



INFORMAZIONI PERSONALI

Nome
 Nome e indirizzo di lavoro
 Unità operativa
 Telefono
 Fax
 E-mail
 Nazionalità
 Data di nascita

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Tipo di impiego
 - Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Tipo di impiego

- Principali mansioni e responsabilità
 - Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Tipo di impiego

- Principali mansioni e responsabilità
 - Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

GABRIELLA ROZERA

Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, via Portuense 292, 00149 Roma, Italia
 U.O.C. Laboratorio di Virologia

Italiana

16 APRILE 2018

Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, via Portuense 292, Roma
 Sanità Pubblica
 Dirigente Biologo a tempo indeterminato presso il Laboratorio di Virologia

1 FEBBRAIO 2018 - 15 APRILE 2018

Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, via Portuense 292, Roma
 Sanità Pubblica
 Dirigente Biologo con contratto a tempo determinato nell’ambito del Progetto Europeo “European Virus Archive goes Global-(EVAg)”
 Preparazione di ceppi virali in modo da renderli idonei alla loro distribuzione (incluso il sequenziamento dell’intero genoma); preparazione di acidi nucleici virali, vetrini con cellule infette per le determinazioni anticorpali, etc; elaborazione della reportistica in lingua inglese

1 SETTEMBRE 2016 - 31 GENNAIO 2018

Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, via Portuense 292, Roma
 Sanità Pubblica
 Dirigente Biologo con contratto a tempo determinato nell’ambito del Progetto Europeo EbolaMoDRAD
 Validazione delle procedure molecolari e sierologiche per la diagnosi rapida delle malattie da Virus Ebola, messe a punto dai partner del progetto; elaborazione della reportistica in lingua inglese

1 LUGLIO 2016 – 31 AGOSTO 2016

Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, via Portuense 292, Roma
 Sanità Pubblica
 Biologa (Co.Co.Co.) - Laboratorio di Virologia
 Elaborazione del disegno sperimentale, messa a punto dei metodi ed esecuzione del sequenziamento di genomi virali mediante la piattaforma di next generation sequencing – Studio della dinamica e della compartimentalizzazione delle quasispecie virali - Utilizzo di metodi di filogenesi per tracciare l’evoluzione virale – Supporto virologico all’analisi

bioinformatica dei dati di sequenziamento ed alla loro elaborazione - Utilizzo di metodi molecolari per valutare la capacità di colonizzazione dei reservoir

11 OTTOBRE 2015 – 30 GIUGNO 2016

Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, via Portuense 292, Roma

Sanità Pubblica

Biologa (Co.Co.Co.) - Laboratorio di Virologia

Attività di ricerca nell’ambito del Progetto “Preparedness, Prediction and Prevention of Emerging Zoonotic Viruses with Pandemic Potential using Multidisciplinary Approaches (PREDEMICS)” - Convenzione con la Comunità Europea n. 278433

11 AGOSTO - 10 OTTOBRE 2015

Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani” (INMI), via Portuense 292, Roma

Sanità Pubblica

Dirigente Biologo con contratto a tempo determinato-Laboratorio di Virologia

Attività diagnostica: screening virologico dei donatori di organo. Supporto alle attività diagnostiche per emergenza sanitaria legata al caso di Malattia da Virus Ebola. Attività di ricerca nel campo della Virologia.

26 LUGLIO - 10 AGOSTO 2015

Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, via Portuense 292, Roma

Sanità Pubblica

Biologa (Co.Co.Co.) - Laboratorio di Virologia

Attività di ricerca nell’ambito del Progetto europeo n. 278433

26 MAGGIO - 25 LUGLIO 2015

Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, via Portuense 292, Roma

Sanità Pubblica

Dirigente Biologo con contratto a tempo determinato - Laboratorio di Virologia

Attività diagnostica: screening virologico dei donatori di organo. Supporto alle attività diagnostiche. Attività di ricerca nel campo della Virologia.

01 SETTEMBRE 2012 - 25 MAGGIO 2015

Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, via Portuense 292, Roma

Sanità Pubblica

Biologa (Co.Co.Co.) - Laboratorio di Virologia

Attività di ricerca nell’ambito del Progetto europeo n. 278433

01 MARZO - 31 AGOSTO 2012

Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, via Portuense 292, Roma

Sanità Pubblica

Biologa (Co.Co.Co.) - Laboratorio di Virologia

Attività di ricerca nell’ambito del Programma di Ricerca Corrente 2010 – Linea di Ricerca n.2 – Progetto n.4 dal titolo: “Aspetti virologici generali, diagnostici e patogenetici dell’infezione da HIV

01 SETTEMBRE 2011 - 29 FEBBRAIO 2012

Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, via Portuense 292,

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Tipo di impiego

- Principali mansioni e responsabilità

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore

di lavoro	Roma
• Tipo di azienda o settore	Sanità Pubblica
• Tipo di impiego	Biologa (Co.Co.Co.) - Laboratorio di Virologia
• Principali mansioni e responsabilità	Attività di ricerca nell'ambito del Progetto I.S.S. n. 40H54 dal titolo: "Dynamics of HIV quasispecies: quantitative deep sequencing to reveal hidden lineages and shifts of viral population in archived and replicating genomes"
• Date (da – a)	05 AGOSTO 2010 - 31 AGOSTO 2011
• Nome e indirizzo del datore di lavoro	Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", via Portuense 292, Roma
• Tipo di azienda o settore	Sanità Pubblica
• Tipo di impiego	Dirigente Biologo con contratto a tempo determinato - Laboratorio di Virologia
• Principali mansioni e responsabilità	Attività diagnostica: screening virologico dei donatori di organo. Supporto alle attività diagnostiche. Attività di ricerca nel campo della Virologia.
• Date (da – a)	01 NOVEMBRE 2009 - 04 AGOSTO 2010
• Nome e indirizzo del datore di lavoro	Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", via Portuense 292, Roma
• Tipo di azienda o settore	Sanità Pubblica
• Tipo di impiego	Biologa (Co.Co.Co.) - Laboratorio di Virologia
• Principali mansioni e responsabilità	Attività di ricerca nell'ambito del Programma di Ricerca Corrente 2008 – Linea di Ricerca n.3 – Progetto n.2 dal titolo: "Meccanismi di replicazione dell'HIV, con particolare riferimento ai processi di maturazione virale, al ruolo del citoscheletro e all'interazione tra proteine regolatorie di origine virale e di derivazione cellulare"
• Date (da – a)	01 MAGGIO 2008 – 31 OTTOBRE 2009
• Nome e indirizzo del datore di lavoro	Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", via Portuense 292, Roma
• Tipo di azienda o settore	Sanità Pubblica
• Tipo di impiego	Biologa (Co.Co.Co.) - Laboratorio di Virologia
• Principali mansioni e responsabilità	Attività di ricerca nell'ambito del Progetto I.S.S. n. 28C5/3 dal titolo: "Programmi di ricerca sulle malattie infettive di grande rilievo sociale e causate da agenti di possibile utilizzo come armi non convenzionali"- Linea di ricerca dal titolo:"Controllo delle infezioni nei soggetti deboli ed immunocompromessi – Agenti virali" U.O. n.2
• Date (da – a)	01 GENNAIO – 30 APRILE 2008
• Nome e indirizzo del datore di lavoro	Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", via Portuense 292, Roma
• Tipo di azienda o settore	Sanità Pubblica
• Tipo di impiego	Biologa (Co.Co.Co.) - Laboratorio di Virologia
• Principali mansioni e responsabilità	Attività di ricerca nell'ambito del Progetto I.S.S. n. 28C5 dal titolo: "Preparazione ad attacchi bioterroristici con agenti virali"
• Date (da – a)	01 GENNAIO - 31 DICEMBRE 2007
• Nome e indirizzo del datore di lavoro	Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", via Portuense 292, Roma
• Tipo di azienda o settore	Sanità Pubblica
• Tipo di impiego	Biologa (Co.Co.Co.) - Laboratorio di Virologia
• Principali mansioni e responsabilità	Attività di ricerca nell'ambito del Progetto I.S.S. n. 40G.15 dal titolo: "Ruolo delle molecole di derivazione cellulare presenti sull'HIV nella patogenesi dell'infezione"
• Date (da – a)	01 LUGLIO - 31 DICEMBRE 2006
• Nome e indirizzo del datore	Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", via Portuense 292,

<p>di lavoro</p> <ul style="list-style-type: none"> • Tipo di azienda o settore • Tipo di impiego • Principali mansioni e responsabilità 	<p>Roma</p> <p>Sanità Pubblica</p> <p>Biologa (Co.Co.Co.) - Laboratorio di Virologia</p> <p>Attività di ricerca nell'ambito del Programma di Ricerca Corrente 2005 – Linea di Ricerca n. 2 -, dal titolo: "Analisi dei meccanismi patogenetici dell'infezione da HCV e da altri virus emergenti per l'identificazione di strategie diagnostiche e terapeutiche avanzate"</p> <p>01 LUGLIO 2004 - 30 GIUGNO 2006</p> <p>Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", via Portuense 292, Roma</p> <p>Sanità Pubblica</p> <p>Dirigente Sanitario Biologo – Borsa di studio</p> <p>Attività di studio e ricerca riguardanti l'analisi molecolare del virus HIV, con particolare riguardo alla determinazione del DNA provirale ed alla caratterizzazione delle quasispecie virali</p> <p>10 MAGGIO 2003 - 31 MAGGIO 2004</p> <p>Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", via Portuense 292, Roma</p> <p>Sanità Pubblica</p> <p>Biologa (Co.Co.Co.) - Laboratorio di Virologia</p> <p>Attività di ricerca nell'ambito dei Progetti di Ricerca Finalizzata (R.F.02.139 e R.F.00.121) e del Progetto di Ricerca I.S.S. n. 40D.25</p> <p>10 GIUGNO 2002 – 01 MAGGIO 2003</p> <p>Daiichi Sankyo Italia S.p.A. (già Sankyo Pharma Italia Spa)</p> <p>Azienda Farmaceutica</p> <p>Informatore Scientifico del Farmaco</p> <p>Informazione Scientifica – Area Caserta</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Nome e indirizzo del datore di lavoro • Tipo di azienda o settore • Tipo di impiego • Principali mansioni e responsabilità 	<p>28 FEBBRAIO 2008</p> <p>Iscrizione all'Ordine Nazionale dei Biologi (N° d'ordine: EA_019988)</p> <p>Ordine Nazionale dei Biologi</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Nome e indirizzo del datore di lavoro • Tipo di azienda o settore • Tipo di impiego • Principali mansioni e responsabilità 	<p>22 NOVEMBRE 2007</p> <p>Università degli Studi "La Sapienza", Roma</p> <p>Tesi sperimentale ("Caratterizzazione virologica di HIV-1 in pazienti infetti trattati precocemente con terapia antiretrovirale e sottoposti a cicli multipli di interruzione") svolta presso il Laboratorio di Virologia della Dr.ssa MR. Capobianchi (INMI L. Spallanzani, Roma). Votazione finale 70/70</p> <p>Specializzazione in Microbiologia e Virologia, Area Medica (Indirizzo Tecnico)</p> <p>28 MAGGIO 2002</p> <p>Università degli Studi di Napoli "Federico II"</p> <p>Tesi sperimentale ("Determinazione Citofluorimetrica dei livelli di poli(ADP)ribosio in cellule tumorali umane") è stata svolta presso l'Azienda Ospedaliera Universitaria di Napoli "Federico II". Votazione finale 109/110</p> <p>Laurea in Scienze Biologiche Vecchio Ordinamento (Indirizzo Fisiopatologico)</p>
<p>ISTRUZIONE</p> <ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Qualifica conseguita Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio • Qualifica conseguita • Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio • Qualifica conseguita 	<p>28 FEBBRAIO 2008</p> <p>Iscrizione all'Ordine Nazionale dei Biologi (N° d'ordine: EA_019988)</p> <p>Ordine Nazionale dei Biologi</p> <p>22 NOVEMBRE 2007</p> <p>Università degli Studi "La Sapienza", Roma</p> <p>Tesi sperimentale ("Caratterizzazione virologica di HIV-1 in pazienti infetti trattati precocemente con terapia antiretrovirale e sottoposti a cicli multipli di interruzione") svolta presso il Laboratorio di Virologia della Dr.ssa MR. Capobianchi (INMI L. Spallanzani, Roma). Votazione finale 70/70</p> <p>Specializzazione in Microbiologia e Virologia, Area Medica (Indirizzo Tecnico)</p> <p>28 MAGGIO 2002</p> <p>Università degli Studi di Napoli "Federico II"</p> <p>Tesi sperimentale ("Determinazione Citofluorimetrica dei livelli di poli(ADP)ribosio in cellule tumorali umane") è stata svolta presso l'Azienda Ospedaliera Universitaria di Napoli "Federico II". Votazione finale 109/110</p> <p>Laurea in Scienze Biologiche Vecchio Ordinamento (Indirizzo Fisiopatologico)</p>

FORMAZIONE

Date

2003 – 2021Eventi formativi accreditati
e non

1. Partecipazione al webinar - Corso infezioni pre e perinatali, 29 settembre 2021;
2. Partecipazione al webinar - Corso di formazione ed aggiornamento per gli operatori dei laboratori BLS-3 e BLS-4 dell'INMI, 16/12/2021. ECM in corso di accreditamento;
3. Partecipazione all'Hepatitis Seminar News and perspectives about HDV infection, 03/12/2021, Roma. N. di crediti assegnati al corso 6;
4. Partecipazione al 31st European Congress of Clinical Microbiology and Infectious Diseases online, 9-12 July 2021;
5. Partecipazione al Corso FAD n. 289205 "L'importanza delle vaccinazioni di richiamo per la salute pubblica", dal 10 giugno 2020 al 30 maggio 2021, Provider standard Axenso srl accreditamento n. 4946. N. di crediti assegnati al corso 50;
6. Partecipazione all'evento Webinar "HIV & Coinfections 7th ICONA Foundation Meeting", 25-26 febbraio 2021;
7. Partecipazione al Corso di formazione per gli operatori di biosicurezza dell'INMI, 16-20 dicembre 2020, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani". N. di crediti assegnati al corso 14.4;
8. Corso "Gli adempimenti di gestione del RUP e del DEC in una procedura di gara: le linee guida n.3 dell'ANAC aggiornate al D.LGS. 56/2017 e al DM49/2018 e le novità introdotte dal D.L. 32/2019", 9 ottobre 2020, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani";
9. Partecipazione al Corso FAD n. 292318 "Emergenza Sanitaria da nuovo coronavirus SARS CoV-2: preparazione e contrasto", 28 febbraio- 28 aprile 2020, Istituto Superiore di Sanità. N. di crediti assegnati al corso 20.8;
10. Partecipazione al Meeting " From system biology to network medicine in Infectious Diseases, A brainstorming meeting", 13-14 gennaio 2020, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani";
11. Partecipazione al "Corso di Formazione ed aggiornamento per gli operatori sanitari dei laboratori di biosicurezza dell'INMI", 9 dicembre 2019, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani";
12. Partecipazione al "Corso BLS-D per operatori sanitari", 10 ottobre 2019, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani";
13. Partecipazione al corso "La Malaria: diagnosi di laboratorio", 18 settembre 2019, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani". N. di crediti assegnati al corso 7.5;
14. Partecipazione al corso " Focus sulla riorganizzazione della sorveglianza e dell'assistenza per l'infezione da HIV e per l'AIDS nella regione Lazio", 16 settembre 2019, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani". N. di crediti assegnati al corso 4;
15. Partecipazione al corso "Emergenze infettivologiche ad alta contagiosità", 24 maggio 2017, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani". N. di crediti assegnati al corso 3.3;
16. Partecipazione al workshop "EMERGE MinION sequencing of viral pathogens", 9-12 May 2017, Public Health of England (PHE), Porton Down, UK;
17. Partecipazione al General Annual Meeting del progetto europeo EbolaMoDRAD, 9-10 March 2017, Stockholm, Sweden;
18. Partecipazione al corso di formazione "Corso di formazione ed

