

Klizia MACCARONI

ESPERIENZA PROFESSIONALE

▪ **01/03/2020 - in corso**

Assegnista di ricerca

Attività svolta presso il laboratorio di Terapia Genica della Prof.ssa I. Saggio nell'ambito del progetto di ricerca "*The role of ESCRT III proteins in nuclear envelope structural stability*"
Sapienza Università di Roma – Dipartimento di Biologia e Biotecnologie "Charles Darwin"

▪ **01/10/2019 – 29/02/2020**

Contratto di Collaborazione

Attività di supporto organizzativo e di sostegno alla didattica attiva (laboratori) svolta presso il Laboratorio della Prof.ssa I. Saggio
Sapienza Università di Roma – Dipartimento di Biologia e Biotecnologie "Charles Darwin"

▪ **01/12/2018 – 30/09/2019 2019**

Tirocinio post-dottorato

Attività svolta presso il Laboratorio di Citogenetica molecolare della Prof.ssa F. Pelliccia
Sapienza Università di Roma – Dipartimento di Biologia e Biotecnologie "Charles Darwin"

▪ **01/11/2015 – 31/10/2018**

Dottorato di ricerca in Genetica e Biologia Molecolare (con borsa triennale)

Attività svolta presso il Laboratorio di Citogenetica molecolare della Prof.ssa F. Pelliccia nell'ambito del progetto: "*Common Fragile Sites: updating the causes of their variability in different cell tissues*".

Sapienza Università di Roma – Dipartimento di Biologia e Biotecnologie "Charles Darwin"

▪ **Ottobre 2013 – marzo 2015**

Studente di Laurea Magistrale in Genetica e Biologia Molecolare nella ricerca di Base e Biomedica

Tirocinio sperimentale svolto presso il Laboratorio di Citogenetica molecolare della Prof.ssa F. Pelliccia nell'ambito del progetto: "*Analisi dell'espressione differenziale di siti fragili comuni in fibroblasti e linfociti umani*"

Sapienza Università di Roma – Dipartimento di Biologia e Biotecnologie "Charles Darwin"

1. ISTRUZIONE E FORMAZIONE

▪ **01/03/2020 – in corso**

Assegnista di ricerca (categoria A, tipologia II, SSD BIO/18)

Progetto: "*The role of ESCRT III proteins in nuclear envelope structural stability*"

Supervisore: Prof.ssa Isabella Saggio

Sapienza Università di Roma – Dipartimento di Biologia e Biotecnologie "Charles Darwin"

▪ **27/02/2019**

Dottorato di Ricerca in Genetica e Biologia Molecolare

Ciclo: XXXI (con borsa di durata triennale)

Tesi in citogenetica molecolare: "Common Fragile Sites: updating the causes of their variability in different cell tissues".

Sapienza Università di Roma – Dipartimento di Biologia e Biotecnologie "Charles Darwin"

Docente guida: Prof.ssa Franca Pelliccia

▪ **Dicembre 2017**

Abilitazione allo svolgimento della professione di Biologo

Sapienza Università di Roma

▪ **25/03/2015**

Laurea Magistrale in Genetica e Biologia Molecolare nella Ricerca di Base e Biomedica (LM-6)

Votazione: 110/110 e lode

Sapienza Università di Roma

Tesi in citogenetica molecolare: "*Analisi dell'espressione differenziale di siti fragili comuni in fibroblasti e linfociti umani*"

Docente guida: Prof.ssa Franca Pelliccia

▪ **18/07/2012**

Laurea Triennale in Scienze Biologiche (L-13)

Votazione: 97/110

Sapienza Università di Roma

Tesi: "*Telomeri e Telomerasi nella senescenza cellulare e nel cancro*".

Relatore: Prof.ssa Carla Cioni

2. FORMAZIONE INTEGRATIVA

▪ **Corso di Citogenetica Molecolare e Citogenomica**

Scuola di Genetica in Cortona, 14-15/06/18

▪ **Corso di Bioinformatica "*Bioinformatics: theory and applications from genomes to drugs*"**

Sapienza Università di Roma, Giugno-Luglio 2018

3. PUBBLICAZIONI

Burla R, La Torre M, **Maccaroni K**, Verni F, Giunta S, Saggio I.

Interplay of the nuclear envelope with chromatin in physiology and pathology.

Nucleus. 2020 Dec;11(1):205-218.

Maccaroni K, Balzano E, Mirimao F, Giunta S, Pelliccia F.

Impaired Replication Timing Promotes Tissue-Specific Expression of Common Fragile Sites.

Genes (Basel). 2020 Mar 19;11(3):326.

