AID.2014.0143. Epub 2014 Sep 4. PMID: 25103792; PMCID: PMC4179918. IF: 2.325.
 81. Pubblicazione: Ciccozzi M, **Lo Presti A**, Cella E, Giovanetti M, Lai A, El-Sawaf G, Faggioni G, Vescio F, Al Ameri R, De Santis R, Helaly G, Pomponi A, Metwally D, Fantini M, Qadi H, Zehender G, Lista F, Rezza G. Phylogeny of Dengue and Chikungunya viruses in Al Hudayda governorate, Yemen. *Infect Genet Evol*. 2014 Oct;27:395-401. doi: 10.1016/j.meegid.2014.08.010. Epub 2014 Aug 23. PMID: 25183027. IF: 3.015.
 82. Pubblicazione: Falasca F, Temperoni C, Mazzuti L, **Lo Presti A**, Ciccozzi M, Di Filippo E, Iaiani G, Taliani G, Turriziani O. Genetic analyses of HIV-1 pol sequences from Zimbabwean patients. *New Microbiol*. 2014 Jul;37(3):377-81. Epub 2014 Jul 1. PMID: 25180853. IF: 1.784.
 83. Pubblicazione: Babakir-Mina M, Dimonte S, **Lo Presti A**, Cella E, Perno CF, Ciotti M, Ciccozzi M. Phylogenetic and evolutionary analysis of influenza A H7N9 virus. *New Microbiol*. 2014 Jul;37(3):369-76. Epub 2014 Jul 1. PMID: 25180852. IF: 1.784.

84. Pubblicazione: Sagnelli C, Ciccozzi M, Pisaturo M, Zehender G, **Lo Presti A**, Alessio L, Starace M, Lovero D, Sagnelli E, Coppola N. Molecular epidemiology of hepatitis B virus genotypes circulating in acute hepatitis B patients in the Campania region. *J Med Virol.* 2014 Oct;86(10):1683-93. doi: 10.1002/jmv.24005. Epub 2014 Jul 1. PMID: 24980631. IF: 2.347.
85. Pubblicazione: Zehender G, Ebranati E, Gabanelli E, Sorrentino C, **Lo Presti A**, Tanzi E, Ciccozzi M, Galli M. Enigmatic origin of hepatitis B virus: an ancient travelling companion or a recent encounter? *World J Gastroenterol.* 2014 Jun 28; 20(24):7622-34. doi: 10.3748/wjg.v20.i24.7622. PMID: 24976700; PMCID: PMC4069291. IF: 2.369.
86. Pubblicazione: Marascio N, Ciccozzi M, Equestre M, **Lo Presti A**, Costantino A, Cella E, Bruni R, Liberto MC, Pisani G, Zicca E, Barreca GS, Torti C, Focà A, Ciccaglione AR. Back to the origin of HCV 2c subtype and spreading to the Calabria region (Southern Italy) over the last two centuries: a phylogenetic study. *Infect Genet Evol.* 2014 Aug; 26:352-8. doi: 10.1016/j.meegid.2014.06.006. Epub 2014 Jun 25. PMID: 24973737. IF: 3.015.
87. Pubblicazione: Cenci A, D'Avenio G, Tavošchi L, Chiappi M, Becattini S, Narino Mdel P, Picconi O, Bernasconi D, Fanales-Belasio E, Vardas E, Sukati H, **Lo Presti A**, Ciccozzi M, Monini P, Ensoli B, Grigioni M, Buttò S. Molecular characterization of HIV-1 subtype C gp-120 regions potentially involved in virus adaptive mechanisms. *PLoS One.* 2014 Apr 30; 9(4):e95183. doi: 10.1371/journal.pone.0095183. PMID: 24788065; PMCID: PMC4005737. IF: 3.234.
88. Pubblicazione: Karan LS, Ciccozzi M, Yakimenko VV, **Lo Presti A**, Cella E, Zehender G, Rezza G, Platonov AE. The deduced evolution history of Omsk hemorrhagic fever virus. *J Med Virol.* 2014 Jul; 86(7):1181-7. doi: 10.1002/jmv.23856. Epub 2013 Nov 20. PMID: 24259273. IF: 2.347.
89. Pubblicazione: Zehender G, Ebranati E, Shkjezi R, Papa A, Luzzago C, Gabanelli E, **Lo Presti A**, Lai A, Rezza G, Galli M, Bino S, Ciccozzi M. Bayesian phylogeography of Crimean-Congo hemorrhagic fever virus in Europe. *PLoS One.* 2013 Nov 4; 8(11):e79663. doi: 10.1371/journal.pone.0079663. PMID: 24223988; PMCID: PMC3817137. IF: 3.534.
90. Pubblicazione: Ciccozzi M, Ciccaglione AR, **Lo Presti A**, Equestre M, Cella E, Ebranati E, Gabanelli E, Villano U, Bruni R, Yalcinkaya T, Tanzi E, Zehender G. Evolutionary dynamics of HBV-D1 genotype epidemic in Turkey. *J Med Virol.* 2014 Jan;86(1):109-16. doi: 10.1002/jmv.23740. Epub 2013 Oct 24. PMID: 24243521. IF: 2.347.
91. Pubblicazione: Ciccozzi M, Zehender G, Polat C, Lai A, Kayman T, Sorrentino C, Ebranati E, Cella E, **Lo Presti A**, Abacioglu H. Phylogenetic analysis of HCV-4d in Turkey: the curious case of Kayseri province. *J Med Virol.* 2014 Mar; 86(3):454-60. doi: 10.1002/jmv.23787. Epub 2013 Oct 16. PMID: 24132509. IF: 2.347.
92. Pubblicazione: Ciccozzi M, Giufre' M, Accogli M, **Lo Presti A**, Graziani C, Cella E, Cerquetti M. Phylogenetic analysis of multidrug-resistant *Escherichia coli* clones isolated from humans and poultry. *New Microbiol.* 2013 Oct;36(4):385-94. Epub 2013 Oct 1. PMID: 24177300. IF: 1.603.
93. Pubblicazione: D'Ettorre G, **Lo Presti A**, Gori C, Cella E, Bertoli A, Vullo V, Perno CF, Ciotti M, Foley BT, Ciccozzi M; HIV-2 Study Group. An HIV type 2 case series in Italy: a phylogenetic analysis. *AIDS Res Hum Retroviruses.* 2013 Sep;29(9):1254-9. doi: 10.1089/aid.2013.0091. Epub 2013 May 25. PMID: 23638670. IF: 2.457.
94. Pubblicazione: Zehender G, Sorrentino C, Lai A, Ebranati E, Gabanelli E, **Lo Presti A**, Vujošević D, Laušević D, Terzić D, Shkjezi R, Bino S, Vratnica Z, Mugosa B, Galli M, Ciccozzi M. Reconstruction of the evolutionary dynamics of hepatitis C virus subtypes

