

## Curriculum Vitae

Cognome/Nome

**Silvestri Valentina**

### Esperienza professionale

Date	<b>Febbraio 2022 – presente</b>
Nome del datore di lavoro	Dipartimento di Medicina Molecolare, "Sapienza" Università di Roma.
Lavoro o posizione ricoperti	<b>Borsista di Ricerca finanziata dalla Fondazione Umberto Veronesi</b>
Focus della ricerca	Studio del ruolo delle differenze di genere negli immunofenotipi del carcinoma mammario
Date	<b>Febbraio 2016 – Gennaio 2022</b>
Nome del datore di lavoro	Dipartimento di Medicina Molecolare, "Sapienza" Università di Roma.
Lavoro o posizione ricoperti	<b>Assegnista di Ricerca</b>
Focus della ricerca	Analisi di alleli comuni a bassa penetranza nella suscettibilità al carcinoma mammario maschile attraverso studi <i>genome wide association</i> (GWAS).
Date	<b>Gennaio 2013 – Dicembre 2015</b>
Nome del datore di lavoro	Dipartimento di Medicina Molecolare, "Sapienza" Università di Roma.
Lavoro o posizione ricoperti	<b>Borsista della Fondazione Italiana per la Ricerca sul Cancro (FIRC)</b>
Focus della ricerca	Caratterizzazione di alterazioni in linea germinale e somatica nel carcinoma mammario maschile mediante <i>Whole Exome Sequencing</i> .
Date	<b>Agosto 2014</b>
Nome del datore di lavoro	Department of Public Health and Primary Care, University of Cambridge (UK).
Lavoro o posizione ricoperti	<b>Visiting fellow</b>
Focus della ricerca	Analisi dei dati raccolti dal <i>Consortium of Investigators of Modifiers of BRCA1/2</i> (CIMBA) relativi alle caratteristiche clinico-patologiche dei tumori mammari maschili insorti in portatori di mutazioni nei geni <i>BRCA1</i> e <i>BRCA2</i> .
Date	<b>Novembre 2009 – Ottobre 2012</b>
Nome del datore di lavoro	Dipartimento di Medicina Molecolare, "Sapienza" Università di Roma.
Lavoro o posizione ricoperti	<b>Borsista di Dottorato</b>
Focus della ricerca	Analisi delle basi genetico-molecolari del carcinoma mammario maschile (analisi mutazionale di geni a penetranza moderata e analisi caso-controllo di alleli a bassa penetranza in una serie multicentrica italiana) e del melanoma cutaneo (analisi delle alterazioni somatiche di geni coinvolti nei <i>pathway</i> di MAPK, PI3K/Akt e p53). Analisi della suscettibilità genetica alla psoriasi (studio caso-controllo di polimorfismi del gene VDR).
Date	<b>Ottobre 2007 - Ottobre 2009</b>
Nome del datore di lavoro	Dipartimento di Medicina Sperimentale, "Sapienza" Università di Roma.
Lavoro o posizione ricoperti	<b>Tesista (laurea specialistica)</b>
Focus della ricerca	Analisi mutazionale di geni ad alta e media penetranza nella suscettibilità al carcinoma mammario maschile.

### Esperienza Accademica

Date	<b>31/05/2021</b>
Posizione	<b>Conseguimento dell'Abilitazione Scientifica Nazionale a Professore di II fascia nel Settore Concorsuale 06/A2 - Patologia Generale e Patologia Clinica – Sesto Quadrimestre (validità Abilitazione dal 31/05/2021 al 31/05/2030)</b>
Date	<b>13/11/2020</b>
Posizione	<b>Conseguimento dell'Abilitazione Scientifica Nazionale a Professore di II fascia nel Settore Concorsuale 06/N1 - Scienze delle Professioni Sanitarie e delle Tecnologie Mediche Applicate - Quinto Quadrimestre (validità Abilitazione dal 13/11/2020 al 13/11/2029)</b>
Date	<b>Anno accademico 2020-2021 - presente</b>
Nome dell'Istituto	Sapienza Università di Roma, Dipartimento di Scienze Odontostomatologiche e Maxillo Facciali
Posizione	<b>Incarico di docenza presso Master di II livello in Rino-Allergologia Pratica</b>