Capitano F., Gargiuli C., Angerilli A., **Maccaroni K.**, Pelliccia F., Mele A., Camilloni G.

RNA polymerase I transcription is modulated by spatial learning in different brain regions.
J. Neurochem. (2016) 136(4):706-716.

4. COMPETENZE LINGUISTICHE

- **Italiano:** lingua madre
- **Inglese:** Ottima produzione orale e scritta. Livello B2 certificato dal *Cambridge Assessment English* di mediante superamento dell'esame FCE – *First Certificate in English*.
- **Giapponese:** produzione orale e scritta di base. Livello N5
- **Coreano:** produzione orale e scritta elementare.

5. COMPETENZE TECNICHE

- **Citogenetica**

Preparazione di cariotipi umani; analisi e riconoscimento di cromosomi umani normali e patologici; analisi di arrangiamenti ed aberrazioni di cromosomi umani; allestimento di colture cellulari da linfociti di sangue periferico; allestimenti di colture cellulari normali e patologiche; preparazione ed analisi di metafasi di cromosomi umani; *fluorescence in situ hybridization* (FISH) su metafasi e nuclei umani; bandeggio R con cromomicina A3 su cariotipi umani; bandeggio G su cromosomi umani; colorazione di nuclei umani tramite Ag-NOR.

- **Biologia Cellulare**

Immunofluorescenza su nuclei e cromosomi umani; preparazione di fibre di cromatina; *fiber combing*; colorazione in Giemsa su cromosomi umani.

- **Biologia Molecolare**

Trasfezione con siRNA su cellule umane; estrazione di RNA da cellule umane; estrazione di proteine da cellule di mammifero; Western blotting; PCR Real-Time; produzione di sonde di DNA tramite *Nick Translation*.

- **Virologia**

Produzione di lentivettori di seconda generazione; trasduzione tramite lentivettore su cellule umane; infezione di cellule umane.

- **Microscopia**

Microscopio ottico e a fluorescenza

- **Microbiologia**

Preparazione di *E. coli* competenti tramite CaCl_2 ; trasformazione di cellule *E. coli* competenti; purificazione di DNA plasmidico; purificazione di BAC e PAC.

- **Bioinformatica**

Sistema operative Windows e Macintosh; GraphPad Prism 8, Endnote X8, Microsoft Office; Adobe Photoshop CS 6; ImageJ; database Genomici e proteomici (NCBI, BLAST, PDB, GO, UniProt, RepeatMasker, OMIM, Mitelman); software per la predizione della struttura delle protein: ExPasy, Pymol 2.0 and PyMod.

6. PROGETTI FINANZIATI

- 2020 – AIRC charity project – “Nuclear envelope and telomere instability in lymphomagenesis” (partecipante)
PI Isabella Saggio
- 2020 – Progetti per avvio alla ricerca di tipo 2 – “Nuclear envelope and telomere instability in lymphomagenesis” (vincitore)
Sapienza Università di Roma
- 2017 - Bandi di Ateneo per la ricerca 2017 - “Geni, invecchiamento e longevità nell'uomo”
Sapienza (Partecipante)
Sapienza Università di Roma

7. PARTECIPAZIONE A CONGRESSI E SEMINARI

Roma – 13-16/11/2019

XXII Congresso nazionale SIGU

Presentazione poster: Maccaroni K. et al. “*The replication timing and its role in the tissue-specific expression of Common Fragile Sites*”

Cortona (AR) – 26-28/09/2019

Joint Meeting AGI-SIMAG

Presentazione poster: Maccaroni K. et al., “*Common Fragile Sites: how the impaired replication timing promotes their tissue-specific expression*”

New York (USA) – 3-7/09 2019

Eukaryotic DNA Replication & Genome Maintenance.

Presentazione poster: Maccaroni K., et al. “*Genome Instability at Common Fragile Sites. Updating the causes of their variability in different cell tissues.*”

Cortona (AR) -14 -15/06/2018

Genetics School in Cortona: Cytogenetic and Molecular Citogenomics.

Roma -13/11/2018

9th BeMM Symposium

Roma – 18-21/09/2018

XV FISV Congress (Federazione Italiana Scienze della Vita)

Roma -20/11/2017

8th BeMM Symposium

Roma -18/11/2016

7th BeMM Symposium

Roma, 28 Giugno 2021

Klizia Maccaroni

"Autorizzo la pubblicazione del mio curriculum vitae e il trattamento dei dati personali in esso contenuti in base all'art. 13 del D. Lgs. 196/2003 e all'art. 13 GDPR 679/16"