- in Montenegro and the Balkan region. *Infect Genet Evol.* 2013 Jul; 17:223-30. doi: 10.1016/j.meegid.2013.04.003. Epub 2013 Apr 18. PMID: 23603418. IF: 3.264.
95. Pubblicazione: Ciccozzi M, Peletto S, Cella E, Giovanetti M, Lai A, Gabanelli E, Acutis PL, Modesto P, Rezza G, Platonov AE, **Lo Presti A**, Zehender G. Epidemiological history and phylogeography of West Nile virus lineage 2. *Infect Genet Evol.* 2013 Jul; 17:46-50. doi: 10.1016/j.meegid.2013.03.034. Epub 2013 Mar 29. PMID: 23542457. IF: 3.264.
96. Pubblicazione: Delogu R, **Lo Presti A**, Ruggeri FM, Cella E, Giovanetti M, Ciccozzi M, Ljubin-Sternak S, Bukovski-Simonoski S, Lukic-Grlic A, Ianiro G, Fiore L. Full-genome characterization of a G8P[8] rotavirus that emerged among children with diarrhea in Croatia in 2006. *J Clin Microbiol.* 2013 May; 51(5):1583-8. doi: 10.1128/JCM.00396-13. Epub 2013 Feb 20. PMID: 23426928; PMCID: PMC3647887. **Roberto Delogu and Alessandra Lo Presti contributed equally to this article.** IF: 4.232.
97. Pubblicazione: Giuliani M, Santoro MM, **Lo Presti A**, Cella E, Scognamiglio P, Lai A, Latini A, Fabeni L, Gori C, Pinnetti C, Girardi E, Perno CF, Zehender G, Ciccozzi M. Circulation of HIV-1 CRF02_AG among MSM population in central Italy: a molecular epidemiology-based study. *Biomed Res Int.* 2013;2013:810617. doi: 10.1155/2013/810617. Epub 2013 Nov 28. PMID: 24369538; PMCID: PMC3863479.
98. Pubblicazione: Ciccozzi M, Callegaro A, **Lo Presti A**, Cella E, Giovanetti M, Salpini R, Babakir-Mina M, Farina C, Maggiolo F, Perno CF, Ciotti M. When phylogenetic analysis complements the epidemiological investigation: a case of HIV-2 infection, Italy. *New Microbiol.* 2013 Jan;36(1):93-6. Epub 2013 Jan 1. PMID: 23435822. IF: 1.603.
99. Pubblicazione: **Lo Presti A**, Ciccozzi M, Cella E, Giovanetti M, Zehender G, Valenti D, Iannotti N, Malfatto E, Bernardini C, Maggiolo F, Callegaro A. Migration patterns of HIV-1 subtype B virus in Northern Italy. *New Microbiol.* 2013 Jan;36(1):75-9. Epub 2013 Jan 1. PMID: 23435818. IF: 1.603.
100. Pubblicazione: Ciccozzi M, Babakir-Mina M, **Lo Presti A**, Salpini R, Cella E, Gabanelli E, Teoharov P, Kevorkyan A, Perno CF, Zehender G, Ciotti M. Molecular analysis of hepatitis B virus in Bulgaria. *J Med Virol.* 2013 Jan; 85(1):49-54. doi: 10.1002/jmv.23432. PMID: 23154875. IF: 2.217.
101. Pubblicazione: Ciccozzi M, Madeddu G, **Lo Presti A**, Cella E, Giovanetti M, Budroni C, Babudieri S, Mura MS, Zehender G, Salemi M. HIV type 1 origin and transmission dynamics among different risk groups in sardinia: molecular epidemiology within the close boundaries of an Italian island. *AIDS Res Hum Retroviruses.* 2013 Feb;29(2):404-10. doi: 10.1089/AID.2012.0209. Epub 2012 Nov 5. PMID: 22985362. IF: 2.457.
102. Pubblicazione: Ciccozzi M, Equestre M, Costantino A, Marascio N, Quirino A, **Lo Presti A**, Cella E, Bruni R, Liberto MC, Focà A, Pisani G, Zehender G, Ciccaglione AR. Hepatitis C virus genotype 4d in Southern Italy: reconstruction of its origin and spread by a phylodynamic analysis. *J Med Virol.* 2012 Oct;84(10):1613-9. doi: 10.1002/jmv.23384. PMID: 22930510. IF: 2.373.
103. Pubblicazione: Rozera G, Abbate I, Ciccozzi M, **Lo Presti A**, Bruselles A, Vlasi C, D'Offizi G, Narciso P, Giombini E, Bartolini B, Ippolito G, Capobianchi MR. Ultra-deep sequencing reveals hidden HIV-1 minority lineages and shifts of viral population between the main cellular reservoirs of the infection after therapy interruption. *J Med Virol.* 2012 Jun; 84(6):839-44. doi: 10.1002/jmv.23292. PMID: 22996031. IF: 2.373.