- aggiornamento per gli operatori dei laboratori di Biosicurezza dell'INMI", 17 febbraio 2017, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani";
19. Partecipazione all'Update Meeting: Progetto MultiFIRE, 16 febbraio 2017, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani";
 20. Partecipazione VIII Congresso Nazionale ICAR, 06-08 giugno 2016, Milano;
 21. Partecipazione al 14th European Meeting on HIV & Hepatitis - Treatment strategies & Antiviral Drug Resistance, 25-27 May 2016, Rome;
 22. Partecipazione all'evento formativo "La nuova UNI EN ISO 9001:2015. Nuovi approcci di metodo nei laboratori di analisi", 10-18 dicembre 2015, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma. N. di crediti assegnati al corso 30;
 23. Partecipazione all'evento formativo "Micobatteri e malattia tubercolare", 19 novembre 2015, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma. In corso di accreditamento;
 24. Partecipazione al "Corso di formazione ed aggiornamento per gli operatori dei laboratori di Biosicurezza dell'INMI", 10-11 novembre 2015, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma. N. di crediti assegnati al corso 16.5;
 25. Partecipazione al Corso "Le emergenze di sanità pubblica del presente e del futuro: Malattia da Virus Ebola (MVE) e Sindrome respiratoria Medio-Orientale (Middle-East Respiratory Syndrome, MERS)", 13 ottobre 2015, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma. In corso di accreditamento;
 26. Partecipazione all'evento "(SC1) Health, demographic change and well-being: giornata Nazionale di Lancio dei Bandi 2016-17 in Horizon 2020", 6 ottobre 2015, Università Sapienza, Roma;
 27. Partecipazione al training on-job "Manipolazione di campioni con sospetta EVD (Ebola virus disease) ed esecuzione di esami ematochimici all'interno dei laboratori di biosicurezza BSL4", 2 ottobre 2015, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma;
 28. Partecipazione alla "Droplet Digital TM PCR Scientific Conference: Technology Evolution and New Applications", 16 settembre 2015, Roma;
 29. Partecipazione all'Italian Conference on AIDS and Retroviruses, 17-19 maggio 2015, Riccione. Crediti ECM:10;
 30. Partecipazione al corso "Introduzione all'analisi statistica con SPSS: dalla teoria alla pratica", dal 29 gennaio 2015 al 26 febbraio 2015, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma. Crediti ECM:27,5 (<http://ape.agenas.it/>);
 31. Partecipazione al corso su "La norma UNI EN ISO15189:2012 per i laboratori medici". 1° Giornata 04/12/2014 "Introduzione ai sistemi di gestione di qualità – L'accreditamento secondo ISO 15189"; 2° Giornata 05/12/2014 "I requisiti gestionali della norma ISO 15189"; 3° Giornata 12/12/2014 "I requisiti tecnici della norma ISO 15189"; 4° Giornata 18/12/2014 "Esempi applicativi della norma ISO 15189"; 5° Giornata 19/12/2014 "ISO 15189 versus ISO 9001 e ISO/IEC 17025 e approfondimenti", Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma. Crediti ECM:30;
 32. Partecipazione all'European AIDS Clinical Society Meeting (EACS) "Standard of care for HIV and Coinfections in Europe", 25-26

- novembre 2014, Ministero della Salute, Roma;
33. Partecipazione al Corso aziendale di base sulla sicurezza delle cure e sugli strumenti di gestione del rischio clinico, 28 ottobre 2014, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma. Crediti ECM:5 (<http://ape.agenas.it/>);
 34. Partecipazione al "PREDEMICS Annual General Assembly Meeting", 6-7 ottobre 2014, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma;
 35. Partecipazione al Corso teorico pratico "Il ruolo del laboratorio nella diagnosi delle zoonosi e delle malattie trasmesse da vettori", 1-2 ottobre 2014, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma. Crediti ECM:11 (<http://ape.agenas.it/>);
 36. Partecipazione al "Corso di formazione per formatori sulla malattia da virus Ebola per i medici dei servizi di Pronto Soccorso del Lazio", 25 settembre 2014, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma;
 37. Partecipazione al 19th International Bioinformatics Workshop on Virus Evolution and Molecular Epidemiology (VEME), 7-12 settembre 2014, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma;
 38. Partecipazione al 6° Congresso ICAR – Italian Conference on AIDS and Retroviruses, 25-27 maggio 2014, Roma. Crediti ECM:8;
 39. Partecipazione all'evento formativo "Virologia e diagnostica di laboratorio avanzata", 25 maggio 2014, Roma. Crediti ECM:2;
 40. Partecipazione al "Corso teorico-pratico sugli aspetti di biosicurezza e diagnosi degli agenti di gruppo di rischio 3 e 4", 14 aprile 2014, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma. Crediti ECM:19.6;
 41. Partecipazione al Predemics WP3 Workshop, 6-7 febbraio 2014, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma;
 42. Partecipazione al Workshop "Inflammation and chronic hepatitis/HIV infections: who is the driver?", 30-31 gennaio 2014, Milano. Crediti ECM:7;
 43. Partecipazione al corso di aggiornamento sulle epatiti virali, 6 dicembre 2013, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma.; Crediti ECM:4,5 (sito <http://ape.agenas.it/>);
 44. Partecipazione al face to face HIV Intercohorts Meeting, 22-23 novembre 2013, Roma;
 45. Partecipazione al V ICAR, Italian Conference on AIDS and Retrovirus, 12-14 maggio 2013, Torino. Crediti ECM:13;
 46. Partecipazione al 23rd ECCMID, 27-30 aprile 2013, Berlin, Germany;
 47. Partecipazione al Corso di Formazione "Advances in HIV Therapy: from Virology to Clinical Practice", 17 aprile 2013, Monteporzio Catone, Roma. Crediti ECM:6.8;
 48. Partecipazione all' "Italian User Meeting GS 454-Roche 2013", 11-12 aprile 2013, S. Michele all'Adige, Trento;
 49. Partecipazione al corso di aggiornamento Aspetti Di Biosicurezza E Di Diagnostica Degli Agenti Di Gruppo Di Rischio 3 E 4: Virus Emergenti, Il Nuovo Coronavirus Hcov-BSL3, 9-10 aprile 2013, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma. Crediti ECM:14,5;
 50. Partecipazione al Workshop "HIV cure and eradication: a feasible option?", 24-25 gennaio 2013, Milano. Crediti ECM:7;
 51. Partecipazione all'evento formativo "Studio epidemiologico delle nuove diagnosi di infezione da HIV nel Lazio (Sendih) – Workshop

- periodico – Dialogo fra pratica Clinica, Virologia e Epidemiologia molecolare”, 15 gennaio 2013, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma. Crediti ECM:3.7 (sito <http://ape.agenas.it/>);
52. Partecipazione al 5° Congresso Nazionale SIVIM, 28-30 novembre 2012, Milano. Crediti ECM:9; Partecipazione al “Corso di formazione all’utilizzo di Web of Science/Web of Knowledge e di Journal Citation Reports”, 26 ottobre 2012, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma. Crediti ECM:2;
 53. Partecipazione al “PREDEMICS Annual General Assembly Meeting”, 3-5 ottobre 2014, Palma de Majorca, Spagna;
 54. Partecipazione al 4° ICAR, Italian Conference on AIDS and Retroviruses, 10-12 giugno 2012, Napoli. Crediti ECM:4,5 (11 giugno) – 4 (12 giugno);
 55. Partecipazione al “Corso di formazione generale obbligatorio per i lavoratori dell’INMI ai sensi dell’art. 37 del D.lgs 81/2008 (conforme al nuovo accordo Stato-Regione del 21/12/2011). Settore: ATECO 7. Sanità”, 14 maggio 2012 e dall’ 11 al 25 ottobre 2012, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma. Crediti ECM:4.9 (14 maggio);
 56. Partecipazione al corso “Introduzione ai metodi statistici ed epidemiologici nella ricerca biomedica”, dal 12 aprile al 10 maggio 2012, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma. Crediti ECM:25.9;
 57. Partecipazione al congresso “Dopo la soppressione virologica: ottimizzazione della terapia antiretrovirale. Le strategie di switch e di semplificazione”, 2-3 aprile 2012, Firenze;
 58. Partecipazione al corso di aggiornamento “Aspetti Di Biosicurezza E Di Diagnostica Degli Agenti Di Gruppo Di Rischio 3 E 4: Risk assessment”, 31 gennaio - 01 febbraio 2012, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma;
 59. Partecipazione al congresso “Icona Incontra 2”, 25-26 gennaio 2012, Milano;
 60. Partecipazione all’8 Forum Sivim “I virus dell’epatite, patogenesi, terapia, e monitoraggio dell’infezione: attualità e prospettive”, 12-14 dicembre 2011, Roma. Crediti ECM:18;
 61. Partecipazione all’incontro dal titolo “HIV, HBV e HCV: clinici e virologi a confronto”, 26 ottobre 2011, Roma. Crediti ECM:2;
 62. Partecipazione al 6th International Workshop on HIV Transmission, 14-15 luglio 2011, Roma; Partecipazione al workshop “Studio epidemiologico nuove diagnosi di infezione da HIV- Stato dell’arte e presentazione report”, 12 aprile 2011, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma. Crediti ECM:2 (sito <http://ape.agenas.it/>);
 63. Partecipazione all’Italian Conference on AIDS and Retroviruses, 27-29 marzo 2011, Firenze;
 64. Partecipazione al 2°Incontro Utilizzatori Italiani 454 Roche Technology, 3-4 marzo 2011, Bari;
 65. Partecipazione al corso “Aspetti di biosicurezza degli agenti di gruppo di rischio 3 e 4: l’attività di diagnostica e di ricerca nei laboratori BSL3/4”, 25-26 gennaio 2011, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma. Crediti ECM:15;
 66. Partecipazione al 9°Congresso Nazionale SIMIT, 25 novembre 2010, Roma;

67. Partecipazione al 12th Annual International Meeting of the Institute of Human Virology, 4-8 ottobre 2010, Tropea, Calabria, Italy;
68. Partecipazione al XVIII International AIDS Conference, 19-23 July 2010, Vienna Austria;
69. Partecipazione all'Italian Conference on AIDS and Retroviruses, 20-22 giugno 2010, Facoltà di medicina e Chirurgia, Brescia. Crediti ECM:11;
70. Partecipazione al Corso di Perfezionamento in Bioinformatica applicata all'evoluzione molecolare e filogenesi degli agenti infettivi, 7-11 giugno 2010, Dipartimento di Scienze Cliniche dell'Ospedale "L. Sacco", Milano;
71. Partecipazione al 4° Congresso Nazionale SIVIM, 5-7 maggio 2010, Istituto Scientifico San Raffaele, Milano. Crediti ECM:11;
72. Partecipazione al 16th International Symposium on HIV and Emerging Infectious Diseases, ISHEID, 24-26 marzo 2010, Marseille, France;
73. Partecipazione al Corso di Analisi Dati per GS 454, 16-17 febbraio 2010, Roche Diagnostics Spa, Monza;
74. Partecipazione al "Training on Job", gennaio/marzo 2010, Laboratori di biosicurezza BSL-3 dell'INMI "L. Spallanzani", Roma;
75. Partecipazione al Corso "Aspetti di Biosicurezza e di Diagnostica degli Agenti di Gruppo di rischio 3 e 4: zoonosi virali", 15- 16 dicembre 2009, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma. Crediti ECM:16;
76. Partecipazione alla Giornata mondiale AIDS "Accesso universale e diritti umani", 1 dicembre 2009, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma;
77. Partecipazione all'"Incontro utilizzatori 454", 19-20 ottobre 2009, BMR Genomics, Padova;
78. Partecipazione al "Corso teorico-pratico sull'impatto delle infezioni emergenti, inclusa la nuova influenza pandemica, sul sistema trapianti", 28-29 settembre 2009, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma. Crediti ECM:7;
79. Partecipazione all'evento formativo "Nuove indagini diagnostiche per l'influenza A H1N1", 21-25 settembre 2009, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma. Crediti ECM:21;
80. Partecipazione al 5th IAS Conference on HIV Pathogenesis, Treatment and Prevention, 19-22 luglio 2009, Cape Town, South Africa;
81. Partecipazione al progetto formativo "Certificazione e Qualità nei laboratori analisi e virologia", dal 29 giugno al 3 luglio 2009, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma. Crediti ECM:13;
82. Corso teorico-pratico sull'utilizzo del programma gestionale del Laboratorio di Virologia, dal 1 giugno al 1 luglio 2009, presso il Laboratorio di Virologia, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma;
83. Partecipazione all'Italian Conference on AIDS and Retroviruses (ICAR), 24-26 maggio 2009, Milano. Crediti ECM:17;
84. Partecipazione all'European Congress of Clinical Microbiology and Infectious Diseases (ECCMID), 16-19 maggio 2009, Helsinki, Finland;
85. Partecipazione al corso di aggiornamento riservato agli operatori dei Laboratori di biosicurezza "Aspetti di biosicurezza e di diagnostica degli agenti di gruppo di rischio 3 e 4: zoonosi virali", 16-17 dicembre 2008, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma. Crediti ECM:16;
86. Partecipazione all'evento formativo "La cooperazione sanitaria a

- Pemba. Lotta alla tubercolosi e alla malaria”, 18 settembre 2008, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma. Crediti ECM:4;
87. Partecipazione all’evento formativo “Accesso ai farmaci nei paesi poveri”, 5 giugno 2008, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma. Crediti ECM:3;
 88. Partecipazione alla Conferenza “25 years of HIV”, 19-21 maggio 2008, Istituto Pasteur, Paris, France;
 89. Partecipazione al 3° Congresso Nazionale SIVIM, 6-8 maggio 2008, CNR, Roma. Crediti ECM:13; Partecipazione al Corso di aggiornamento per il personale del laboratorio sulla certificazione ISO 9000 e le nuove metodiche diagnostiche introdotte nella pratica di laboratorio di virologia, dal 18 febbraio 2008 al 31 maggio 2008, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma. Crediti ECM:12;
 90. Partecipazione all’evento formativo “Certificazione e qualità nei laboratori analisi e di virologia”, 29-31 gennaio 2008, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma. Crediti ECM:6;
 91. Partecipazione al corso di aggiornamento riservato agli operatori dei Laboratori di biosicurezza “Aspetti di biosicurezza e di diagnostica degli agenti di gruppo di rischio 3 e 4: l’influenza aviaria ed altri virus emergenti”, 17 dicembre 2007, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma. Crediti ECM:7;
 92. Partecipazione all’ISICR, Annual Meeting, 50th Anniversary of the Discovery of Interferons, 15-19 settembre 2007, Oxford;
 93. Partecipazione alla riunione del gruppo di studio per la quantificazione di HIV-DNA, 11 settembre 2007, Sezione di Microbiologia del Dipartimento di Medicina Clinica Specialistica e Sperimentale, Bologna;
 94. Partecipazione al “Training on Job” su “la manipolazione di agenti virali di gruppo di rischio 3”, 27-28 giugno 2007, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma;
 95. Partecipazione al “Workshop: Critical aspects of Highly Infectious Diseases”, 22-23 maggio 2007, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma;
 96. Partecipazione all’evento formativo “Problemi in epatologia: punti di vista a confronto”, 13 e 26 marzo, 17 aprile, 3, 15 e 29 maggio 2007, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma. Crediti ECM:19;
 97. Partecipazione all’evento formativo “Microarray: principi, applicazioni ed analisi dei dati”, 5 marzo 2007, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma. Crediti ECM:3;
 98. Partecipazione al 5° Forum Sivim “Infezioni nell’ospite immunocompromesso- Microbiologia, immunologia e clinica”, 1-3 febbraio 2007, Centro Congressi San Raffaele, Milano. Crediti ECM:12;
 99. Partecipazione all’evento formativo “Meningoencefaliti e infezioni opportunistiche del SNC in HIV”, 25 settembre 2006, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma. Crediti ECM:4;
 100. Partecipazione alla riunione del gruppo di studio per la quantificazione di HIV-DNA, 8 settembre 2006, Sezione di Microbiologia del Dipartimento di Medicina Clinica Specialistica e Sperimentale, Bologna;
 101. Partecipazione al “Corso teorico pratico sull’automatizzazione