	Insegnamenti: "Basi genetiche delle patologie allergiche dell'apparato respiratorio"
Date	<b>Anno accademico 2020-2021</b>
Nome dell'Istituto	Sapienza Università di Roma, Dipartimento di Medicina Molecolare
Posizione	<b>Incarico di docenza presso Master di II livello in Virologia Molecolare</b> Insegnamenti: "Tecniche di sequenziamento di ultima generazione NGS"; "Analisi dei dati di NGS"
Date	<b>Anno accademico 2020-2021</b>
Nome dell'Istituto	Sapienza Università di Roma, Dipartimento di Medicina Molecolare
Posizione	Incarico di insegnamento (1CFU) del Corso "Medicina Molecolare: tecnologie di diagnostica molecolare. Oncologia molecolare". Corso di Dottorato di Ricerca in Medicina Molecolare, I anno (XXXVI ciclo).
Date	<b>Anno accademico 2017/2018 - Presente</b>
Nome dell'Istituto	Sapienza Università di Roma, Facoltà di Farmacia e Medicina
Posizione	<b>Cultrice della materia per l'insegnamento "Metodologia Medico-Scientifica Pre-Clinica"</b>

## Istruzione e formazione

Date	<b>Gennaio 2015</b>
Titolo della qualifica rilasciata	<b>Translational Bioinformatics Workshop</b>
Nome dell'Istituto	Guy's and St Thomas' NHS Foundation Trust, King's College, London (UK).
Date	<b>Dicembre 2014</b>
Titolo della qualifica rilasciata	<b>Master in Bioinformatica: applicazioni biomediche e farmaceutiche, votazione 110/110 e lode.</b>
Nome dell'Istituto	"Sapienza" Università di Roma
Tesi o lavoro conclusivo	<i>Analisi di RNA-Sequencing per lo studio della demenza FENIB</i>
Date	<b>Dicembre 2013</b>
Titolo della qualifica rilasciata	<b>Corso di Alta Formazione in Metodi Statistici per la ricerca e la pratica biomedica</b>
Nome dell'Istituto	"Sapienza" Università di Roma
Tesi o lavoro conclusivo	<i>Tesi sperimentale: "Polimorfismi del recettore della vitamina D e rischio di psoriasi: meta-analisi e studio caso-controllo"</i>
Date	<b>14 Giugno 2013</b>
Titolo della qualifica rilasciata	<b>Dottorato di Ricerca in Dermatologia, Anatomia, Chirurgia Plastica</b>
Nome dell'Istituto	"Sapienza" Università di Roma
Tesi o lavoro conclusivo	<i>Tesi sperimentale: Ruolo dei polimorfismi del recettore della vitamina D nella suscettibilità genetica alla psoriasi.</i>
Date	<b>28 Ottobre 2009</b>
Titolo della qualifica rilasciata	<b>Laurea Specialistica in Genetica e Biologia Molecolare, votazione 110/110 e lode.</b>
Nome dell'Istituto	"Sapienza" Università di Roma
Tesi o lavoro conclusivo	<i>Tesi sperimentale: Suscettibilità genetica al carcinoma mammario maschile: analisi mutazionale dei geni PALB2 e BRIP1.</i>
Date	<b>24 Maggio 2007</b>
Titolo della qualifica rilasciata	<b>Laurea Triennale in Scienze Biologiche, votazione 107/110.</b>
Nome dell'Istituto	"Sapienza" Università di Roma
Tesi o lavoro conclusivo	<i>Tesi sperimentale: L'ipertensione oculare sperimentale induce attivazione delle metallo-proteinasi in retina di ratto.</i>