104. Pubblicazione: Ciccozzi M, Lai A, Ebranati E, Gabanelli E, Galli M, Mugosa B, Vratnica Z, Vujošević D, Laušević D, Ciotti M, Cella E, **Lo Presti A**, Zehender G. Phylogeographic reconstruction of HIV type 1B in Montenegro and the Balkan region. *AIDS Res Hum Retroviruses*. 2012 Oct;28(10):1280-4. doi: 10.1089/aid.2011.0138. Epub 2012 Apr 3. PMID: 22364163.
105. Pubblicazione: Peletto S, **Lo Presti A**, Modesto P, Cella E, Acutis PL, Farchi F, Ciotti M, Zehender G, Ciccozzi M. Genetic diversity of Usutu virus. *New Microbiol*. 2012 Apr;35(2):167-74. Epub 2012 Mar 31. PMID: 22707129. IF: 1.667.
106. Pubblicazione: Weitschek E, **Lo Presti A**, Drovandi G, Felici G, Ciccozzi M, Ciotti M, Bertolazzi P. Human polyomaviruses identification by logic mining techniques. *Virology*. 2012 Mar 2;9:58. doi: 10.1186/1743-422X-9-58. PMID: 22385517; PMCID: PMC3307486. IF: 2.092.
107. Pubblicazione: Apostoli P, Zicari S, **Lo Presti A**, Ciccozzi M, Ciotti M, Caruso A, Fiorentini S. Human metapneumovirus-associated hospital admissions over five consecutive epidemic seasons: evidence for alternating circulation of different genotypes. *J Med Virol*. 2012 Mar; 84(3):511-6. doi: 10.1002/jmv.23213. PMID: 22246840; PMCID: PMC7167203. IF: 2.373.
108. Pubblicazione: **Lo Presti A**, Ciccozzi M, Cella E, Lai A, Simonetti FR, Galli M, Zehender G, Rezza G. Origin, evolution, and phylogeography of recent epidemic CHIKV strains. *Infect Genet Evol*. 2012 Mar; 12(2):392-8. doi: 10.1016/j.meegid.2011.12.015. Epub 2012 Jan 6. PMID: 22244786. IF: 2.768.
109. Pubblicazione: Ciccozzi M, **Lo Presti A**, Ciccaglione AR, Zehender G, Ciotti M. Phylogeny and phylodynamic of Hepatitis C in Italy. *BMC Infect Dis*. 2012; 12 Suppl 2(Suppl 2):S5. doi: 10.1186/1471-2334-12-S2-S5. Epub 2012 Nov 12. PMID: 23173700; PMCID: PMC3495630. IF: 3.025.
110. Pubblicazione: Zehender G, Ebranati E, Gabanelli E, Shkjezi R, Lai A, Sorrentino C, **Lo Presti A**, Basho M, Bruno R, Tanzi E, Bino S, Ciccozzi M, Galli M. Spatial and temporal dynamics of hepatitis B virus D genotype in Europe and the Mediterranean Basin. *PLoS One*. 2012; 7(5):e37198. doi: 10.1371/journal.pone.0037198. Epub 2012 May 25. PMID: 22662136; PMCID: PMC3360700. IF: 3.730.
111. Pubblicazione: Luzzago C, Ebranati E, Sasserà D, **Lo Presti A**, Lauzi S, Gabanelli E, Ciccozzi M, Zehender G. Spatial and temporal reconstruction of bovine viral diarrhoea virus genotype 1 dispersion in Italy. *Infect Genet Evol*. 2012 Mar;12(2):324-31. doi: 10.1016/j.meegid.2011.12.007. Epub 2011 Dec 21. PMID: 22210133. IF: 2.768.
112. Pubblicazione: Ciccozzi M, Babakir-Mina M, Cella E, Bertoli A, **Lo Presti A**, Maniar JK, Perno CF, Ciotti M. A case of Italian HIV type 2 infection: a genetic analysis. *AIDS Res Hum Retroviruses*. 2011 Dec; 27(12):1333-5. doi: 10.1089/AID.2011.0055. PMID: 21453133. IF: 2.246.
113. Pubblicazione: **Lo Presti A**, Cammarota R, Apostoli P, Cella E, Fiorentini S, Babakir-Mina M, Ciotti M, Ciccozzi M. Genetic variability and circulation pattern of human metapneumovirus isolated in Italy over five epidemic seasons. *New Microbiol*. 2011 Oct; 34(4):337-44. Epub 2011 Oct 31. PMID: 22143806. IF: 1.
114. Pubblicazione: Cento V, Rahmatalla N, Ciccozzi M, **Lo Presti A**, Perno CF, Ciotti M. Human papillomaviruses 53 and 66: clinical aspects and genetic analysis. *Virus Res*. 2012 Jan; 163(1):212-22. doi: 10.1016/j.virusres.2011.09.032. Epub 2011 Sep 29. Erratum in: *Virus Res*. 2012 Apr; 165(1):118. PMID: 22001139. IF: 2.745.
115. Pubblicazione: Ciccozzi M, Zehender G, Cento V, **Lo Presti A**, Teoharov P, Pavlov I, Bogdanova V, Perno CF, Ciotti M. Molecular analysis of hepatitis C virus