- degli acidi nucleici”, 31 maggio 2005, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma. Crediti ECM:5;
102. Partecipazione all’“International Cancer Vaccine Conference” and “8th ECEAR 2006” Conference, 26 - 28 maggio 2006, Napoli;
 103. Partecipazione al corso “B1- 2 Gestione Biblioteca Scientifica”, 11 aprile 2006, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma;
 104. Partecipazione all’evento formativo “Aspetti virologici ed immunologici di infezioni acute virali”, 3 febbraio 2006, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma. Crediti ECM:5; Partecipazione all’evento formativo “Corso di aggiornamento sulle procedure per la manipolazione dei virus HPAI, SARS-COV ed altri agenti ad elevata patogenicità”, 14 dicembre 2005, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma. Crediti ECM:5;
 105. Partecipazione all’evento formativo “Strategie diagnostiche nelle malattie infettive: utilizzo ottimale delle nuove tecnologie nella diagnostica delle malattie infettive” articolato in tre seminari: “Polmoniti in HIV-”, “Polmoniti in HIV+”, “Polmoniti tubercolari”, 29 novembre, 13 dicembre e 20 dicembre 2005, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma. Crediti ECM:12;
 106. Partecipazione all’evento formativo “Strategie diagnostiche nelle malattie infettive: utilizzo ottimale delle nuove tecnologie nella diagnostica delle malattie infettive” articolato in tre seminari: “Infezioni Osteoarticolari”; “Infezioni trasmesse sessualmente”; “Infezioni nei trapiantati”, 25 ottobre, 8 novembre, 17 novembre 2005, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma. Crediti ECM:12;
 107. Partecipazione al 6th International Workshop on HIV “Cells of Macrophage/Dendritic Lineage, and Other Reservoirs”, 5-7 ottobre 2005, Varenna;
 108. Partecipazione all’evento formativo “Strategie diagnostiche nelle malattie infettive: utilizzo ottimale delle nuove tecnologie nella diagnostica delle malattie infettive” articolato in tre seminari “La Malaria”, “Epatiti acute”, “Epatiti croniche”, 20 settembre, 4 ottobre, 18 ottobre 2005, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma. Crediti ECM:11;
 109. Partecipazione all’evento formativo “La Malaria: dalla teoria alla pratica”, 19-20 settembre 2005, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma. Crediti ECM:10;
 110. Partecipazione all’evento formativo “Strategie diagnostiche nelle malattie infettive: utilizzo ottimale in clinica delle tecnologie classiche, avanzate, sperimentali” articolato in tre seminari: “Meningoencefaliti ed infezioni opportunistiche del SNC in HIV”; “Linfomi in HIV”; “Le sepsi”, 7 giugno, 21 giugno, 5 luglio 2005, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma. Crediti ECM:12;
 111. Partecipazione all’evento formativo II Congresso Nazionale “SIVIM”, 16-18 maggio 2005, Roma. Crediti ECM:11;
 112. Partecipazione al Progress Report Meeting del V Programma Nazionale di Ricerca sull’AIDS, 2 - 6 maggio 2005, Istituto Superiore di Sanità, Roma;
 113. Partecipazione al Corso di aggiornamento riservato agli operatori dei Laboratori di biosicurezza, 15-16 dicembre 2004, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive “L. Spallanzani”, Roma;

114. Partecipazione all'evento formativo "3° Forum SIVIM – Virus e tumori nell'uomo", 18-19 novembre 2004, "Hotel Sheraton", Roma. Crediti ECM:7;
115. Partecipazione all'evento formativo "Gestione della qualità nel settore sanitario" - ciclo di seminari articolati in dieci giorni dal 13 ottobre 2004 al 9 dicembre 2004, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma. Crediti ECM: 35;
116. Partecipazione al Corso di formazione per l'accesso ai Laboratori di biosicurezza, 25 maggio 2004, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma;
117. Partecipazione alla "Conferenza Nazionale sulla SARS", 20-21 novembre 2003, "Jolly Hotels Midas", Roma;
118. Partecipazione all'evento formativo "Aggiornamenti di Laboratorio" articolato in tre seminari: "Fattori cellulari coinvolti nella resistenza ai farmaci antiretrovirali"; "MSRV (Multiplesclerosis – associated retrovirus) e sclerosi multipla: epifenomeno o cofattore?"; "La diagnosi sierologica e molecolare delle infezioni da EBV", 19-20 giugno/1 luglio 2003, Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma. Crediti ECM:4.

Eventi formativi specifici sulla filogenesi e sulle tecnologie di sequenziamento di ultima generazione

- Partecipazione al "Ion S5 + Chef System Operational Training", ThermoFisher Scientific, 19-20 Marzo 2018, Roma
- Partecipazione al workshop "EMERGE MinION sequencing of viral pathogens", 9-12 May 2017, Public Health of England (PHE), Porton Down, UK
- 19th "International Bioinformatics Workshop on Virus Evolution and Molecular Epidemiology", 7 - 12 Settembre 2014, Roma
- "Italian User Meeting GS 454-Roche 2013", 11-12 Aprile 2013, S. Michele all'Adige, Trento
- 2°Incontro Utilizzatori Italiani 454 Roche Technology, 3-4 Marzo 2011, Bari
- Corso di Perfezionamento in Bioinformatica applicata all'evoluzione molecolare e filogenesi degli agenti infettivi, 7-11 giugno 2010, Dipartimento di Scienze Cliniche dell'Ospedale "L. Sacco", Milano
- Corso di Analisi Dati per GS 454, 16-17 febbraio 2010, Roche Diagnostics Spa, Monza
- "Incontro utilizzatori 454", 19–20 ottobre 2009, BMR Genomics, Padova

ATTIVITÀ DI INSEGNAMENTO

Date

Corso e Qualifica conseguita
Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione

7 aprile 2021

Master di II livello in virologia molecolare", "Applicazioni in campo virologico delle tecnologie di sequenziamento di ultima generazione"
Università degli studi di Roma "La Sapienza"

Date

Corso e Qualifica conseguita
Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione

15 ottobre 2019

Aggiornamenti sull'uso delle metodiche dei next generation sequencing in ambito microbiologico
Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma.
Crediti ECM:2

Date

10 aprile 2019

Corso e Qualifica conseguita Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione	Master di II livello in virologia molecolare", "Tecniche di sequenziamento di ultima generazione e applicazioni in campo virologico" Università degli studi di Roma "La Sapienza"
Date	18 aprile 2018
Corso e Qualifica conseguita Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione	Master di II livello in virologia molecolare", "Tecniche di sequenziamento di ultima generazione e applicazioni in campo virologico" Università degli studi di Roma "La Sapienza"
Date	19 aprile 2017
Corso e Qualifica conseguita Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione	Master di II livello in virologia molecolare", "Tecniche di sequenziamento di ultima generazione e applicazioni in campo virologico" Università degli studi di Roma "La Sapienza"
Date	20 aprile 2016
Corso e Qualifica conseguita	Master di II livello in virologia molecolare, "Applicazioni in campo virologico delle tecnologie di sequenziamento di ultima generazione"
Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione	Università degli studi di Roma "La Sapienza"
Date	24-25 Novembre 2015
Corso e Qualifica conseguita Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione	Corso di formazione "Infezione da HIV: conoscere meglio l'epidemia per meglio orientare la prevenzione" 1°/2° edizione Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani"
Date	13-16 Dicembre 2010
Corso	Evento formativo "Sequenziamento genico ed applicazioni bioinformatiche per lo studio dell'evoluzione molecolare e della filogenesi dei microrganismi", Crediti ECM:2 Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani"
Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione	Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani"
Date	28 Maggio 2010
Corso	Evento formativo "Nuove frontiere della genomica: applicazioni in campo virologico", Crediti ECM:2 Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani"
Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione	Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani"
Date	14 Marzo 2008
Corso	Master Universitario I Livello "Sorveglianza e controllo delle malattie trasmissibili" Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani"
Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione	Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani"

Relatrice a congressi:

1. Rozera G, Visco-Comandini U, Giombini E, Santini F, Forbici F, De Paolis P, Colonnelli R, D'Offizi G, Ettorre GM, Grossi P, Capobianchi MR, Ippolito G, Abbate I. Analysis and evolution of peripheral blood reservoir quasispecies in a HIV D+ /R+ kidney-liver transplantation. ECCMID 2021;
2. Rozera G, Pinnetti C, Abbate I, Amendola A, Orchi N, Pierro P, Lorenzini P, Bordoni V, Antinori A, Capobianchi MR, Ammassari A. More pronounced decline of proviral load in peripheral lymphomonocytes is associated with cART started during acute compared to

- recent primary HIV infection. Italian Conference on AIDS and Retroviruses. Riccione 17-19 maggio 2015;
3. Rozera G, Abbate I, Giombini E, Castagna A, De Luca A, Ceccherini-Silberstein F, Cozzi Lepri A, Cassola G, Torti C, d'Arminio Monforte A, Ippolito G and Capobianchi MR on behalf of the ICONA Foundation Group. Analysis of peripheral HIV reservoir, tropism and soluble immune activation markers during long cART in naive patients. ICAR, 25-27 maggio 2014, Roma;
 4. Rozera G, Abbate I, Giombini E, Vlassi C, D'Offizi G, Corpolongo A, Lionetti R, Selleri M, Bartolini B, Baiocchini A, Del Nonno F, Capobianchi MR. "Quasispecies tropism and compartmentalization in gut and peripheral blood during early and chronic phases of HIV infection: possible correlation with immune activation markers" *New Microbiologica* 2013, 36 (Suppl.1):49-50 – ICAR, 12-14 maggio 2013, Torino;
 5. Rozera G, Abbate I, Giombini E, Vlassi C, D'Offizi G, Corpolongo A, Lionetti R, Selleri M, Bartolini B, Baiocchini A, Del Nonno F, Capobianchi MR "HIV quasispecies tropism and viral compartmentalization in gut and peripheral blood in early as compared to chronically infected patients", 23rd ECCMID 27 – 30 April 2013, Berlin, Germany;
 6. Rozera G, Abbate I, Giombini E, Vlassi C, D'Offizi G, Corpolongo A, Lionetti R, Selleri M, Bartolini B, Baiocchini A, Del Nonno F, Capobianchi MR "Quasispecies tropism of gut associated HIV, virus compartmentalization and immune activation in early infected patients" Workshop "HIV cure and eradication: a feasible option?", 24-25 gennaio 2013, Milano;
 7. Rozera G, Abbate I, Giombini E, Vlassi C, D'Offizi G, Corpolongo A, Lionetti R, Selleri M, Bartolini B, Baiocchini A, Del Nonno F, Capobianchi MR "Presence of X4 variants in HIV quasispecies from gut biopsies and peripheral blood in early and chronically infected patients: possible correlations with immune activation and microbial translocation" 5° Congresso Nazionale SIVIM, 28-30 novembre 2012, Milano;
 8. Rozera G, Abbate I, Giombini E, Vlassi C, Lionetti R, Selleri M, Bartolini B, D'Offizi G, Capobianchi MR "CXCR4 using variants in gut biopsies from early and chronic HIV infection detected by ultra-deep sequencing" 4° ICAR, 10-12 giugno 2012, Napoli;
 9. Rozera G, Abbate I, Giombini E, Castagna A, De Luca A, Ceccherini-Silberstein F, Cozzi Lepri A, Cassola G, Torti C, Ippolito G, Capobianchi MR "HIV-1 tropism under long lasting cART assessed by conventional and ultra-deep sequencing" 4° ICAR, 10-12 giugno 2012, Napoli;
 10. Rozera G, Abbate I, Giombini E, Castagna A, De Luca A, Ceccherini-Silberstein F, Cozzi Lepri A, Cassola G, Torti C, Ippolito G, Capobianchi MR "Studio dell'evoluzione del tropismo della quasispecie di HIV-1 in pazienti sottoposti a prolungata terapia cART, mediante ultra-deep pyrosequencing" "Dopo la soppressione virologica: ottimizzazione della terapia antiretrovirale. Le strategie di switch e di semplificazione", svoltosi il 2-3 aprile 2012 a Firenze;
 11. Rozera G, Abbate I, Vlassi C, Bruselles A, Bartolini B, Giombini E, Corpolongo A, D'Offizi G, Narciso P, Capobianchi MR. "Dynamics and compartmentalization of CXCR4-using HIV variants during the early phases of HIV infection, established by ultra-sensitive next generation sequencing" *Infection* 2011, Vol.39 (suppl.1):37 – ICAR, 27-29 marzo 2011, Firenze;

12. Rozera G, Abbate I, Vlassi C, Bruselles A, Bartolini B, D'Offizi G, Narciso P, Lionetti R, Capobianchi MR. Analysis of HIV-1 quasispecies by ultra-deep pyrosequencing in gut biopsies and plasma samples from acutely infected patients. *Infection* 2010, Vol.38 (suppl.1):19 – ICAR, 20-22 giugno 2010, Brescia;
13. Rozera G, Abbate I, Bruselles A, Chillemi G, Vlassi C, D'Offizi G, Narciso P, Capobianchi MR. “Studio della Quasispecie HIV di Derivazione Monocitaria e Linfocitaria in Pazienti Cronici al Momento della Interruzione della Terapia HAART Mediante Ultra-deep Pyrosequencing”, 3° Congresso Nazionale SIVIM, 6-8 maggio 2008, Roma.