## Capacità e competenze Personali

Madrelingua	<b>Italiano</b>
Altre lingue	<b>Inglese: livello C1</b>

Capacità e competenze tecniche	<p><b>Ottima conoscenza delle tecniche di biologia molecolare degli acidi nucleici:</b></p> <ul style="list-style-type: none"> <li>- Estrazione e purificazione di acidi nucleici da sangue e da tessuti inclusi in paraffina.</li> <li>- Reazione polimerasica a catena (PCR), Allele specific and Methylation specific PCR, Real-Time PCR (chimica TaqMan e SYBR green), High Resolution Melting (HRM).</li> <li>- Elettroforesi su gel di agarosio e di poliacrilammide.</li> <li>- Analisi mutazionale: Single Strand Conformational Polymorphism analysis (SSCP), protein truncation test (PTT), restriction fragment length polymorphism (RFLP) analysis. Tecniche di clonaggio.</li> <li>- Analisi di sequenziamento automatico (Sanger).</li> <li>- Analisi con tecnologie di sequenziamento Next Generation Sequencing (Pyrosequencing; MiniSeq/Illumina technology; IonTorrent).</li> </ul>
Capacità e competenze informatiche	<p><b>Analisi biostatistiche e bioinformatiche</b></p> <p>Eccellente uso del computer e dei software per le piattaforme <b>Mac, Windows e Linux</b>: Office, Adobe Photoshop, programmi di lettura per sequenze automatiche, di analisi <i>in silico</i> di sequenze e proteine, di visualizzazione molecolare. Conoscenza delle <i>pipeline</i> bioinformatiche per analisi di sequenze da piattaforme NGS. Buona conoscenza dei software statistici <b>R</b> e <b>STATA</b>. Conoscenza di base del linguaggio di programmazione <b>Python</b>. Ottima capacità di navigare in internet e di usufruire di database online.</p>
Altre capacità e competenze	<ul style="list-style-type: none"> <li>- Esperienza nella stesura di progetti di ricerca e nella gestione amministrativa dei fondi ottenuti.</li> <li>- Revisore per le seguenti riviste scientifiche internazionali: BMC Cancer, Human Mutation, Molecular Biology Reports, Critical Reviews in oncology/hematology, Scientific Reports.</li> <li>- Membro dell'Editorial Board delle riviste scientifiche internazionali: Frontiers in Oncology (Sezione Cancer Genetics), Frontiers in Genetics (Sezione Cancer Genetics and Oncogenomics), International Journal of Molecular Sciences.</li> <li>- Direzione come Guest Editor dello Special Issue "Advances in the molecular basis of BRCA-associated cancers" edito dalla rivista scientifica International Journal of Molecular Sciences.</li> <li>- Direzione come Guest Editor dello Special Issue "Hereditary Breast Cancer in Men and Women: Genetic Mutations, Cancer Risk and Treatment" edito dalla rivista scientifica Cancers.</li> </ul>
Descrizione dell'attività di ricerca	<p>L'attività di ricerca della Dott.ssa Valentina Silvestri è principalmente rivolta alla genetica e all'epidemiologia molecolare dei tumori solidi. I suoi studi principali sono focalizzati sull'identificazione e la caratterizzazione di fattori di rischio genetico e di meccanismi molecolari coinvolti nella tumorigenesi, nell'ambito di collaborazioni nazionali e internazionali, mediante l'utilizzo di tecnologie di ultima generazione. L'attività di ricerca è basata sulla particolare expertise della Dott.ssa Silvestri, sia nei metodi sperimentali della biologia molecolare, sia nell'analisi bioinformatica e biostatistica applicata all'oncologia, con l'utilizzo di pipeline per analisi di sequenziamento e di software statistici.</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>• Screening genomico mediante tecnologie di sequenziamento di nuova generazione (NGS), per l'identificazione di nuovi geni di suscettibilità.</li> <li>• Studio di varianti genetiche di suscettibilità mediante studi GWAS (Genome Wide Association Studies) e sviluppo di PRS (Polygenic Risk Scores) condotti nell'ambito di consorzi internazionali.</li> <li>• Caratterizzazione dello spettro di tumori e della stima del rischio associato ai geni BRCA1, BRCA2, e PALB2.</li> <li>• Caratterizzazione molecolare dei tumori solidi: identificazione di mutazioni somatiche associate alla tumorigenesi, analisi di trascrittoma per l'identificazione di sottotipi molecolari, espressione di miRNA per la valutazione della progressione metastatica.</li> </ul>