- infection in Bulgarian injecting drug users. *J Med Virol.* 2011 Sep;83(9):1565-70. doi: 10.1002/jmv.22154. PMID: 21739447. IF: 2.820.
116. Pubblicazione: Bruni R, Prosperi M, Marcantonio C, Amadori A, Villano U, Tritarelli E, **Lo Presti A**, Ciccozzi M, Ciccaglione AR. A computational approach to identify point mutations associated with occult hepatitis B: significant mutations affect coding regions but not regulative elements of HBV. *Virology*. 2011 Aug 8; 83:394. doi: 10.1186/1743-422X-8-394. PMID: 21824402; PMCID: PMC3170640. IF: 2.343.
117. Pubblicazione: V́eras NM, Santoro MM, Gray RR, Tatem AJ, **Lo Presti A**, Olearo F, Cappelli G, Colizzi V, Takou D, Torimiro J, Russo G, Callegaro A, Salpini R, D'Arrigo R, Perno CF, Goodenow MM, Ciccozzi M, Salemi M. Molecular epidemiology of HIV type 1 CRF02_AG in Cameroon and African patients living in Italy. *AIDS Res Hum Retroviruses.* 2011 Nov; 27(11):1173-82. doi: 10.1089/aid.2010.0333. Epub 2011 May 6. PMID: 21453131; PMCID: PMC3206741. IF: 2.246.
118. Pubblicazione: Ciccozzi M, Ciccaglione AR, **Lo Presti A**, Yalcinkaya T, Taskan ZP, Equestre M, Costantino A, Bruni R, Ebranati E, Salemi M, Gray R, Rezza G, Galli M, Zehender G. Reconstruction of the evolutionary dynamics of the hepatitis C virus 1b epidemic in Turkey. *Infect Genet Evol.* 2011 Jul; 11(5):863-8. doi: 10.1016/j.meegid.2011.02.006. Epub 2011 Feb 13. PMID: 21324382. IF: 3.128.
119. Pubblicazione: Zehender G, Ebranati E, Bernini F, **Lo Presti A**, Rezza G, Delogu M, Galli M, Ciccozzi M. Phylogeography and epidemiological history of West Nile virus genotype 1a in Europe and the Mediterranean basin. *Infect Genet Evol.* 2011 Apr; 11(3):646-53. doi: 10.1016/j.meegid.2011.02.003. Epub 2011 Feb 12. PMID: 21320643. IF: 3.128.
120. Pubblicazione: Callegaro A, Svicher V, Alteri C, **Lo Presti A**, Valenti D, Goglio A, Salemi M, Cella E, Perno CF, Ciccozzi M, Maggiolo F. Epidemiological network analysis in HIV-1 B infected patients diagnosed in Italy between 2000 and 2008. *Infect Genet Evol.* 2011 Apr; 11(3):624-32. doi: 10.1016/j.meegid.2011.01.019. Epub 2011 Feb 1. PMID: 21292031. IF: 3.128.
121. Pubblicazione: Bernini F, Ebranati E, De Maddalena C, Shkjezi R, Milazzo L, **Lo Presti A**, Ciccozzi M, Galli M, Zehender G. Within-host dynamics of the hepatitis C virus quasispecies population in HIV-1/HCV coinfecting patients. *PLoS One.* 2011 Jan 31; 6(1):e16551. doi: 10.1371/journal.pone.0016551. PMID: 21304985; PMCID: PMC3031583. IF: 4.092.
122. Pubblicazione: Ciccozzi M, Babakir-Mina M, **Lo Presti A**, Marcuccilli F, Perno CF, Ciotti M. Phylogenesis and Clinical Aspects of Pandemic 2009 Influenza A (H1N1) Virus Infection. *Open Virol J.* 2011;5:22-6. doi: 10.2174/1874357901105010022. Epub 2011 Apr 7. PMID: 21660186; PMCID: PMC3109524.
123. Pubblicazione: Ciccozzi M, Vujošević D, **Lo Presti A**, Mugoša B, Vratnica Z, Lai A, Laušević D, Drašković N, Marjanovic A, Cella E, Santoro MM, Alteri C, Fabeni L, Ciotti M, Zehender G. Genetic diversity of HIV type 1 in Montenegro. *AIDS Res Hum Retroviruses.* 2011 Aug; 27(8):921-4. doi: 10.1089/aid.2010.0323. Epub 2010 Dec 31. PMID: 21114462.
124. Pubblicazione: Ciccozzi M, **Lo Presti A**, Cenci A, Staltari O, Buttò S, Equestre M, Ciccaglione AR, Caroleo B, Rezza G, Guadagnino V. May phylogenetic analysis support epidemiological investigation in identifying the source of HIV infection? *AIDS Res Hum Retroviruses.* 2011 May; 27(5):455-7. doi: 10.1089/aid.2010.0189. Epub 2010 Oct 23. PMID: 20969458. IF: 2.246.
125. Pubblicazione: Zehender G, Ebranati E, Lai A, Santoro MM, Alteri C, Giuliani M, Palamara G, Perno CF, Galli M, **Lo Presti A**, Ciccozzi M. Population dynamics of