1. Vicenti I, Dragoni F, Giannini A, Casabianca A, Lombardi F, Di Sante L, Turriziani O, Racca S, Paolucci S, Lai A, Bon I, Abbate I, **Rozera G**, Belmonti S, Scutari R, Alteri C, Saladini F, Zazzi M; Italian HIV DNA Network. External quality assessment of HIV-1 DNA quantification assays used in the clinical setting in Italy. *Sci Rep.* 2022 Feb 28;12(1):3291.
2. **Rozera G**, Visco-Comandini U, Giombini E, Santini F, Forbici F, Berno G, Gruber C, De Paolis P, Colonnelli R, D'Offizi G, Ettorre GM, Grossi P, Capobianchi MR, Ippolito G, Abbate I. Analysis of HIV quasispecies and virological outcome of an HIV D+/R+ kidney-liver transplantation. *Virology*. 2022 Jan 6;19(1):4.
3. Matusali G, Colavita F, Lapa D, Meschi S, Bordi L, Piselli P, Gagliardini R, Corpolongo A, Nicastrì E, Antinori A, Ippolito G, Capobianchi MR, Castilletti C, **Inmi Covid-Laboratory Team**. SARS-CoV-2 Serum Neutralization Assay: A Traditional Tool for a Brand-New Virus. *Viruses*. 2021 Apr 10;13(4):655.
4. Montaldo C, Messina F, Abbate I, Antonioli M, Bordoni V, Aiello A, Ciccocanti F, Colavita F, Farroni C, Najafi Fard S, Giombini E, Goletti D, Matusali G, **Rozera G**, Rueca M, Sacchi A, Piacentini M, Agrati C, Fimia GM, Capobianchi MR, Lauria FN, Ippolito G. Multi-omics approach to COVID-19: a domain-based literature review. *J Transl Med.* 2021; 19:501.
5. Fabeni L, **Rozera G**, Berno G, Giombini E, Gori C, Orchi O, De Carli G, Pittalis S, Puro V, Pinnetti C, Mondì A, Camici M, Plazzi MM, Antinori A, Capobianchi MR, Abbate I. Molecular transmission dynamics of Primary HIV Infections in Lazio region, years 2013-2020, *Viruses* 2021;13:176.
6. Colavita F, Lapa D, Carletti F, Lalle E, Messina F, Rueca M, Matusali G, Meschi S, Bordi L, Marsella P, Nicastrì E, Marchioni L, Mariano A, Scorzolini L, Ascoli Bartoli T, Di Caro A, Ippolito G, Capobianchi MR, Castilletti C; **INMI COVID-19 Laboratory Team** and INMI COVID-19 Study Group. Virological Characterization of the First 2 COVID-19 Patients Diagnosed in Italy: Phylogenetic Analysis, Virus Shedding Profile From Different Body Sites, and Antibody Response Kinetics. *Open Forum Infect Dis.* 2020;7:ofaa403.
7. Amendola A, Bibbolino G, Navarra A, Pisciotta M, Marsella P, Pinnetti C, Abbate I, **Rozera G**, Mondì A, Antinori A, Capobianchi MR, Girardi E, Ammassari A. Slow or fast viral load decay as a predictor of residual viremia level in HIV-infected patients undergoing successful first-line cART. *New Microbiol.* 2017;40(4):234-241. IF: 1.568
8. Biava M, Colavita F, Marzorati A, Russo D, Pirola D, Cocci A, Petrocelli A, Delli Guanti M, Cataldi G, Kamara TA, Kamara AS, Konneh K, Cannas A, Coen S, Quartu S, Meschi S, Valli MB, Mazzarelli A, Venditti C, Grassi G, **Rozera G**, Castilletti C, Mirazimi A, Capobianchi MR, Ippolito G, Miccio R, Di Caro A. Evaluation of a rapid and sensitive RT-qPCR assay for the detection of Ebola Virus. *J Virol Methods.* 2018 Feb;252:70-74. IF: 1.693
9. **Rozera G**, Fabbri G, Lorenzini P, Mastroianni I, Timelli L, Zaccarelli M, Amendola A, Vergori A, Plazzi MM, Cicalini S, Antinori A, Capobianchi MR, Abbate I, Ammassari A. Peripheral blood HIV-1 DNA dynamics in antiretroviral-treated HIV/HCV co-infected patients receiving directly-acting antivirals. *PLoS One.* 2017 Oct 27;12(10):e0187095. IF: 3.540
10. Mancone C, Grimaldi A, Refolo G, Abbate I, **Rozera G**, Benelli D, Fimia GM, Barnaba V, Tripodi M, Piacentini M, Ciccocanti F. Iron overload down-regulates the expression of the HIV-1 Rev cofactor eIF5A in

- infected T lymphocytes. *Proteome Sci.* 2017 Aug 4;15:18. IF: 2.230
11. Selleri M, Dolcetti R, Caccuri F, Giombini E, **Rozera G**, Abbate I, Mammone A, Zanussi S, Martorelli D, Fiorentini S, Caruso A, Capobianchi MR. In-depth analysis of compartmentalization of HIV-1 matrix protein p17 in PBMC and plasma. *New Microbiol.* 2017 Jan 9;40(1). IF: 1.629
 12. Caglioti C, Selleri M, **Rozera G**, Giombini E, Zaccaro P, Valli MB, Capobianchi MR. In-Depth Analysis of HA and NS1 Genes in A(H1N1)pdm09 Infected Patients. *PLoOne.* 2016 May 17;11(5):e0155661. IF: 3.234
 13. St John EP, Simen BB, Turenchalk GS, Braverman MS, Abbate I, Aerssens J, Bouchez O, Gabriel C, Izopet J, Meixenberger K, Di Giallonardo F, Schlapbach R, Paredes R, Sakwa J, Schmitz-Agheguian GG, Thielen A, Victor M, Metzner KJ, Däumer MP; **454 HIV-1 Alpha Study Group**. A Follow-Up of the Multicenter Collaborative Study on HIV-1 Drug Resistance and Tropism Testing Using 454 Ultra Deep Pyrosequencing. *PLoS One.* 2016 Jan 12;11(1):e0146687. IF: 3.057
 14. Dolcetti R, Giagulli C, He W, Selleri M., Caccuri F, Eyzaguirre LM., Mazzuca P, Corbellini S, Campilongo F, Marsico S, Giombini E, Muraro E, **Rozera G**, De Paoli P, Carbone A, Capobianchi MR., Ippolito G, Fiorentini S, Blattner W, Lu W, Gallo RC, and Caruso A. Role of HIV-1 matrix protein p17 variants in Lymphoma Pathogenesis. *PNAS* 2015; 112:14331-6. I.F. 9.674
 15. Bartolini B, Giombini E, Abbate I, Selleri M, **Rozera G**, Biagini T, Visco-Comandini U, Taibi C, Capobianchi MR. Near full length hepatitis C virus genome reconstruction by next generation sequencing based on genotype-independent amplification. *Dig Liver Dis.* 2015; 47:608-12. I.F. 2.963
 16. Bordoni V, Bibas M, Abbate I, Viola D, **Rozera G**, Agrati C, Rinaldi A, Amendola A, Ammassari A, Capobianchi MR, Martini F. Bone marrow CD34+ progenitor cells may harbour HIV-DNA even in successfully treated patients. *Clin Microbiol Infect.* 2015; 21:290.e5-8. I.F. 5.768
 17. Bordoni V, Casetti R, Viola D, Abbate I, **Rozera G**, Sacchi A, Cimini E, Tumino N, Agrati C, Orchi N, Pinnetti C, Ammassari A, Martini F. Early ART in primary HIV infection may also preserve lymphopoiesis capability in circulating haematopoietic progenitor cells: a case report. *J Antimicrob Chemother.* 2015; 70:1598-600. I.F. 5.313
 18. **Rozera G**, Abbate I, Giombini E, Castagna A, De Luca A, Ceccherini-Silberstein F, Cozzi Lepri A, Cassola G, Torti C, d'Arminio Monforte A, Ippolito G, Capobianchi MR on behalf of the ICONA Foundation Group. Evolution of HIV-1 tropism at quasispecies level after 5 years of combination antiretroviral therapy in patients always suppressed or experiencing episodes of virological failure. *J Antimicrob Chemother.* 2014; 69:3085-94. I.F. 5.313
 19. Giombini E, Dolcetti R, Caccuri F, Selleri M, **Rozera G**, Abbate I, Bartolini B, Martorelli D, Faè DA, Fiorentini S, Giagulli C, Capobianchi MR, Caruso A. Detection of HIV-1 Matrix Protein p17 Quasispecies Variants in Plasma of Chronic HIV-1-Infected Patients by Ultra-Deep Pyrosequencing. *J Acquir Immune Defic Syndr.* 2014; 66:332-9. I.F. 4.556
 20. Simen BB, Braverman MS, Abbate I, Aerssens J, Bidet Y, Bouchez O, Gabriel C, Izopet J, Kessler HH, Stelzl E, Di Giallonardo F, Schlapbach R, Radonic A, Paredes R, Recordon-Pinson P, Sakwa J, St John EP, Schmitz-Agheguian GG, Metzner KJ, Däumer MP; 454 HIV Alphastudy Group. An international multicenter study on HIV-1 drug resistance

- testing by 454 ultra-deep pyrosequencing. *J Virol Methods*. 2014; 204:31-7. I.F. 1.781
21. Solmone M, Giombini E, Vincenti D, **Rozera G**, Testa A, Moscetti A, Catalano M, Abbate I, Capobianchi MR, Menzo S. Slow response to entecavir treatment in treatment-naive HBV patients is conditioned by immune response rather than by the presence or selection of refractory variants. *Antivir Ther* 2014; 19:201-209. I.F. 3.020
 22. Meini G, Rossetti B, Bianco C, Ceccherini-Silberstein F, Di Giambenedetto S, Sighinolfi L, Monno L, Castagna A, **Rozera G**, D'Arminio Monforte A, Zazzi M, De Luca A; on behalf of the ICONA Foundation Group. Longitudinal analysis of HIV-1 coreceptor tropism by single and triplicate HIV-1 RNA and DNA sequencing in patients undergoing successful first-line antiretroviral therapy. *J Antimicrob Chemother* 2014; 69:735-41. I.F. 5.313
 23. **Rozera G**, Abbate I, Vlassi C, Giombini E, Lionetti R, Selleri M, Zaccaro P, Bartolini B, Corpolongo A, D'Offizi G, Baiocchini A, Del Nonno F, Ippolito G, Capobianchi MR. Quasispecies tropism and compartmentalization in gut and peripheral blood during early and chronic phases of HIV-1 infection: possible correlation with immune activation markers. *Clin Microbiol Infect* 2014; 20:O157-66. I.F. 5.768
 24. Bartolini B, Giombini E, Zaccaro P, Selleri M, **Rozera G**, Abbate I, Comandini UV, Ippolito G, Solmone M, Capobianchi MR. Extent of HCV NS3 protease variability and resistance-associated mutations assessed by next generation sequencing in HCV monoinfected and HIV/HCV coinfecting patients. *Virus Res* 2013; 177:205-8. I.F. 2.827
 25. Svicher V, Cento V, **Rozera G**, Abbate I, Santoro MM, Armenia D, Palamara G, Rizzardini G, Sarmati L, Bruselles A, Fabeni L, Gori C, Forbici F, Ceccherini-Silberstein F, Capobianchi MR, Perno CF. The Genotypic False Positive Rate Determined by V3 Population Sequencing Can Predict the Burden of HIV-1 CXCR4-using Species Detected by Pyrosequencing. *Plos One* 2013; 8:e53603. doi: 10.1371/journal.pone.0053603. I.F. 3.534
 26. Capobianchi MR, Giombini E, **Rozera G**. Next-generation sequencing technology in clinical virology. *Clin Microbiol Infect* 2013; 19:15-22. I.F. 5.197
 27. Chandramouli B, Chillemi G, Giombini E, Capobianchi MR, **Rozera G**, Desideri A. Structural dynamics of V3 loop with different electrostatics: implications on co-receptor recognition: a molecular dynamics study of HIV gp120. *J Biomol Struct Dyn* 2013; 31:403-13. I.F. 2.983
 28. **Rozera G**, Abbate I, Ciccozzi M, Lo Presti A, Bruselles A, Vlassi C, D'Offizi G, Narciso P, Giombini E, Bartolini B, Ippolito G, Capobianchi MR. Ultra-deep sequencing reveals hidden HIV-1 minority lineages and shifts of viral population between the main cellular reservoirs of the infection after therapy interruption. *J Med Virol* 2012; 84:839-44. I.F. 2.373
 29. Selleri M, Piralla A, **Rozera G**, Giombini E, Bartolini B, Abbate I, Campanini G, Rovida F, Dossena L, Capobianchi MR, Baldanti F. Detection of haemagglutinin D222 polymorphisms in influenza A(H1N1)pdm09-infected patients by ultra-deep pyrosequencing. *Clin Microbiol Infect* 2013; 19:668-73. I.F. 4.578
 30. Balasubramanian C, Chillemi G, Abbate I, Capobianchi MR, **Rozera G**, Desideri A. Importance of V3 Loop Flexibility and Net Charge in the Context of Co-Receptor Recognition. A Molecular Dynamics Study on HIV gp120. *J Biomol Struct Dyn* 2012; 29:879-891. I.F. 2.983

31. **Rozera G**, Bordi L, Scognamiglio P, Minosse C, Loffredo M, Antinori A, Narciso P, Ippolito G, Girardi E, Capobianchi MR; GEAS Group. Monophyletic outbreak of Hepatitis A involving HIV-infected men who have sex with men, Rome, Italy 2008-2009. *J Clin Virol.* 2012; 54:26-9. I. F. 3.287
32. Bartolini B, Chillemi G, Abbate I, Bruxelles A, **Rozera G**, Castrignanò T, Paoletti D, Picardi E, Desideri A, Pesole G, Capobianchi MR. Assembly and characterization of pandemic influenza A H1N1 genome in nasopharyngeal swabs using high-throughput pyrosequencing. *New Microbiol.* 2011, 34:391-7. I.F. 1.000
33. Nicastrì E, Tommasi C, Abbate I, Bonora S, Tempestilli M, Bellagamba R, Viscione M, **Rozera G**, Gallo AL, Ivanovic J, Amendola A, Pucillo L, Di Perri G, Capobianchi MR, Narciso P. Effect of raltegravir on the total and unintegrated proviral HIV DNA during raltegravir-based HAART. *Antivir Ther.* 2011, 16:797-803. I.F. 3.161
34. Alteri C, Santoro MM, Abbate I, **Rozera G**, Bruxelles A, Bartolini B, Gori C, Forbici F, Orchi N, Tozzi V, Palamara G, Antinori A, Narciso P, Girardi E, Svicher V, Ceccherini-Silberstein F, Capobianchi MR, Perno CF. 'Sentinel' mutations in standard population sequencing can predict the presence of HIV-1 reverse transcriptase major mutations detectable only by ultra-deep pyrosequencing. *J Antimicrob Chemother.* 2011, 66:2615-23. I.F. 5.068
35. Abbate I, **Rozera G**, Giombini E, D'Offizi G, Nicastrì E, Narciso P, Ippolito G, Capobianchi MR. Deep sequencing of plasma and proviral HIV-1 to establish coreceptor usage: what is the clinical impact of the quasispecies distribution? *J Infect Dis.* 2011, 204:971-3. I.F. 6.410
36. Prosperi MC, Prosperi L, Bruxelles A, Abbate I, **Rozera G**, Vincenti D, Solmone MC, Capobianchi MR, Ulivi G. Combinatorial analysis and algorithms for quasispecies reconstruction using next-generation sequencing. *BMC Bioinformatics* 2011 5:12:5. I.F. 2.751
37. Abbate I, Vlassi C, **Rozera G**, Bruxelles A, Bartolini B, Giombini E, Corpolongo A, D'Offizi G, Narciso P, Desideri A, Ippolito G, Capobianchi MR. Detection of quasispecies variants predicted to use CXCR4 by ultra-deep pyrosequencing during early HIV infection. *AIDS* 2011, 25:611-7. I.F. 5.554
38. Sacchi A, Agrati C, D'Offizi G, Vlassi C, **Rozera G**, Abbate I, Capobianchi MR, Martini F. The basal activation state of DC subsets correlates with anti-HCV treatment outcome in HCV/HIV co-infected patients. *Clin Immunol.* 2011, 138:178-86. I.F. 4.046
39. Abbate I, **Rozera G**, Tommasi C, Bruxelles A, Bartolini B, Chillemi G, Nicastrì E, Narciso P, Ippolito G, Capobianchi MR. Analysis of co-receptor usage of circulating viral and proviral HIV genome quasispecies by ultra-deep pyrosequencing in patients candidate to CCR5 antagonist treatment. *Clin Microbiol Infect* 2011, 17:725-31. I.F. 4.014
40. De Rossi A, Zanchetta M, Vitone F, Antonelli G, Bagnarelli P, Buonaguro L, Capobianchi MR, Clementi M, Abbate I, Canducci F, Monachetti A, Riva E, **Rozera G**, Scagnolari C, Tagliamonte M, Re MC; SIVIM (Italian Society of Medical Virology) Group. Quantitative HIV-1 proviral DNA detection: a multicentre analysis. *New Microbiol.* 2010, 33:293-302. I.F. 0.688
41. **Rozera G**, Abbate I, Bruxelles A, Bartolini B, D'Offizi G, Nicastrì E, Tommasi C, Capobianchi MR. Comparison of real-time PCR methods for measurement of HIV-1 proviral DNA. *J Virol Methods* 2010, 164:135-138. I.F. 2.077

