



Flavia Risi

E-mail: flavia.risi@uniroma1.it

ESPERIENZA LAVORATIVA

[1 nov 2022 – Attuale]

Dottorato in Genetica e Biologia molecolare

Sapienza Università di Roma

Città: Roma | Paese: Italia

gen 2022 – giu 2022]

Borsa di collaborazione

Sapienza Università di Roma, Dipartimento Biologia e Biotecnologie "C. Darwin"

Città: Roma | Paese: Italia

Supervisione e gestione di sala lettura e biblioteca di dipartimento

ott 2021 – dic 2021]

Borsa di collaborazione

Sapienza Università di Roma, Dipartimento Biologia e Biotecnologie "C. Darwin"

Città: Roma | Paese: Italia

Tutor nei laboratori didattici di Zoologia per il corso di laurea in Scienze Biologiche

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

[1 nov 2020 – 21 ott 2022]

Laurea magistrale in Ecobiologia

Sapienza Università di Roma

Città: Roma | Paese: Italia | Voto finale: 110/110 con Lode | Livello EQF: Livello 7 EQF

nov 2017 – 31 ott 2022]

Diploma Scuola Superiore Universitaria (equip. Master di II livello)

Scuola Superiore di Studi Avanzati Sapienza (SSAS)

Città: Roma | Paese: Italia | Campi di studio: Classe Accademica di Scienze della Vita | Voto finale: 70/70 con Lode | Livello EQF: Livello 8 EQF

[1 nov 2017 – 22 ott 2020]

Laurea triennale in Scienze Biologiche

Sapienza Università di Roma

Città: Roma | Paese: Italia | Voto finale: 110/110 con Lode | Livello EQF: Livello 6 EQF

2012 – lug 2017]

Diploma Scuola Secondaria

Liceo Classico "D. Alighieri"

Città: Latina | Paese: Italia | Voto finale: 100/100 con Lode | Livello EQF: Livello 4 EQF

COMPETENZE LINGUISTICHE

Lingua madre: italiano

Altre lingue:

inglese

ASCOLTO C1 LETTURA C1 SCRITTURA C1

PRODUZIONE ORALE C1 INTERAZIONE ORALE C1

francese

ASCOLTO B1 LETTURA B1 SCRITTURA B1

PRODUZIONE ORALE B1 INTERAZIONE ORALE B1

Livelli: A1 e A2: Livello elementare B1 e B2: Livello intermedio C1 e C2: Livello avanzato

COMPETENZE DIGITALI

Le mie competenze digitali

Gestione di sistemi operativi NT e UNIX | Padronanza dei principali strumenti e database di bioinformatica genomica | Linguaggi di programmazione: R, Python (base), Perl (base)

PUBBLICAZIONI

[2023] [The genomic echoes of the last Green Sahara on the Fulani and Sahelian people](#)

D’Atanasio, E., **Risi, F.**, Ravasini, F., Montinaro, F., Hajiesmaeil, M., Bonucci, B., ... & Cruciani, F. (2023). The genomic echoes of the last Green Sahara on the Fulani and Sahelian people. *Current Biology*, 33(24), 5495-5504.

[2023] [High incidence of AZF duplications in clan-structured Iranian populations detected through Y chromosome sequencing read depth analysis.](#)

Hajiesmaeil, M., Ravasini, F., **Risi, F.**, Magnarini, G., Olivieri, A., D’Atanasio, E., ... & Cruciani, F. (2023). High incidence of AZF duplications in clan-structured Iranian populations detected through Y chromosome sequencing read depth analysis. *Scientific Reports*, 13(1), 11857.

COMUNICAZIONI A CON-
GRESSO

[13 set 2023 – 16 set 2023]

Echoes from the last Green Sahara: a ghost population of cattle herders unveiled from joint whole modern genome analysis of Sahelian Fulani and ancient African individuals.

Risi F, D’Atanasio E, Ravasini F, Montinaro F, Bonito M, Hajiesmaeil M, Bonucci B, Pistacchia L, Amoako- Sakyi D, Bonito M, Onidi S, Semino O, Destro-Bisol G, Anagnostou P, Metspalu M, Tambets K, Trombetta B, Cruciani F. In: 10th Meeting of ISBA | New Horizons in Biomolecular Archaeology, Tartu (Estonia)

[13 set 2023 – 16 set 2023]

A comprehensive picture of
the genetic history of Iran

Hajiesmaeil M, Ravasini F,
Risi F, Galehdari H,
D'Atanasio E, Trombetta B,
Cruciani F. In: 10th Meeting of
ISBA | New Horizons in
Biomolecular Archaeology,
Tartu (Estonia)

[29 lug 2024 – 31 lug 2024] **Archaeogenomic insights on the Late Antique Italian Society**

Risi F, Ravasini F, Bella E, Pistacchia L, Hajiesmaeil M, Sanzico C, Siggillino F, Mei O, Delpino C,
Rossetti I, Kabral H, Saag L, Tambets K, Metspalu M, Micarelli I, Tafuri MA, Manzi G, Cruciani F,
Trombetta B, D'Atanasio E. In: SMBE satellite meeting "Ancient DNA beyond allele frequencies",
Dublin (Ireland)

[10 giu 2024 – 16 giu 2024] **Population genomics of asiatic lion: a whole genome sequencing approach for preserving the biodiversity of an endangered species**

Pistacchia L, Ravasini F, Nellsen RK, Pertoldi C, Yadid Y, Leegwater PAJ, Beers B, Brunis-van Sonsbeek
L, Hajiesmaeil M, **Risi F**, Cruciani F, D'Atanasio E, Trombetta B. In: EMBO Practical Course Population
Genomics, background and tools. Castellammare di Stabia, Naples (Italy)

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali presenti nel CV ai sensi dell’art. 13 d. lgs. 30 giugno 2003 n. 196 - “Codice in materia di protezione dei
dati personali” e dell’art. 13 GDPR 679/16 - “Regolamento europeo sulla protezione dei dati personali”.

Roma, 03/09/2024

F.to
Flavia Risi

Ai fini della pubblicazione