- HIV-1 subtype B in a cohort of men-having-sex-with-men in Rome, Italy. *J Acquir Immune Defic Syndr.* 2010 Oct;55(2):156-60. doi: 10.1097/QAI.0b013e3181eb3002. PMID: 20703157. IF: 4.262.
126. Pubblicazione: Ciccaglione AR, Miceli M, Pisani G, Bruni R, Iudicone P, Costantino A, Equestre M, Tritarelli E, Marcantonio C, Tataseo P, Marazzi MC, Ceffa S, Paturzo G, Altan AM, San Lio MM, Mancinelli S, Ciccozzi M, **Lo Presti A**, Rezza G, Palombi L. Improving HIV-2 detection by a combination of serological and nucleic acid amplification test assays. *J Clin Microbiol.* 2010 Aug; 48(8):2902-8. doi: 10.1128/JCM.00121-10. Epub 2010 Jun 23. PMID: 20573872; PMCID: PMC2916620. IF: 4.220.
127. Pubblicazione: Ciccozzi M, Babakir-Mina M, **Lo Presti A**, Farchi F, Zehender G, Ebranati E, Perno CF, Ciotti M. Genetic variability of the small t antigen of the novel KI, WU and MC polyomaviruses. *Arch Virol.* 2010 Sep;155(9):1433-8. doi: 10.1007/s00705-010-0725-x. Epub 2010 Jun 19. PMID: 20563737. IF: 2.209.
128. Pubblicazione: Bon I, Ciccozzi M, Zehender G, Biagetti C, Verrucchi G, Lai A, **Lo Presti A**, Gibellini D, Re MC. HIV-1 subtype C transmission network: the phylogenetic reconstruction strongly supports the epidemiological data. *J Clin Virol.* 2010 Jul; 48(3):212-4. doi: 10.1016/j.jcv.2010.03.021. Epub 2010 Apr 18. PMID: 20400369. IF: 4.023.
129. Pubblicazione: Babakir-Mina M, Ciccozzi M, **Lo Presti A**, Greco F, Perno CF, Ciotti M. Identification of Merkel cell polyomavirus in the lower respiratory tract of Italian patients. *J Med Virol.* 2010 Mar;82(3):505-9. doi: 10.1002/jmv.21711. PMID: 20087943. IF: 2.895.