42. Menzo S, Vincenti D, Solmone M, Prosperi M, Bruselles A, Abbate I, **Rozera G**, Capobianchi MR. Low-Abundance drug-resistance mutations: extending the HIV paradigm to HBV. *J Infect Dis.* 2009, 200:1798-9. I.F. 5.682
43. **Rozera G**, Abbate I, Bruselles A, Vlassi C, D'Offizi G, Narciso P, Chillemi G, Prosperi M, Ippolito G, Capobianchi MR. Archived HIV-1 minority variants detected by ultra-deep pyrosequencing in provirus may be fully replication competent. *AIDS* 2009, 23:2541-3. I.F. 5.460
44. Bruselles A, **Rozera G**, Bartolini B, Prosperi M, Del Nonno F, Narciso P, Capobianchi MR, Abbate I. Use of massive parallel pyrosequencing for near full-length characterization of a unique HIV Type 1 BF recombinant associated with a fatal primary infection. *AIDS Res Hum Retroviruses* 2009,25:937- 42. I.F. 2.024
45. **Rozera G**, Abbate I, Bruselles A, Vlassi C, D'Offizi G, Narciso P, Chillemi G, Prosperi M, Ippolito G, Capobianchi MR. Massively parallel pyrosequencing highlights minorità variants in the HIV-1 env quasispecies derivino from lymphomonocyte sub-populations. *Retrovirology* 2009, 12:6-15. I.F. 4.042
46. D'Offizi G, Martini F, **Rozera G**, Abbate I, Capobianchi MR, Narciso P, Dianzani F. Comment on Neumann et al. 'Differential antiviral effect of PEG-interferon-alpha-2b on HIV and HCV in the treatment of HIV/HCV co-infected patients'. *AIDS* 2008, 22:321. I.F. 5.460
47. Dianzani F, **Rozera G**, Abbate I, D'Offizi G, Abdeddaim A, Vlassi C, Antonucci G, Narciso P, Martini F, Capobianchi MR. IFN may prevent HIV viral rebound after HAART interruption in HIV patients. *J. Interferon Cyt. Res.* 2008, 28:1-3. I.F. 1.774
48. **Rozera G**, Abbate I, D'Offizi G, Corpolongo A, Narciso P, Vlassi C, Martini F, Calcaterra S, Capobianchi MR. Virological characterization of patients treated early is able to control HIV-1 replication after multiple cycles of structured therapy interruption. *J. Med. Virol.* 2007, 79:1047-1054. I.F. 2.576
49. Castilletti C, Falasca L, Ciccocanti F, Calcaterra S, Bordi L, **Rozera G**, Di Caro A, Zaniratti S, Ippolito G, Piacentini M, Capobianchi MR. Bcl-2 inhibits the caspase-dependent apoptosis induced by SARS-CoV without affecting virus kinetics. *Arch. Virol.* 2006, 151(2):369-77. I.F. 2.020
50. Castilletti C, Bordi L, Lalle E, **Rozera G**, Poccia F, Agrati C, Abbate I, Capobianchi MR. Coordinate Induction of IFN-alpha and -gamma by SARS-CoV in Human PBMC Cultures in the Absence of Virus Replication. *Virology* 2005, 341:163-9. I.F. 3.539

**ARTICOLI SCIENTIFICI PUBBLICATI
SU RIVISTE NON INDICIZZATE**

1. **Rozera G**, Capobianchi MR. HIV reservoir: metodi di misurazione, strategie cliniche per identificarlo e approfondimenti sulla qualità. *Readfiles Anno 18 - N.3 settembre 2017*;
2. Giombini E, Bartolini B, **Rozera G**, Selleri M, Zaccaro P, Capobianchi MR and Abbate I. Metagenomic approach for discovering new pathogens in infection disease outbreaks. *Microbiologia Medica*. 2011, 26:153-155;
3. Capobianchi MR, Amendola A, **Rozera G**. Ultradeepsequencing nello studio delle popolazioni virali minoritarie. *Readfiles 2011 N.2/11 giugno*.

**PRESENTAZIONI A CONGRESSI
PUBBLICATE SU RIVISTE
INTERNAZIONALI E NAZIONALI**

1. Pinnetti C, Abbate I, Lorenzini P, Orchi N, Gori C, Amendola A, Libertone R, **Rozera G**, Plazzi MM, Fabbri G, Capobianchi MR, Antinori A, Ammassari A. Comparison of (TDF+FTC) associated with either darunavir/ritonavir+raltegravir or dolutegravir: virological efficacy of two different treatment strategies for primary HIV infection (PHI), HIV-Drug therapy. Glasgow, 23-26 October 2016. *Journal of the International AIDS Society 2016*, 19 (Suppl 7);
2. Minosse C, Baiocchini A, Selleri M, Giombini E, Coen S, Zaccaro P, **Rozera G**, Vincenti D, Del Nonno F, Visco Comandini U, Lionetti R, Montalbano M, D'Offizi G, Vivarelli M, Capobianchi MR, Menzo S. "Hbv genetic compartmentalization, variability and molecular correlates of histologic and immunohistochemical aspects in liver tissue: implications for the clinical management of patients with chronic hepatitis B", *Digestive and Liver Disease 2015*, 47 (Suppl 1): e62-63;
3. Ammassari A, Abbate I, Orchi N, Pinnetti C, **Rozera G**, Libertone R, Pierro P, Martini F, Puro V, Girardi E, Antinori A, Capobianchi MR. Acute HIV infection (AHI) in a specialized clinical setting: case-finding, description of virological, epidemiological and clinical characteristics. *J Int AIDS Soc*. 2014;17 (4 Suppl 3):19676. doi: 10.7448/IAS.17.4.19676;
4. **Rozera G**, Abbate I, Giombini E, Vlassi C, D'Offizi G, Corpolongo A, Lionetti R, Selleri M, Bartolini B, Baiocchini A, Del Nonno F, Capobianchi MR. "Quasispecies tropism and compartmentalization in gut and peripheral blood during early and chronic phases of HIV infection: possible correlation with immune activation markers" *New Microbiologica 2013*, 36 (Suppl.1):49-50;
5. Bartolini B, Giombini E, Zaccaro P, Selleri M, **Rozera G**, Abbate I, Visco-Comandini U, Testa A, Solmone M, Capobianchi MR. "Extent of HCV NS3 protease variability and resistance-associated mutations in DAA-naive patients with/without HIV coinfection assessed by next generation sequencing" *New Microbiologica 2013*, 36 (Suppl.1):114-115;
6. Amendola A, Abbate I, **Rozera G**, Pinnetti C, Ammassari A, Lorenzini P, Ottou S, Bibbolino G, Zaccarelli M, Girardi E, Antinori A, Capobianchi MR. "Residual viremia and proviral DNA after switching to PI/R monotherapy in patients maintaining virological suppression" *New Microbiologica 2013*, 36 (Suppl.1): 86-87;
7. Bartolini B, Giombini E, Abbate I, Visco-Comandini U, D'Offizi G, **Rozera G**, Selleri M, Ippolito G, Capobianchi MR. "HCV full-length genome reconstruction with sequence independent amplification combined with next generation sequencing" *Retrovirology 2012*, 9 (S1): O6;
8. Solmone MC, Giombini E, Vincenti D, Testa A, **Rozera G**, Abbate I,

- Capobianchi MR, Menzo S. "Immune response, rather than sensitivity to entecavir, may determine the rate of viral decay upon treatment initiation in patients with chronic HBV infection" *Hepatology* 2012, 56 (Suppl. 4): 405A;
9. **Rozera G**, Abbate I, Vlassi C, Bruselles A, Bartolini B, Giombini E, Corpolongo A, D'Offizi G, Narciso P, Capobianchi MR. "Dynamics and compartmentalization of CXCR4-using HIV variants during the early phases of HIV infection, established by ultra-sensitive next generation sequencing" *Infection* 2011, Vol.39 (suppl.1):37;
 10. Cento V, Svicher V, **Rozera G**, Abbate I, Santoro MM, Armenia D, Fabeni L, Palamara G, Latini A, Rizzardini G, Micheli V, Buonomini AR, Andreoni M, Perno CF, Capobianchi MR, Ceccherini-Silberstein F. "The Genotypic False Positive Rate Determined by Population V3-Sequencing can Predict the Burden of X4 Quasispecies Detected by Pyrosequencing" *Infection* 2011, Vol.39 (suppl.1):38;
 11. Abbate I, **Rozera G**, Vlassi C, Bartolini B, Bruselles A, Giombini E, D'Offizi G, Narciso P, Capobianchi MR "Virological characterization of HIV-1 acute infection by ultra-sensitive next generation sequencing" *JAIDS* 2011, Vol.56:90;
 12. **Rozera G**, Abbate I, Vlassi C, Bruselles A, Bartolini B, D'Offizi G, Narciso P, Lionetti R, Capobianchi MR. Analysis of HIV-1 quasispecies by ultra-deep pyrosequencing in gut biopsies and plasma samples from acutely infected patients. *Infection* 2010, Vol.38 (suppl.1):19;
 13. Scognamiglio P, Bordi L, **Rozera G**, Sciarrone MR, Antonucci G, Rianda A, Corpolongo A, Noto P, Grisetti S, Gnesivo C, Loffredo MR, Ippolito G, Capobianchi MR, Girardi E. Molecular epidemiology and prevalence of human immunodeficiency virus infection in adult cases of acute Hepatitis A in the Rome metropolitan area, 2002-2008. *Infection* 2010 Vol.38 (suppl.1):28;
 14. Abbate I, **Rozera G**, Tommasi C, Bruselles A, Bartolini B, Nicastri E, Narciso P, Ippolito G, Capobianchi MR. Ultra-deep pyrosequencing to assess HIV-1 co-receptor usage of circulating and proviral quasispecies in patients candidates to CCR5 antagonists treatment. *Infection* 2010 Vol.38 (suppl.1):50;
 15. Santoro MM, Abbate I, Alteri C, Svicher V, Bruselles A, Bartolini B, Forbici F, **Rozera G**, Capobianchi MR, Perno CF, Ceccherini Silberstein F. Sentinel mutations in standard population sequencing can predict the hidden presence of RT major mutations detected only by ultra-deep sequencing. *Infection* 2010 Vol.38 (suppl.1):58;
 16. Simen BB, Braverman MS, Abbate I, Aerssens J, Bidet Y, Bouchez O, Gabriel C, Izopet J, Kessler HH, Radonic A, Metzner K, Paredes R, Recordon-Pinson P, Sakwa J, Schmitz-Agheguian GG, Daumer MP on behalf of the **454 HIV Alphastudy Group**. A multicenter collaborative study on HIV drug resistance testing using 454 massively parallel pyrosequencing. *Antiviral Therapy* 2010; 15 Suppl2:A37;
 17. Abbate I, **Rozera G**, Tommasi C, Bruselles A, Bartolini B, Nicastri E, Narciso P, Capobianchi MR. Co-receptor usage prediction at quasispecies level using ultra-deep pyrosequencing on both circulating and proviral HIV in patients candidates to CCR5 antagonist treatment. *Retrovirology* 2010; 7 (Suppl 1):011;
 18. Prosperi M, Bruselles A, Vincenti D, Solmone M, Abbate I, **Rozera G**, Ippolito G, Capobianchi MR. Methods for viral population reconstruction via ultra-deep pyrosequencing: hepatitis B virus case study. *J Hepatology* 2009, 50:S215-S216;
 19. Sacchi A, Lalle E, Vlassi C, Vitali A, D'Offizi G, Martini F, Abbate I,

- Rozera G**, Capobianchi MR. Activation of innate immunity cells may predict early HCV treatment outcome in HIV/HCV co-infected patients. *J Hepatology* 2009, 50:S223;
20. Abbate I, **Rozera G**, Bruselles A, Bartolini B, Capobianchi MR. Dynamic variations of lymphocyte-and monocyte-associated HIV-1 quasispecies after discontinuation of highly active anti-retroviral therapy as assessed by massively parallel Pyrosequencing. *Infection* 2009 Vol.37 (suppl.2):22;
 21. D'Offizi G, **Rozera G**, Abbate I, Sacchi A, Abdeddaim A, Vlassi C, Narciso P, Capobianchi MR, Dianzani F. IFN may prevent viral rebound after haart interruption in hiv patients: possible involvement of plasmacytoid dendritic cell activation. *Infection* 2009 Vol.37 (suppl. 2):80;
 22. Tommasi C, Abbate I, Tempestilli M, **Rozera G**, Bellagamba R, Pucillo LP, Capobianchi MR, Nicastrì E, Narciso P. HIV-DNA Viral Kinetics and Therapeutic Drug Monitoring During Raltegravir-based Salvage Therapy. *Infection* 2009 Vol.37 (suppl.2):20;
 23. Dianzani F, D'Offizi G, Abdeddaim A, Narciso P, Antonucci G, Iacomì F, Abbate I, **Rozera G**, Capobianchi MR. Possible use of IFN to prevent HIV-1 rebound after HAART interruption. *Journal of Interferon & Cytochine Research*, 27 :708;
 24. Lalle E, Castillettì C, Bordi L, **Rozera G**, Poccia F, Agrati C, Abbate I, Capobianchi MR. Coordinate Induction of IFN-alpha and -gamma by SARS-CoV in Human PBMC Cultures in the Absence of Virus Replication. *Cell Research* 2005 Oct;15: (Suppl n10)164;
 25. Castillettì C, Bordi L, Lalle E, **Rozera G**, Poccia F, Agrati C, Abbate I, Capobianchi MR. SARS-COV induce l'espressione di IFN- α e - γ in PBMC da donatori sani anche in assenza di replicazione virale. *Microbiologia Medica* 2005; 20: S3,188;
 26. Castillettì C, Bordi L, Lalle E, **Rozera G**, Poccia F, Agrati C, Abbate I, Capobianchi MR. Establishment of nonproductive infection and activation of IFN- α and - γ gene expression in normal lymphomonocytes by SARS-CoV. *Clinical Microbiology and Infection* 2005; 11: S2,286-287.