## PARTECIPAZIONE A CONGRESSI COME SPEAKER

1. BRCA 2021: A Vision of the Future – The Eighth International Symposium on Hereditary Breast and Ovarian Cancer, virtual edition, 4-7 Maggio 2021. Titolo della presentazione: "Transcriptome-Based Profiles of Immune Cell Infiltration in BRCA1/2-Positive and BRCA1/2-Negative Male Breast Cancers".
2. Nuove frontiere per la ricerca traslazionale Oncologica, Roma 5 Dicembre 2018. Titolo della presentazione: "Big Data: needs, challenges and methods to drive oncology research".
3. Psoriasis: beyond skin. Roma, 12 Settembre 2016. Titolo della presentazione: "New insights in Psoriasis genetics and epigenetics".
3. La genomica dei tumori nell'era della medicina di precisione, Baronissi (SA) 18 Marzo 2016. Titolo della presentazione: "Analisi di exome sequencing per l'identificazione di mutazioni ereditarie nel carcinoma mammario maschile familiare".
4. La psoriasi: da patologia della pelle a patologia infiammatoria multiorgano, Roma 29 Ottobre 2014. Titolo della presentazione: " Il ruolo del biologo molecolare: nuove acquisizioni dalla patogenesi al trattamento della psoriasi".
5. 56<sup>th</sup> Annual Meeting of Italian Cancer Society (SIC); Ferrara, 11-13 Settembre 2014. Titolo della presentazione: "Whole Exome Sequencing revealed a novel PALB2 mutation in a male breast cancer family".
6. From general pathology to molecular and translational medicine SIPMET Young Scientist Meeting; Rome, October 23rd-24th, 2013. Titolo della presentazione: "Genetic susceptibility in male breast cancer: a multicenter study in Italy".
7. Applied Biosystems Meeting "Understanding the Genome, New Technologies from Discovery to Validation", Roma 8 Novembre 2010. Titolo della presentazione: "High resolution melting: genotyping and mutation scanning".
8. Congresso nazionale "Tumori Ereditari: dalla Biologia Molecolare al trattamento", Modena 18-19 Novembre 2010. Titolo della presentazione: "Susceptibilità genetica al carcinoma mammario maschile: analisi mutazionale dei geni BRCA1, BRCA2, CHEK2, PALB2, BRIP1 e RAD51C".

## PREMI E RESPONSABILITA' SCIENTIFICHE

- **2021:** Titolo di "**World Expert**" dalla piattaforma Expertscape come top 0.1% dei migliori studiosi negli ultimi 10 anni nel topic "Male Breast Neoplasms" [https://twitter.com/Daily\\_Experts/status/1451095435825795073?ref\\_src=twsrc%5Etfw](https://twitter.com/Daily_Experts/status/1451095435825795073?ref_src=twsrc%5Etfw)
- **2021: Fondazione Umberto Veronesi Post-Doctoral Fellowship Award 2022** "Dissecting gender differences in breast cancer immunophenotypes"
- **2021: Avvio alla ricerca, Sapienza Università di Roma** "Dissecting transcriptomic-based immunophenotypes in male breast cancer".
- **2017: Avvio alla ricerca, Sapienza Università di Roma** "BRCA and beyond: a case-control study investigating the role of unexpected mutations in DNA repair related genes as breast cancer risk factors in men".
- **2016: Avvio alla ricerca, Sapienza Università di Roma** "Evaluation of common genetic variants and their combined effect in male breast cancer risk".
- **2012: Fondazione Italiana Ricerca sul Cancro (FIRC) triennial fellowship "Mario e Valeria Rindi"** "Characterization of germ-line and somatic alterations in male breast cancer by whole exome sequencing".
- **2011: Borsa di viaggio** per la partecipazione al 2<sup>nd</sup> joint meeting Hereditary Breast and Ovarian Cancer (HBOC). New York (USA).

## PARTECIPAZIONE A PROGETTI DI RICERCA

- Lega Italiana per la Lotta contro i Tumori (LILT) - Programma 5 per mille, anno 2019 Investigator Grant (IG), progetto annuale: Germline and somatic characterization of male breast cancer for new molecular biomarker discovery.
- Ricerche Universitarie 'Sapienza' Università di Roma dal 2012 al 2021.
- AIRC 2018-2023: Matched germline and tumor profiling in BRCA and non-BRCA male breast cancer for new molecular biomarker discovery.
- AIRC 2015-2017: Integrative "omics" approach to the characterization of BRCA-positive and BRCA-negative male breast cancer.
- AIRC 2012-2014: Genetic and epigenetic signatures of BRCA-positive and BRCA-negative male breast cancer.
- AIRC 2009-2011: Genetic and Epigenetic signatures in Male Breast Cancer: a multicentric study in Italy.
- PRIN 2010: Application of high-throughput technologies to reconstruct the molecular history of neoplastic diseases.