Publicazioni scientifiche su riviste presenti in NCBI Pubmed con ruolo Acknowledgments:

- Colucci A, Luzi AM, Fanales Belasio E, Barbina D, Mazzaccara A, Farchi S, Battilomo S5; Working Group. A blended training programme for healthcare professionals aimed at strengthening territorial networks for the prevention and contrast of gender-based violence. *Epidemiol Prev.* 2019 Mar-Jun;43(2-3):177-184. doi: 10.19191/EP19.2-3.P177.057. Acknowledgments: the Authors would like to thank **Alessandra Lo Presti** for the critical support and her assistance in the revision of this article. IF: 1.071.
- Valdarchi C, Dorrucchi M, Mancini F, Farchi F, Pimentel de Araujo F, Corongiu M, Ciervo A, Rezza G, Pantosti A, Camilli R; FIMMG Group. Pneumococcal carriage among adults aged 50 years and older with co-morbidities attending medical practices in Rome, Italy. *Vaccine.* 2019 Aug 14;37(35):5096-5103. doi: 10.1016/j.vaccine.2019.06.052. Epub 2019 Jul 5. Acknowledgments: Authors would like to thank **Alessandra Lo Presti** for technical support. IF 3.143

Altre pubblicazioni (non presenti su Pubmed):

- Anna Carannante, Paola Vacca, **Alessandra Lo Presti**, Paola Stefanelli e la Rete di Sorveglianza di laboratorio dell'antibiotico resistenza in *Neisseria gonorrhoeae*. Sorveglianza di laboratorio dell'antibiotico-resistenza in *Neisseria gonorrhoeae*: risultati del biennio 2016-2017. *Notiziario dell'Istituto Superiore di Sanità.* Volume 32 - Numero 3 Marzo 2019. ISSN 1827-6296.
- Alessandro Giuliani, Roberto Bruni, Massimo Ciccozzi, **Alessandra Lo Presti**, Michele Equestre, Cinzia Marcantonio and Anna Rita Ciccaglione. Amino-Acid Correlated

Mutations inside a Single Protein System: A New Method for the Identification of Main Coherent Directions of Evolutionary Changes. *Phylogenetics & Evolutionary Biology. J Phylogen Evolution Biol* 2013, 1:2. Link available at: <http://dx.doi.org/10.4172/jpgeb.1000111>

- **Alessandra Lo Presti.** Le biotecnologie: il futuro della ricerca scientifica. Periodico BIOS Diagnostica. N. 5/2010 Bimestrale di informazione e aggiornamento scientifico. Link: http://www.bios-spa.it/images/rivista/pdf/db_numero_5.pdf
- **Alessandra Lo Presti.** La bioinformatica nella ricerca medica. Periodico BIOS Diagnostica. N. 6/2010 Bimestrale di informazione e aggiornamento scientifico. Link: http://www.bios-spa.it/images/rivista/pdf/db_numero_6.pdf
- Cenci, L. Tavoschi, G. D' Avenio, P. Narino, S. Becattini, D. Bernasconi, M. Chiappi, L. La Torre, H. Sukati, E. Vardas, **A. Lo Presti**, E Cella, M. Ciccozzi, O. Picconi, P. Monini, B. Ensoli and S. Buttò. Characterization of Variable Regions of the Gp120 Protein from HIV-1 Subtype C Virus Variants Obtained from Individuals at Different Disease Stages in Sub-Saharan Africa. *J AIDS Clinic Res* 2012, S8. Link: <http://dx.doi.org/10.4172/2155-6113.S8-006>
- Eleonora Cella, Aletheia Blasi, Francesca Farchi, Silvia Angeletti, Massimo Ciccozzi, **Alessandra Lo Presti.** Febbre “Zika”. *Biologi Italiani* Luglio- Agosto 2016.