PRESENTAZIONI A CONGRESSI INTERNAZIONALI E NAZIONALI

1. Fabeni L, Abbate I, Rozera G, Selleri M, Berno G, Forbici F, Giombini E, Bertoli A, Salpini R, Santangelo R, Turriziani O, Perno CF, Ippolito G, Capobianchi MR. Molecular evidence of HIV-1 transmission in a criminal case in Italy, 13° Congresso Nazionale ICAR, 21-23 ottobre 2021, Riccione;
2. Rozera G, Visco-Comandini U, Giombini E, Santini F, Forbici F, Berno G, Gruber C, De Paolis P, Colonnelli R, D'Offizi G, Ettorre GM, Grossi P, Capobianchi MR, Ippolito G, Abbate I. Analysis of HIV quasispecies and monitoring of viral reactivations in an HIV D+/R+ kidney-liver transplantation, 13° Congresso Nazionale ICAR, 21-23 ottobre 2021, Riccione;
3. Fabeni L, Rozera G, Berno G, Gori C, Orchi N, De Carli G, Pittalis S, Puro V, Pinnetti C, Mondì A, Camici M, Antinori A, Capobianchi MR, Abbate I. "A less recent year of diagnosis is the only factor associated with transmission clusters among HIV-1 primary infections diagnosed in a single clinical center in Rome", 12° Congresso Nazionale ICAR, 12-14 ottobre 2020, Riccione;
4. Amendola A, Sberna G., Nardacci R., Rozera G., Abbate I. and Capobianchi M.R. Initial characterization of elements detected and quantified exclusively on the basis of LTR region by Aptima HIV-1

- Quant Dx dual-target assay in plasma of HIV-positive patients, 12° Congresso Nazionale ICAR, 12-14 ottobre 2020, Riccione;
5. Camici M, Pinnetti C, Gagliardini R, Amendola A, Abbate I, Rozera G, Passavanti G, Brita A, Ottou S, Vergori A, Plazzi MM, Bellagamba R, Cicalini S, Capobianchi MR, Antinori A, Mondi A. "An early proactive switch to elvitegravir/cobicistat/emtricitabine/tenofovir alafenamide (E/C/T/TAF) is effective in maintaining virologic control, reducing low level viral replication and continuing immunological recovery in patients with a primary HIV-1 infection (PHI). An interim analysis of a phase IV clinical trial (ESTER study)", 12° Congresso Nazionale ICAR, 12-14 ottobre 2020, Riccione;
 6. Vicenti I, Dragoni F, Giannini A, Callegaro A, Napolitano G, Turriziani O, Di Carlo D, di Giambenedetto S, Lombardi F, Belmonti s, Ceccherini-Silberstein F, Scutari R, Lai a, Berna A, Racca S, Ardemagni A, Casabianca A, Orlandi C, Bon I, Bertoldi A, Bagnarelli P, Di Sante L, Abbate I, Rozera G, Capobianchi MR, Paolucci S, Campanini G, Saladini f, Zazzi M. "Creation of an Italian HIV DNA Network for the validation and clinical use of HIV-1 DNA quantification assays", 12° Congresso Nazionale ICAR, 12-14 ottobre 2020, Riccione;
 7. Fabeni L, Rozera G, Berno G, Gori C, Orchi N, De Carli G, Pittalis S, Puro V, Pinnetti C, Mondi A, Camici M, Antinori A, Capobianchi MR, Abbate I. "HIV transmission network in a cohort of subjects with primary infection in a single clinical center in Rome", 17° European AIDS Conference, November 6-9, 2019, Basel, Switzerland;
 8. Giombini E, Rozera G, Selleri M, Capobianchi MR, Orchi N, De Carli G, Pinnetti C, Antinori A, Abbate I. "Ultra-deep analysis of gag CA encoding region in primary HIV-1 infection". 2nd National Congress of the Italian Society for Virology, 28-30 November 2018, Rome;
 9. Giombini G, Rozera G, Capobianchi MR, Abbate I. "Analisi del microbiota intestinale in pazienti infetti da Virus dell'Epatite A e coinfecti con HIV". XLVII Congresso Nazionale AMCLI, 10-13 Novembre 2018, Rimini;
 10. Giombini E, Rozera G, Ferrari G, Capobianchi MR, Abbate I. "Gut microbiota analysys in hav infected patients with or without hiv coinfection". 46° Congresso Nazionale SIM, 26-29 Semptember 2018, Palermo;
 11. Mondi A, Pinnetti C, Abbate I, Rozera G, Plazzi MM, Mastrorosa I, Libertone R, Lorenzini P, Capobianchi MR, Antinori A, Ammassari A. "Optimal viro-immunological response (OVIR) among patients starting antiretroviral therapy (ART) during primary HIV-1 infection (PHI)". 16th European AIDS Conference, 25-27 October, 2017, Milan, Italy;
 12. Mondi A, Pinnetti C, Abbate I, Rozera G, Plazzi MM, Mastrorosa I, Libertone R, Lorenzini P, Capobianchi MR, Antinori A, Ammassari A. "Optimal viro-immunological response among patients starting antiretroviral therapy (ART) during primary HIV-1 infection (PHI)". 9° Italian Conference on AIDS and Antiviral Research, 12-14 giugno 2017, Siena;
 13. Mondi A, Pinnetti C, Plazzi MM, Abbate I, Rozera G, Libertone R, Menichetti S, Mazzotta V, Lorenzini P, Antinori A, Ammassari A. "Virological control in patients early switching versus maintaining initial antiretroviral therapy (ART) during primary HIV-1 infection (PHI): experience from an Italian cohort". 9° Italian Conference on AIDS and Antiviral Research, 12-14 giugno 2017, Siena;
 14. Biava M, Colavita F, Petrocelli A, Delli Guanti M, Cataldi G, Kamara T, Kamara A, Konneh, Marzorati A, Russo D, Pirola D, Cocci A, Cannas A,

- Coen S, Quartu S, Valli MB, Mazzarelli A, Venditti C, Grassi G, Rozera G, Castilletti C, Mirazimi A, Miccio R, Di Caro A. "Preliminary evaluation of a rapid, sensitive and portable qRT-PCR assay for the detection of Ebola Virus". 27th ECCMID, 22-25 aprile 2017, Vienna, Austria;
15. Abbate I, Neri S, Rozera G, Amendola A, Ammassari A, Orchi N, Capobianchi MR. "Evaluation of the performances of BioPlex® 2200 HIV Ag-Ab for HIV primary infection serodiagnosis in an infectious disease setting". 27th ECCMID, 22-25 aprile 2017, Vienna, Austria;
 16. Amendola A, Ammassari A, Navarra A, Bibbolino G, Pinnetti C, Abbate I, Rozera G, Mondì A, Girardi E, Capobianchi MR. "Dynamics of ultradeep suppressed HIV viremia (<5 cp/ml) in cART- treated patients". 2017 Conference on Retroviruses and Opportunistic Infections (CROI), 13-16 February 2017, Seattle, Washington;
 17. Abbate I, Zaccarelli M, Fabbri G, Lorenzini P, Amendola A, Rozera G, Cicalini S, Antinori A, Capobianchi MR, Ammassari A. "Possible impact of DAA treatment on HIV reservoirs in HCV/HIV co-infected patients treated with cART". VIII Congresso Nazionale ICAR, 06-08 giugno 2016, Milano;
 18. Pinnetti C, Abbate I, Lorenzini P, Orchi N, Gori C, Amendola A, Libertone R, Rozera G, Plazzi M, Fabbri G, Capobianchi MR, Antinori A, Ammassari A. "Virological efficacy of two treatment strategies for primary HIV infection (PHI): comparison of (TDF+FTC) associated with either Darunavir/Ritonavir+Raltegravir or Dolutegravir". VIII Congresso Nazionale ICAR, 06-08 giugno 2016, Milano;
 19. Amendola A, Bibbolino G, Ammassari A, Navarra A, Rozera G, Abbate I, Pinnetti C, Girardi E, Capobianchi MR. "Determinants of HIV residual viremia patterns during successful first-line cART". VIII Congresso Nazionale ICAR, 06-08 giugno 2016, Milano;
 20. Abbate I, Rozera G, Amendola A, Zaccarelli M, Lorenzini P, Antinori A, Capobianchi MR, Ammassari A. "Total HIV DNA increases in lymphomonocytes of HCV/HIV co-infected patients during and after DAA treatment". 14th European Meeting on HIV&Hepatitis, 25-27 May, Rome;
 21. Abbate I, Pinnetti C, Rozera G, Orchi N, Libertone R, Bordoni V, Amendola A, Antinori A, Ammassari A, Capobianchi MR. "Greater HIV proviral decline in acute compared to recent cART-treated infections". 26th ECCMID, 9-12 April 2016, Amsterdam;
 22. Ammassari A, Abbate I, Pinnetti C, Orchi N, Libertone R, Ottou S, Mosti S, Pierro P, Giannetti A, Rozera G, Amendola A, Capobianchi MR, Antinori A. "Simplification of a 4-drug cART started during acute HIV infection (Alpha study): HIV RNA and proviral HIV DNA levels before and after". 15th European AIDS Conference, 21-24 October 2015, Barcelona, Spain;
 23. Sias C, Orchi N, Angeletti C, Ammassari A, Pinnetti C, Rozera G, De Carli G, Navarra A, Puro V, Capobianchi MR, Abbate I, on behalf of the SENDIH group. Elaborazione dei dati forniti da un test immunoblot rapido per l'identificazione di infezioni recenti da hiv al momento della sierodiagnosi. XLIV Congresso Nazionale AMCLI. Rimini, 18-21 Ottobre 2015;
 24. Selleri M, Giombini E, Dolcetti R, Caccuri F, Rozera G, Abbate I, Martorelli D, Antonia Faè D, Fiorentini S, Giagulli C, Capobianchi MR, Caruso A. Detection of HIV-1 matrix protein p17 quasispecies variants in plasma of chronic HIV-1-infected patients by ultra-deep pyrosequencing. Workshop on Next Generation Sequencing of Viruses

- 20-21 Maggio 2015, Parigi;
25. Amendola A, Ammassari A, Pinnetti C, Bibbolino G, Navarra A, Pierro P, Aleo L, Pisciotta M, Ferraioli V, Rozera G, Abbate I, Girardi E, Capobianchi MR. Different residual viremia trends in patients successfully treated with first line antiretroviral therapy for one year. Italian Conference on AIDS and Retroviruses. Riccione 17-19 Maggio 2015;
 26. Bordoni V, Pinnetti C, Viola D, Abbate I, Rozera G, Pierro P, Besi F, Casetti R, Sacchi A, Cimini E, Agrati C, Capobianchi MR, Antinori A, Martini F, Ammassari A. Immunoactivation/senescence and lymphopoiesis capability in primary HIV infection: ALPHA study. Italian Conference on AIDS and Retroviruses. Riccione 17-19 Maggio 2015;
 27. Casetti R, De Simone G, Pinnetti C, Besi F, Sacchi A, Abbate I, Rozera G, Pierro P, Agrati C, Cimini E, Bordoni V, Tumino N, Viola D, Capobianchi MR, Antinori A, Martini F, Ammassari A. Different modulation of polyfunctional CD8 R cell response by cART in primary and chronic HIV infection. Italian Conference on AIDS and Retroviruses. Riccione 17-19 Maggio 2015;
 28. Rozera G, Pinnetti C, Abbate I, Amendola A, Orchi N, Pierro P, Lorenzini P, Bordoni V, Antinori A, Capobianchi MR, Ammassari A. More pronounced decline of proviral load in peripheral lymphomonocytes is associated with cART started during acute compared to recent primary HIV infection. Italian Conference on AIDS and Retroviruses. Riccione 17-19 Maggio 2015;
 29. Ammassari A, Amendola A, Pinnetti C, Abbate I, Bordoni V, Rozera G, Orchi N, Alba L, Corpolongo A, Abeddaim A, Pierro P, Lorenzini P, Libertone R, Antinori A, Capobianchi MR. Early HIV-RNA decay kinetics support the use of intensified cART in primary HIV when compared to chronic infection. Italian Conference on AIDS and Retroviruses. Riccione 17-19 Maggio 2015;
 30. Sias C, Orchi N, Angeletti C, Ammassari A, Pinnetti C, Rozera G, De Carli G, Navarra A, Puro V, Capobianchi MR, Abbate I on behalf of the SENDIH group. Elaboration of rapid confirmatory immuno-blot assay results to identify recent HIV infections at serodiagnosis. Italian Conference on AIDS and Retroviruses. Riccione 17-19 Maggio 2015;
 31. Rozera G, Abbate I, Pinnetti C, Orchi N, Pierro P, Lorenzini P, Amendola A, Bordoni V, Antinori A, Capobianchi MR, Ammassari A. "Proviral DNA and Inflammation during cART in Primary or Chronic Infection: ALPHA Study", Workshop "Innovation in HIV and Viral Hepatitis" 26-27 Gennaio 2015, Milano;
 32. Minosse C, Selleri M, Baiocchini A, Giombini E, Coen S, Zaccaro P, Rozera G, Vincenti D, Visco Comandini U, Lionetti R, Montalbano M, D'Offizi G, Capobianchi MR, Menzo S. "Immune cytotoxic response selects a growing number of defective viral variants during the natural history of HBV infection, some of which are not detectable in the periphery: possible implications for the pathogenesis and for the clinical management of patients with chronic hepatitis B", Workshop "Innovation in HIV and Viral Hepatitis" 26-27 Gennaio 2015, Milano;
 33. Amendola A, Ammassari A, Rozera G, Abbate I, Bibbolino G, Aleo L, Ferraioli V, Pisciotta M, Capobianchi MR. "One year HIV-1 RNA residual level evaluation in patients successfully treated with first line antiretroviral therapy", 6° Congresso Nazionale SIVIM, 10-12 Dicembre 2014, Roma;
 34. Amendola A, Ammassari A, Rozera G, Abbate I, Bibbolino G, Pierro P, Capobianchi MR, Aleo L, Ferraioli V, Pisciotta M. "Ultrasensitive

- measurement of HIV-1 RNA in patients successfully treated with first line antiretroviral therapy: one year follow-up. XLIII Congresso Nazionale AMCLI 4 -7 Novembre 2014, Rimini;
35. Selleri M, Giombini E, Dolcetti R, Caccuri F, Rozera G, Abbate I, Martorelli D, Faè DA, Fiorentini S, Giagulli C, Capobianchi MR, Caruso A. "Detection of HIV-1 matrix protein p17 quasispecies variants in plasma of chronic HIV-1-infected patients by ultra-deep pyrosequencing". 19th "International Bioinformatics Workshop on Virus Evolution and Molecular Epidemiology", 7- 12 Settembre 2014, Roma;
 36. Rozera G, Abbate I., Giombini E., Castagna A., De Luca A., Ceccherini-Silberstein F., Cozzi Lepri A., Cassola G., Torti C., d'Arminio Monforte A., Ippolito G. and Capobianchi M.R. on behalf of the ICONA Foundation Group. "Evolution of HIV-1 tropism at quasispecies level after 5 years of cART in patients always suppressed or experiencing episodes of virological failure". 19th "International Bioinformatics Workshop on Virus Evolution and Molecular Epidemiology", 7- 12 Settembre 2014, Roma;
 37. Ammassari A, Abbate I, Orchi N, Pinnetti C, Rozera G, Scognamiglio P, Libertone R, Pierro P, Pittalis S, Martini F, Puro V, Girardi E, Antinori A, Capobianchi MR for the SIREA Study Group. Acute HIV infection (AHI) in a infectious diseases specialized clinical setting: case-finding, description of virological, epidemiological, and clinical characteristics, as well as viral dynamics after cART. ICAR, 25-27 Maggio 2014, Roma;
 38. Amendola A, Ammassari A, Agrati C, Rozera G, Abbate I, Bibbolino G, Pierro P, Girardi E, and Capobianchi MR. Application of ultrasensitive protocol for HIV-1 RNA measurement in HIV-1 infected patients successfully suppressed with first line antiretroviral therapy. ICAR, 25-27 Maggio 2014, Roma;
 39. Giombini E, Dolcetti R, Caccuri F, Selleri M, Rozera G, Abbate I, Martorelli D, Antonia Faè, Fiorentini S, Giagulli C, Capobianchi MR and Caruso A. Ultra-deep pyrosequencing to analyze quasispecies of p17 coding region in chronic HIV-1-infected patients. ICAR, 25-27 Maggio 2014, Roma;
 40. Rozera G, Abbate I, Giombini E, Castagna A, De Luca A, Ceccherini-Silberstein F, Cozzi Lepri A, Cassola G, Torti C, d'Arminio Monforte A, Ippolito G and Capobianchi MR on behalf of the ICONA Foundation Group. Analysis of peripheral HIV reservoir, tropism and soluble immune activation markers during long cART in naive patients. ICAR, 25-27 Maggio 2014, Roma;
 41. Bordoni V, Abbate I, Viola D, Rozera G, Bibas M, Ammassari A, Agrati C, Rinaldi A, Capobianchi M, Martini F. "Bone marrow CD34+ progenitors cells harbor HIV genomes and HIV-DNA is correlated to plasma HIV-RNA", Workshop "Inflammation and chronic hepatitis/HIV infections: who is the driver?", 30-31 Gennaio 2014, Milano;
 42. Amendola A, Abbate I, Rozera G, Bibbolino G, Pinnetti C, Ammassari A, Lorenzini P, Ottou s, Zaccarelli M, Girardi E, Antinori A, Capobianchi MR. "Residual viremia and proviral DNA trend during 96 weeks follow-up in virologically suppressed patients under triple (2NRTI+PI/R) therapy", XLII Congresso Nazionale AMCLI 12-15 Novembre 2013, Rimini
 43. Pinnetti C, Rozera G, Abbate I, Lorenzini P, Amendola A, Bellagamba R, Ottou S, Libertone R, Zaccarelli M, Ammassari A, Antinori A, Capobianchi MR. "Residual Viremia (RV) and proviral HIV-DNA (pvDNA) as predictors of virological failure to PI/ritonavir boosted

- Monotherapy (PI/rM)", 14th European AIDS Conference/EACS October 16-19, 2013 Brussels, Belgium;
44. Ammassari A, Amendola A, Lorenzini P, Pinnetti C, Rozera G, Abbate I, Pierro P, Casetti R, Ottou S, Martini F, Capobianchi MR, Antinori A. "HIV RNA decay in the first 48 hours predicts early HIV-1 clearance", 14th European AIDS Conference/EACS October 16-19, 2013 Brussels, Belgium;
 45. Ammassari A, Amendola A, Pinnetti C, Lorenzini P, Zaccarelli M, Liuzzi G, Rozera G, Abbate I, Acinapura R, Pierro P, Libertone R, Ottou S, Mosti S, Capobianchi MR, Antinori A. "cART non-adherence together with low level viremia is the strongest predictor of virological failure in successfully HIV-positive treated patients", 14th European AIDS Conference/EACS October 16-19, 2013 Brussels, Belgium;
 46. Rozera G, Abbate I, Giombini E, Vlassi C, D'Offizi G, Corpolongo A, Lionetti R, Selleri M, Bartolini B, Baiocchini A, Del Nonno F, Capobianchi MR "HIV quasispecies tropism and viral compartmentalization in gut and peripheral blood in early as compared to chronically infected patients", 23rd ECCMID 27 – 30 April 2013, Berlin, Germany;
 47. Bartolini B, Giombini E, Abbate I, Visco-Comandini U, D'Offizi G, Rozera G, Selleri M, Ippolito G, Capobianchi MR "Sequence-independent amplification combined with next-generation sequencing to obtain near full-length genome reconstruction of hepatitis C virus", 23rd ECCMID 27 – 30 April 2013, Berlin, Germany;
 48. Bartolini B, Giombini E, Selleri M, Rozera G, Abbate I, Visco Comandini U, Testa A, Solmone MC, and Capobianchi MR. Influence of hiv coinfection in the extent of HCV NS3 protease variability and resistance-associated mutations assessed by next generation sequencing. 11th European Meeting on HIV & Hepatitis, 20-22 Marzo 2013, Roma;
 49. Ammassari A, Abbate I, Lorenzini P, Rozera G, Ottou S, Pinnetti C, Amendola A, Zaccarelli M, Antinori A, Capobianchi MR "Proviral HIV-DNA is the major predictor of virological failure to PI-boosted monotherapy", 20th CROI, 3-6 March 2013, Atlanta;
 50. Rozera G, Abbate I, Giombini E, Vlassi C, D'Offizi G, Corpolongo A, Lionetti R, Selleri M, Bartolini B, Baiocchini A, Del Nonno F, Capobianchi MR "Quasispecies tropism of gut associated HIV, virus compartmentalization and immune activation in early infected patients" Workshop "HIV cure and eradication: a feasible option?", 24-25 Gennaio 2013, Milano;
 51. Rozera G, Abbate I, Giombini E, Vlassi C, D'Offizi G, Corpolongo A, Lionetti R, Selleri M, Bartolini B, Baiocchini A, Del Nonno F, Capobianchi MR "Presence of X4 variants in HIV quasispecies from gut biopsies and peripheral blood in early and chronically infected patients: possible correlations with immune activation and microbial translocation" 5° Congresso Nazionale SIVIM, 28-30 Novembre 2012, Milano;
 52. Selleri M, Piralla A, Rozera G, Giombini E, Bartolini B, Abbate I, Campanini G, Rovida F, Dossena L, Capobianchi MR, Baldanti F "Hemagglutinin 222 polymorphisms in Influenza A(H1N1)PDM09-infected patients assessed by ultra-deep pyrosequencing" 11th National Congress of the Italian Society for Virology, 17-19 September 2012, Orvieto;
 53. Rozera G, Abbate I, Giombini E, Vlassi C, Lionetti R, Selleri M, Bartolini B, D'Offizi G, Capobianchi MR "CXCR4 using variants in gut biopsies

- from early and chronic HIV infection detected by ultra-deep sequencing” 4° ICAR, 10-12 Giugno 2012, Napoli;
54. Rozera G, Abbate I, Giombini E, Castagna A, De Luca A, Ceccherini-Silberstein F, Cozzi Lepri A, Cassola G, Torti C, Ippolito G, Capobianchi MR “HIV-1 tropism under long lasting cART assessed by conventional and ultra-deep sequencing” 4° ICAR, 10-12 Giugno 2012, Napoli;
 55. Vlassi C, Abbate I, Rozera G, D’Offizi G, Lorenzini P, Corpolongo A, Bellagamba R, Narciso P, Antinori A “Effects of HAART on clinical and virological dynamics during acute HIV infection” 4° ICAR, 10-12 Giugno 2012, Napoli;
 56. Rozera G, Abbate I, Giombini E, Castagna A, De Luca A, Ceccherini-Silberstein F, Cozzi Lepri A, Cassola G, Torti C, Ippolito G, Capobianchi MR “Studio dell’evoluzione del tropismo della quasispecie di HIV-1 in pazienti sottoposti a prolungata terapia cART, mediante ultra-deep pyrosequencing” “Dopo la soppressione virologica: ottimizzazione della terapia antiretrovirale. Le strategie di switch e di semplificazione”, svoltosi il 2-3 Aprile 2012 a Firenze;
 57. Rozera G, Abbate I, Giombini E, Castagna A, De Luca A, Ceccherini-Silberstein F, Cozzi Lepri A, Cassola G, Carosi G, Ippolito G, Capobianchi MR. “Evolution of HIV-1 quasispecies tropism under long lasting cART assessed by next generation sequencing” 10th European Meeting on HIV & Hepatitis, 28-30 March 2012, Barcelona, Spain;
 58. Rozera G, Abbate I, Vlassi C, Giombini E, Bartolini B, Corpolongo A, D’Offizi G, Narciso P, Lionetti R, Capobianchi MR. "Detection of CXCR4-using variants in gut biopsies from acutely and chronically infected hiv patients by ultra-deep sequencing and their contribution to hiv quasispecies circulating in plasma” XL Congresso AMCLI, 08-11 Novembre 2011, Rimini;
 59. Rozera G, Abbate I, Vlassi C, Giombini E, Bartolini B, Corpolongo A, D’Offizi G, Narciso P, Lionetti R and Capobianchi MR. "Detection and characterization of CXCR4-using variants in gut and peripheral blood of early infected HIV patients by ultra-sensitive next generation sequencing” 13th European AIDS Conference, 12-15 October 2011, Belgrade, Serbia;
 60. Abbate I, Rozera G, Vlassi C, Bruselles A, Bartolini B, Giombini E, Corpolongo A , D’Offizi G, Narciso P, Lionetti R, Capobianchi MR. “Compartmentalization and dynamics of CXCR4-using HIV variants during early phases of HIV infection, established by ultra-sensitive next generation sequencing” 6th IAS Conference on HIV Pathogenesis, treatment and prevention, 17-20 July 2011, Rome, Italy;
 61. Svicher V, Cento V, Rozera G, Abbate I, Santoro MM, Armenia D, Fabeni L, Palamara G, Latini A, Rizzardini G, Micheli V, Buonomini AR, Trotta MP, Antinori A, Andreoni M, Capobianchi MR, Ceccherini-Silberstein F, Perno CF. “The Genotypic False Positive Rate Determined by Population V3-Sequencing Predicts the Burden of X4 Minority Quasispecies” 9th European Workshop on HIV&Hepatitis Treatment Strategies & Antiviral Drug Resistance, 23-25 March 2011, Paphos, Cyprus;
 62. Svicher V, Cento V, Rozera G, Abbate I, Palamara G, Rizzardini G, Sarmati L, Ceccherini-Silberstein F, Capobianchi MR, and Perno CF. Geno2Pheno False Positive Rate of Standard V3 Population Sequencing Predicts Burden of X4 Quasi-species” CROI 2011, 27 Febbraio- 2 Marzo 2011, Boston;
 63. Abbate I, Bartolini B, Chillemi G, Bruselles A, Rozera G, Castrignanò T, Paoletti D, Desideri A, Capobianchi MR, Pesole G. “Influenza A H1N1

- characterization in naso pharyngeal swabs by high-throughput pyrosequencing” ESCV, winter meeting, 13-15 Gennaio 2011, London;
64. Rozera G, Abbate I, Vlassi C, D’Offizi G, Bruxelles A, Giombini E, Bartolini B, Narciso P, Capobianchi MR. “Study of HIV quasispecies co-receptor usage by ultra-sensitive next generation sequencing in the acutely infected patients” 9° Congresso nazionale SIMIT 24-27 Novembre 2010, Roma;
 65. Bartolini B, Chillemi G, Bruxelles A, Abbate I, Rozera G, Castrignanò, Paoletti D, Desideri A, Capobianchi MR, Pesole G. “Molecular characterization of pandemic influenza A H1N1 in nasopharyngeal swabs with de novo high-throughput pyrosequencing” 9° Congresso nazionale SIMIT 24-27 Novembre 2010, Roma;
 66. Amendola A, Sabatini R, Bloisi M, Coen S, Vlassi C, Rozera G, Abbate I, D’Offizi G, Capobianchi MR. “Valutazione dei livelli di viremia minima residua in pazienti sieropositivi per HIV-1 sottoposti a trattamento con diversi regimi antiretrovirali” 9° Congresso nazionale SIMIT 24-27 Novembre 2010, Roma;
 67. Solmone M, Vincenti D, Bruxelles A, Giombini E, Zaccaro P, Rozera G, Abbate I, Antonucci G, Capobianchi MR, Menzo S. “Evoluzione della quasi specie di HBV in pazienti in trattamento con entecavir” 9° Congresso nazionale SIMIT 24-27 Novembre 2010, Roma;
 68. Sacchi A, Agrati C, D’Offizi G, Vlassi C, Rozera G, Abbate I, Capobianchi MR, Martini F. “The basal activation state of DC subsets correlates with anti-HCV treatment outcome in HCV/HIV co-infected patients” 9° Congresso nazionale SIMIT 24-27 Novembre 2010, Roma;
 69. Rozera G, Abbate I, Vlassi C, D’Offizi G, Bruxelles A, Giombini E, Bartolini B, Narciso P, Capobianchi MR. “Ultra-sensitive next generation sequencing is able to detect a wide range of frequencies of CXCR4-using in the variants HIV quasispecies of acutely infected patients” XXXIX Congresso Nazionale AMCLI 20-22 Ottobre 2010, Rimini;
 70. Bartolini B, Chillemi G, Bruxelles A, Abbate I, Rozera G, Castrignanò T, Paoletti D, Desideri A, Capobianchi MR, Pesole G. “De novo high-throughput pyrosequencing for complete characterization of pandemic influenza A H1N1 in nasopharyngeal swabs” XXXIX Congresso Nazionale AMCLI 20-22 Ottobre 2010, Rimini;
 71. Amendola A, Sabatini R, Bloisi M, Coen S, Vlassi C, Rozera G, Abbate I, D’Offizi G, Capobianchi MR. “Evaluation of minimal residual viraemia levels in HIV-1 infected patients treated with different antiretroviral regimens” XXXIX Congresso Nazionale AMCLI 20-22 Ottobre 2010, Rimini;
 72. Rozera G, Abbate I, Vlassi C, Bruxelles A, Bartolini B, D’Offizi G, Narciso P, Lionetti R, Capobianchi MR “Ultra-sensitive analysis of HIV quasispecies during acute infection in gut biopsies and plasma” XVIII International AIDS Conference July 18-23 2010, Vienna Austria;
 73. Abbate I, Rozera G, Tommasi C, Bruxelles A, Bartolini B, Nicastri E, Narciso P, Capobianchi MR “Detection of CXCR4-using variants in circulating and proviral HIV quasispecies from patients treated with CCR5 antagonist by ultra-deep pyrosequencing” XVIII International AIDS Conference July 18-23 2010, Vienna Austria;
 74. Abbate I, Rozera G, Tommasi C, Bruxelles A, Bartolini B, Nicastri E, Narciso P, Ippolito G, Capobianchi MR “Ultra-deep pyrosequencing to predict quasispecies co-receptor usage of circulating and proviral HIV in patients candidates to CCR5 antagonist treatment” 4°