Bollettini - Rapporti periodici nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2

- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 32 del 1 giugno 2023 A cura di: Paola Stefanelli, Angela Di Martino, Alessandra Lo Presti, Luigina Ambrosio, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Iaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Martina Del Manso, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti, Anna Teresa Palamara, Istituto Superiore di Sanità.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 31 del 28 aprile 2023 A cura di: Paola Stefanelli, Angela Di Martino, Alessandra Lo Presti, Luigina Ambrosio, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Iaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Martina Del Manso, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti, Anna Teresa Palamara, Istituto Superiore di Sanità.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 30 del 31 marzo 2023 A cura di: Paola Stefanelli, Angela Di Martino, Alessandra Lo Presti, Luigina Ambrosio, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Iaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Martina Del Manso, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti, Anna Teresa Palamara, Istituto Superiore di Sanità.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 29 del 3 marzo 2023 A cura di: Paola Stefanelli, Alessandra Lo Presti, Luigina Ambrosio, Angela Di Martino, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Iaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Martina Del Manso, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti, Anna Teresa Palamara, Istituto Superiore di Sanità.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-

2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 28 del 3 febbraio 2023 A cura di: Paola Stefanelli, Angela Di Martino, Alessandra Lo Presti, Luigina Ambrosio, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Ilaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Martina Del Manso, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti, Anna Teresa Palamara, Istituto Superiore di Sanità.

- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 27 del 30 dicembre 2022 A cura di: Paola Stefanelli, Luigina Ambrosio, Angela Di Martino, Alessandra Lo Presti, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Ilaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Martina Del Manso, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti, Anna Teresa Palamara, Istituto Superiore di Sanità.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 26 del 2 dicembre 2022 A cura di: Paola Stefanelli, Alessandra Lo Presti, Luigina Ambrosio, Angela Di Martino, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Ilaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Martina Del Manso, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti, Anna Teresa Palamara, Istituto Superiore di Sanità.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 25 del 28 ottobre 2022 A cura di: Paola Stefanelli, Angela Di Martino, Alessandra Lo Presti, Luigina Ambrosio, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Ilaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Martina Del Manso, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti, Anna Teresa Palamara, Istituto Superiore di Sanità.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 24 del 29 settembre 2022 A cura di: Paola Stefanelli, Luigina Ambrosio, Angela Di Martino, Alessandra Lo Presti, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Ilaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Martina Del Manso, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti, Anna Teresa Palamara, Istituto Superiore di Sanità.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 23 del 2 settembre 2022 A cura di: Paola Stefanelli, Alessandra Lo Presti, Luigina Ambrosio, Angela Di Martino, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Ilaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Martina Del Manso, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti, Anna Teresa Palamara, Istituto Superiore di Sanità.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 22 del 28 luglio 2022 A cura di: Paola Stefanelli, Angela Di Martino, Alessandra Lo Presti, Luigina Ambrosio, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Ilaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Martina Del Manso, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti, Anna Teresa Palamara, Istituto Superiore di Sanità.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 21 del 1 luglio 2022 A cura di: Paola Stefanelli, Luigina Ambrosio, Angela Di Martino, Alessandra Lo Presti, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Ilaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Martina Del Manso, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti, Anna Teresa Palamara, Istituto Superiore di Sanità.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 20 del 27 maggio 2022 . A cura di:

Paola Stefanelli, Alessandra Lo Presti, Luigina Ambrosio, Angela Di Martino, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Ilaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Matteo Spuri, Martina Del Manso, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti, Istituto Superiore di Sanità.

- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 19 del 29 aprile 2022. A cura di: Paola Stefanelli, Angela Di Martino, Alessandra Lo Presti, Luigina Ambrosio, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Ilaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Matteo Spuri, Martina Del Manso, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti, Istituto Superiore di Sanità.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 18 del 25 marzo 2022. A cura di: Paola Stefanelli, Luigina Ambrosio, Angela Di Martino, **Alessandra Lo Presti**, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Ilaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Martina Del Manso, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti, Istituto Superiore di Sanità.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 17 del 18 febbraio 2022. A cura di: Paola Stefanelli, **Alessandra Lo Presti**, Luigina Ambrosio, Angela Di Martino, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Ilaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Matteo Spuri, Martina Del Manso, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti, Istituto Superiore di Sanità.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 16 del 19 gennaio 2022. A cura di: Paola Stefanelli, Angela Di Martino, **Alessandra Lo Presti**, Luigina Ambrosio, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Ilaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Matteo Spuri, Martina Del Manso, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti, Istituto Superiore di Sanità.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 15 del 10 dicembre 2021. A cura di: Paola Stefanelli, Luigina Ambrosio, **Alessandra Lo Presti**, Angela Di Martino, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Ilaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Matteo Spuri, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti, Istituto Superiore di Sanità.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 14 del 26 novembre 2021. A cura di: Paola Stefanelli, Luigina Ambrosio, **Alessandra Lo Presti**, Angela Di Martino, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Ilaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Matteo Spuri, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti, Istituto Superiore di Sanità.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 13 del 12 novembre 2021. A cura di: Paola Stefanelli, **Alessandra Lo Presti**, Luigina Ambrosio, Angela Di Martino, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Ilaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Matteo Spuri, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti, Istituto Superiore di Sanità.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 12 del 29 ottobre 2021. A cura di: Paola Stefanelli, Angela Di Martino, **Alessandra Lo Presti**, Luigina Ambrosio, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Ilaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Matteo Spuri, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti, Istituto Superiore di Sanità.

- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 11 del 15 ottobre 2021. A cura di: Paola Stefanelli, **Alessandra Lo Presti**, Angela Di Martino, Luigina Ambrosio, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Iaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Matteo Spuri, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti, Istituto Superiore di Sanità.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 10 del 1 ottobre 2021. A cura di: Paola Stefanelli, Luigina Ambrosio, **Alessandra Lo Presti**, Angela Di Martino, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Iaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Matteo Spuri, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti, Istituto Superiore di Sanità.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 9 del 17 settembre 2021. A cura di: Paola Stefanelli, Angela Di Martino, Luigina Ambrosio, **Alessandra Lo Presti**, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Iaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Matteo Spuri, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti, Istituto Superiore di Sanità.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 8 del 3 settembre 2021. A cura di: Paola Stefanelli, **Alessandra Lo Presti**, Angela Di Martino, Luigina Ambrosio, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Iaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Matteo Spuri, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti, Istituto Superiore di Sanità.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 7 del 20 agosto 2021. A cura di: Paola Stefanelli, Angela Di Martino, **Alessandra Lo Presti**, Luigina Ambrosio, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Iaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Matteo Spuri, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 6 del 6 agosto 2021. A cura di: Paola Stefanelli, Luigina Ambrosio, Angela Di Martino, **Alessandra Lo Presti**, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Iaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Matteo Spuri, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 5 del 23 luglio 2021. A cura di: Paola Stefanelli, **Alessandra Lo Presti**, Luigina Ambrosio, Angela Di Martino, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Iaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Matteo Spuri, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 4 del 9 luglio 2021. A cura di: Paola Stefanelli, Angela Di Martino, **Alessandra Lo Presti**, Luigina Ambrosio, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Iaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Matteo Spuri, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti di SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 3 del 25 giugno 2021. A cura di: Paola Stefanelli, Luigina Ambrosio, **Alessandra Lo Presti**, Angela Di Martino, Ornella Punzo, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Iaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Matteo Spuri, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti.
- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n. 2 dell'11 giugno 2021. A cura di: Paola Stefanelli, **Alessandra Lo Presti**, Luigina Ambrosio, Angela Di Martino, Stefano Morabito, Gabriele Vaccari, Iaria Di Bartolo, Arnold Knijn, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Matteo Spuri, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti.

- Rapporto periodico nell'ambito del Monitoraggio delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse in sanità pubblica in Italia: Prevalenza e distribuzione delle varianti del virus SARS-CoV-2 di interesse per la sanità pubblica in Italia - Rapporto n.1 del 19 maggio 2021. A cura di: Paola Stefanelli, Angela Di Martino, **Alessandra Lo Presti**, Luigina Ambrosio, Flavia Riccardo, Daniele Petrone, Matteo Spuri, Antonino Bella, Patrizio Pezzotti.

Supervisione di tesi

Supervisore della Tesi svolta dal Dr. Fabio Scarpa dal titolo "Genetic diversity of influenza A (H1N1) virus in Montenegro: focus on its origin and evolution" svolta presso il Dipartimento di Malattie infettive parassitarie e immunomediate dell'Istituto Superiore di Sanità - Anno Accademico 2014/2015 nell'ambito del Master in Bioinformatica: Applicazioni Biomediche e Farmaceutiche.

Supervisore e Correlatore nella Tesi svolta dal Dr. Carmelo Pirone, nell'ambito del Progetto Gilead Fellowship Program 2017. Tesi di Specializzazione Sperimentale dal Titolo "INFEZIONE DA EPATITE VIRALE B, C ED E IN PAZIENTI AFFETTI DA LUPUS ERITEMATOSO SISTEMICO." Anno accademico 2017-2018. FACOLTÁ DI MEDICINA E ODONTOIATRIA - SCUOLA DI SPECIALIZZAZIONE IN REUMATOLOGIA. Dipartimento di Medicina Interna e Specialità mediche. Direttore: Prof. Guido Valesini - Sapienza Università di Roma

Passaggio di fascia stipendiale:

(FASCIA II) con Decreto dirigenziale N. 264/2021 del 3 Marzo 2021 (Ricercatore, Istituto Superiore di Sanità).

Autorizzo il trattamento dei dati personali contenuti nel mio curriculum vitae in base all'art. 13 del D. Lgs. 196/2003 e all'art. 13 del Regolamento UE 2016/679 relativo alla protezione delle persone fisiche con riguardo al trattamento dei dati personali.

Roma li, 06.05.2024



(Alessandra Lo Presti)