- Congresso Nazionale SIVIM 5-7 Maggio 2010, Milano;
75. Bartolini B, Chillemi G, Bruxelles A, Abbate I, Rozera G, Castrignanò T, Paoletti D, Desideri A, Capobianchi MR, Pesole G. "Direct metagenomic detection and complete characterization of pandemic influenza A H1N1 in nasopharyngeal swabs using high-throughput pyrosequencing" 4° Congresso Nazionale SIVIM 5-7 Maggio 2010, Milano;
 76. Santoro MM, Alteri C, Abbate I, Svicher V, Bruxelles A, Bartolini B, Gori C, Rozera G, Capobianchi MR, Perno CF, Ceccherini Silberstein F. "Sentinel mutations in standard population sequencing predict a high prevalence of RTI-resistance minor variants in both RNA plasma and DNA cellular samples from HIV-1 drug naive patients" 4° Congresso Nazionale SIVIM 5-7 Maggio 2010, Milano;
 77. Abbate I, Rozera G, Bruxelles A, Bartolini B, Vlassi C, D'Offizi G, Narciso P, Chillemi G, Capobianchi MR. "Quantitative deep sequencing reveals hidden lineages and shifts of viral population in archived and replicating HIV-1 genomes", CROI 16-19 February 2010, San Francisco;
 78. Svicher V, Alteri C, Abbate I, Bruxelles A, Bartolini B, Forbici F, Rozera G, Santoro MM, Capobianchi MR, Ceccherini-Silberstein F. "Sentinel Mutations in Standard Population Sequencing Can Predict the Presence of RT Major Mutations Detected Only by 454-Pyrosequencing", CROI 16-19 February 2010, San Francisco;
 79. Rozera G, Abbate I, Bruxelles A, Bartolini B, D'Offizi G, Nicastrì E, Tommasi C, Capobianchi MR. "Confronto tra diverse real-time PCR per la determinazione quantitativa dell'HIV-1 DNA nei pazienti infetti", AMCLI 17-20 novembre 2009, Rimini;
 80. Bruxelles A, Rozera G, Bartolini B, Prosperi M, Del Nonno F, Narciso P, Capobianchi MR, Abbate I. "Near full-length characterization of a UNIQUE HIV-1 BF recombinant associated with a fatal primary infection through massive parallel Pyrosequencing", 9th National Congress of the Italian Society of Virology, 7-9 September 2009, Orvieto;
 81. Tommasi C, Abbate I, Tempestilli M, Rozera G, Bellagamba R, Pucillo L, Capobianchi MR, Nicastrì E, Narciso P. "HIV-DNA load and therapeutic drug monitoring during raltegravir-based salvage therapy" 5th IAS Conference on HIV Pathogenesis, Treatment and Prevention, 19-22 luglio 2009, Cape Town, South Africa;
 82. Bruxelles A, Rozera G, Bartolini B, Prosperi M, Del Nonno F, Narciso P, Capobianchi MR, Abbate I. "Near full-length genome characterization, by massive parallel pyrosequencing, of a Recombinant B/F HIV-1 associated with a fatal primary infection" 5th IAS Conference on HIV Pathogenesis, Treatment and Prevention, 19-22 luglio 2009, Cape Town, South Africa;
 83. Rozera G, Abbate I, Bruxelles A, Prosperi M, Vlassi C, D'Offizi G, Narciso P, Chillemi G, Ippolito G, Capobianchi MR. "Co-Receptor usage prediction of HIV-1 quasispecies of proviral and circulating genomes from monocytes and T lymphocytes analyzed by ultra-deep Pyrosequencing", 5th IAS Conference on HIV Pathogenesis, Treatment and Prevention, 19-22 luglio 2009, Cape Town, South Africa;
 84. Rozera G, Abbate I, Bruxelles A, Bartolini B, D'Offizi G, Nicastrì E, Tommasi C, Capobianchi MR. "Comparison of commonly used Real-time PCR methods to detect and quantify HIV-1 proviral DNA in infected patients" ECCMID - European Congress of Clinical Microbiology and Infectious Diseases 16-19 May 2009, Helsinki;
 85. Bruxelles A, Barbato A, Prosperi M, Abbate I, Rozera G, Capobianchi

- MR, Ippolito G, Chillemi G, Castrignanò T, Paoletti D. "A Web Server for HIV Ultra Deep Pyro-Sequencing Data Analysis", 7th European HIV Drug Resistance Workshop, 25–27 March, 2009, Stockholm, Sweden;
86. Sacchi A, Vlassi C, Casetti R, Rozera G, Gioia C, Abbate I, Vitale A, Martini F, Narciso P, D'Offizi G. "In HIV/HCV-co-infected patients plasmacytoid dendritic cell activation, and gamma delta T cells number may predict early HCV treatment outcome, CROI 8-11 February 2009, Montreal;
 87. Rozera G, Abbate I, Bruxelles A, Bueno S, Vlassi C, D'Offizi G, Narciso P, Capobianchi MR. "Ultra-deep Pyrosequencing of HIV-1 ENV from Lymphomonocyte and Monocytes of Chronically Infected Patients at HAART Interruption", 25 Years of HIV, 19-21 May 2008, Institut Pasteur, Paris, France;
 88. Rozera G, Abbatel, BruxellesA, ChillemiG, VlassiC, D'OffiziG, NarcisoP, Capobianchi MR. "Studio della Quasispecie HIV di Derivazione Monocitaria e Linfocitaria in Pazienti Cronici al Momento della Interruzione della Terapia HAART Mediante Ultra-deep Pyrosequencing", 3° Congresso Nazionale SIVIM, 6-8 maggio 2008, Roma;
 89. Prosperi M, Bruxelles A, Vincenti D, Solmone M, Abbate I, Rozera G, Capobianchi MR. "Investigation of Techniques for Viral population Reconstruction via Ultra-Deep Pyrosequencing: Hepatitis B Virus Case Study", Next-Generation Sequencing Data analysis and Exploring Next-Generation Sequencing. 22-25 Sep, 2008, Providence, Rhode Island, US.;
 90. Rozera G, Abbate I, Bruxelles A, Vlassi C, D'Offizi G, Narciso P, Chillemi G, Ippolito G, Capobianchi MR. "Ultra-deep Pyrosequencing of HIV-1 Deriving From Lymphomonocyte Sub-populations in Chronically Infected Patients Interrupting Successful HAART", 8th National Congress of the Italian Society of Virology, 21-23 September 2008, Orvieto;
 91. Rozera G, Abbate I, Bruxelles A, Chillemi G, Vlassi C, D'Offizi G, Narciso P, Capobianchi MR. "Quasispecies analysis by ultra-deep pyrosequencing of HIV-1 deriving from lymphomonocyte sub-populations in chronically infected patients at the moment of HAART interruption", XVII International AIDS Conference. 3-8 August 2008 Mexico City;
 92. Abdeddaim A, D'Offizi G, Antonucci F, Iacomì F, Abbate I, Rozera G, Corpolongo A, Vlassi C, Bellagamba R, Nicastrì E, Tozzi V, Narciso P, Capobianchi MR, Dianzani F. "Effetto anti-HIV dell'interferone alfa peghilato (PEG-IFN ALFA): risultati preliminari di uno studio condotto su pazienti HIV/HCV in assenza di HAART", XX Congresso Anlaids e sindromi correlate. 28-30 Novembre 2006, Roma;
 93. Rozera G, Abbate I, D'Offizi G, Corpolongo A, Calcaterra S, Capobianchi MR. "Virological factors associated with control of viremia in patients treated during primary infection and undergoing structured therapy interruptions", AIDS 2006 – XVI International AIDS Conference – 13-18 August 2006 – Toronto (Canada);
 94. Rozera G, Abbate I, D'Offizi G, Corpolongo A, Calcaterra S, Capobianchi MR. "Longitudinal analysis of quasispecies of monocyte-derived virions present in the plasma of patients with HIV-1 primary infection", VI International Workshop on HIV, Cells of Macrophage/Dendritic Lineage and Other Reservoirs, Varenna (Lake Como), 5-7 October 2005;
 95. Castilletti C, Bordi L, Lalle E, Rozera G, Poccia F, Agrati C, Abbate I,

- Capobianchi MR. "Coordinate induction of IFN- α and γ by SARS-CoV also in the absence of virus replication", 5th National Congress of the Italian Society of Virology (SIV), Orvieto, 19-21 September 2005;
96. Rozera G, Abbate I, D'Offizi G, Corpolongo A, Calcaterra S, Capobianchi MR. "Study of the quasispecies evolution of HIV showing monocyte derived cell membrane markers during primary infection and in follow-up, IAS 2005". Poster/Abstract number: WePe8.4B01, 3rd IAS Conference on HIV Pathogenesis and Treatment, 24-27 July 2005 – Rio de Janeiro, Brasil;
97. Castilletti C, Bordi L, Lalle E, Rozera G, Poccia F, Agrati C, Abbate I, Capobianchi MR. "SARS-COV induces coordinate expression of IFN- α e γ in PBMC from healthy individuals in the absence of viral replication", 2° Congresso nazionale SIVIM, Roma 16-18 maggio 2005;
98. Rozera G, Abbate I, D'Offizi G, Corpolongo A, Calcaterra S, Capobianchi M.R. "Studio della quasispecie di HIV di derivazione monocitaria identificata mediante la presenza di marcatori di membrana". 2° Congresso nazionale SIVIM, Roma 16-18 maggio 2005;
99. Rozera G, Abbate I, D'Offizi G, Corpolongo A, Calcaterra S, Capobianchi MR. "Evoluzione della quasispecie di virioni HIV che presentano marcatori di derivazione monocitaria". Progress Report, V Programma Nazionale di Ricerca sull'AIDS, I.S.S., Roma 2-6 maggio 2005;
100. Castilletti C, Bordi L, Abbate I, Lalle E, Rozera G, Poccia F, Agrati C, Ippolito G, and Capobianchi MR. "Establishment of non productive infection and activation of IFN- α and γ gene expression in normal lymphomonocytes by SARS-CoV". International symposium "Molecular aspects and prevention of SARS", Madrid, Spain 18-19 october, 2004;
101. Castilletti C, Ciccocanti F, Falasca L, Calcaterra S, Bordi L, Rozera G, Di Caro A, Zaniratti S, Ippolito G, Piacentini M, Capobianchi MR. "SAR CoV induces caspase-dependent apoptosis, that is inhibited by bcl-2 overexpression. Correlation with virus replication kinetics". International symposium "Molecular aspects and prevention of SARS", Madrid, Spain 18-19 october, 2004;
102. Castilletti C, Ciccocanti F, Calcaterra S, Bordi L, Falasca L, Rozera G, Di Caro A, Zaniratti S, Ippolito G, Piacentini M, Capobianchi MR. "Protective role of bcl-2 in the induction of apoptotic cell death in SARS-CoV-infected VERO cells, in the absence of inhibition of viral replication". International conference on SARS-one year after the (first) outbreak, Lubeck, Germany 8-11- may, 2004.

SEQUENZE IN GENBANK

Coautrice di 266 sequenze appartenenti a diversi virus depositate in GenBank e consultabili al seguente indirizzo web: <http://www.ncbi.nlm.nih.gov/nucleotide/?term=rozera+g>

BREVETTI

Date

Maggio 2009

Principali materie

Sequenze mutate del virus dell'epatite B correlate alla resistenza ai farmaci, metodo per la loro valutazione e per il loro utilizzo in campo medico" a nome di Istituto Nazionale delle Malattie Infettive "L. Spallanzani" – IRCCS con sede in Via Portuense, 292 – 00149 Roma – Inventori designati: Capobianchi Maria Rosaria, Prosperi Mattia, Vincenti Donatella, Solmone Mariacarmela, Abbate Isabella, **Rozera Gabriella**

Nome e tipo di istituto

Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "L. Spallanzani"

PREMI

Date	12-15 Novembre 2013 Premio AMCLI 2013 - Miglior poster presentato in occasione del XLII Congresso Nazionale AMCLI – Rimini
Date	12-14 Maggio 2013 ICAR AWARDS 2013 – Miglior lavoro presentato in occasione del V ICAR 2013 – Italian Conference on AIDS and Retrovirus – Torino
Date	28-30 Novembre 2018 SIV - ISV Best Poster Awards , 2nd National Congress of the Italian Society for Virology, Roma

CAPACITÀ E PERSONALI**COMPETENZE**

MADRELINGUA

ITALIANO

ALTRE LINGUA

INGLESE (LIVELLO EUROPEO: B)

CAPACITÀ E COMPETENZE TECNICHE

Estrazione e purificazione di acidi nucleici, prodotti di PCR e plasmidi;
 Elettroforesi e quantizzazione di acidi nucleici;
 Amplificazione genica mediante polymerase chain reaction (PCR) con metodi end-point e metodi Real-time, quest'ultimi su piattaforma LightCycler ed ABI 7900;
 Disegno di primers e probes (Taqman e FRET) ed allestimento di PCR multiplex;
 Clonaggio molecolare di geni eucariotici e virali in cellule batteriche;
 Allestimento di standard molecolari quali-quantitativi da usare nelle reazioni di PCR;
 Misura dell'espressione genica in Real-time RT PCR mediante confronto con l'espressione di geni endogeni;
 Sequenziamento nucleotidico, metodo Sanger con terminatori di catena fluorescenti ed utilizzo di sequenziatori automatici multicapillare (ABI 3100);
 Colture cellulari ed isolamento virale;
 Separazione di linfo-monociti periferici (PBMC) mediante stratificazione su FICOLL;
 Separazione di sottopopolazioni linfomonocitarie mediante immunocattura e separazione immuno-magnetica;
 Immunocattura di virus mediante anticorpi contro le proteine (di origine virale o cellulare) contenute nell'envelope virale;
 Utilizzo dei laboratori ad elevato biocontenimento e modalità operative relative ai laboratori di livello 3/4;
 Elaborazione del disegno sperimentale, messa a punto dei metodi ed esecuzione del sequenziamento per la caratterizzazione di genomi virali mediante utilizzo del sequenziatore genomico GS-FLX, approccio amplicon e shot-gun. In particolare, frammentazione meccanica ed enzimatica di acidi nucleici, allestimento di random PCR, quantizzazione mediante elettroforesi su micro-chip e fluorimetro, allestimento di librerie geniche. Utilizzo di metodi

di filogenesi per tracciare l'evoluzione virale e supporto virologico all'analisi bioinformatica dei dati di sequenziamento ed alla loro elaborazione.

CAPACITÀ E COMPETENZE
INFORMATICHE

Utilizzo di pacchetti bioinformatici per la correzione ed analisi di sequenze geniche (ABI SeqA, ABI Sequence Scanner e Chromas), per la sottomissione di sequenze in Genbank e per la ricerca in database di determinate queries, e per la sottotipizzazione di HIV (Blast, Sequin, REGA, ecc.);
Conoscenza ed utilizzo di pacchetti bioinformatici per l'allineamento multiplo di sequenze nucleotidiche ed aminoacidiche, per la conversione dei formati FASTA, NEXUS, MEGA, ecc. (Clustal, BioEdit, DAMBE), per il calcolo dei parametri di eterogeneità genetica;
Competenze bioinformatiche per la filogenesi, costruzione di alberi mediante metodi basati sulla distanza genica, e conoscenza teorica dei metodi parsimony (PAUP), Maximum Likelihood, e dei metodi bayesiani (Phylip package, Mega package, MrBayes);
Utilizzo dei più diffusi applicativi in ambiente Windows e Linux;
Buona conoscenza di programmi per la statistica di base (GraphPadPrism; SPSS).

Si dichiara, sotto la propria responsabilità, la veridicità di quanto sopra riportato, ai sensi del DPR 445/2000.

Roma, 08.04.2022

Dr.ssa Gabriella ROZERA