## PARTECIPAZIONE A SOCIETA' SCIENTIFICHE

- Membro della società americana di genetica umana (ASHG)
- Membro della società europea di genetica umana (ESHG)
- Membro della società italiana di cancerologia (SIC)
- Membro dell'associazione europea per la ricerca sul cancro (EACR)
- Membro della società italiana di patologia e medicina traslazionale (SIPMET)

## PUBBLICAZIONI SU RIVISTE INTERNAZIONALI

Totale pubblicazioni: 46 (primo autore: 14)

Impact Factor complessivo (Anno della pubblicazione): 305.7

Citazioni complessive (Scopus): 845; H-index (Scopus): 17

1. Li S\*, **Silvestri V\***, Leslie G, Rebbeck TR, Neuhausen SL, Hopper JL, Nielsen HR, Lee A, Yang X, McGuffog L, Parsons MT, Andrulis IL, Arnold N, Belotti M, Borg Å, Buecher B, Buys SS, Caputo SM, Chung WK, Colas C, Colonna SV, Cook J, Daly MB, de la Hoya M, de Pauw A, Delhomelle H, Eason J, Engel C, Evans DG, Faust U, Fehm TN, Fostira F, Fountzilas G, Frone M, Garcia-Barberan V, Garre P, Gauthier-Villars M, Gehrig A, Glendon G, Goldgar DE, Golmard L, Greene MH, Hahnen E, Hamann U, Hanson H, Hassan T, Hentschel J, Horvath J, Izatt L, Janavicius R, Jiao Y, John EM, Karlan BY, Kim SW, Konstantopoulou I, Kwong A, Laugé A, Lee JW, Lesueur F, Mebirouk N, Meindl A, Mouret-Fourme E, Musgrave H, Ngeow Yuen Yie J, Niederacher D, Park SK, Pedersen IS, Ramser J, Ramus SJ, Rantala J, Rashid MU, Reichl F, Ritter J, Rump A, Santamariña M, Saule C, Schmidt G, Schmutzler RK, Senter L, Shariff S, Singer CF, Southey MC, Stoppa-Lyonnet D, Sutter C, Tan Y, Teo SH, Terry MB, Thomassen M, Tischkowitz M, Toland AE, Torres D, Vega A, Wagner SA, Wang-Gohrke S, Wappenschmidt B, Weber BHF, Yannoukakos D, Spurdle AB, Easton DF, Chenevix-Trench G, Ottini L, Antoniou AC. Cancer Risks Associated with BRCA1 and BRCA2 Pathogenic Variants. *J Clin Oncol*. 2022 Jan 25;JCO2102112. doi: 10.1200/JCO.21.02112 (\*co-first authors). IF: 44.544.
2. Sorrentino L, **Silvestri V**, Oliveto G, Scordio M, Frasca F, Fracella M, Bitossi C, D'Auria A, Santinelli L, Gabriele L, Pierangeli A, Mastroianni CM, d'Ettore G, Antonelli G, Caruz A, Ottini L, Scagnolari C. Distribution of Interferon Lambda 4 Single Nucleotide Polymorphism rs11322783 Genotypes in Patients with COVID-19. *Microorganisms*. 2022 Feb 4;10(2):363. doi: 10.3390/microorganisms10020363. IF: 4.128
3. Watanabe M, Risi R, Tafuri MA, **Silvestri V**, D'Andrea D, Raimondo D, Rea S, Di Vincenzo F, Profico A, Tuccinardi D, Sciuto R, Basciani S, Mariani S, Lubrano C, Cinti S, Ottini L, Manzi G, Gnessi L. Bone density and genomic analysis unfold cold adaptation mechanisms of ancient inhabitants of Tierra del Fuego. *Sci Rep*. 2021 Dec 2;11(1):23290. doi: 10.1038/s41598-021-02783-1. IF: 4.379.
4. Barnes DR\*, **Silvestri V\***, Leslie G, McGuffog L, Dennis J, Yang X, Adlard J, Agnarsson BA, Ahmed M, Aittomäki K, Andrulis IL, Arason A, Arnold N, Auber B, Azzollini J, Balmaña J, Barkardottir RB, Barrowdale D, Barwell J, Belotti M, Benitez J, Berthet P, Boonen SE, Borg Å, Bozsik A, Brady A, Brennan P, Brewer C, Brunet J, Bucalo A, Buys SS, Caldés T, Caligo MA, Campbell I, Cassingham H, Lotte Christensen L, Cini G, Claes KBM; GEMO Study Collaborators; EMBRACE Collaborators, Cook J, Coppa A, Cortesi L, Damante G, Darder E, Davidson R, de la Hoya M, De Leeneer K, de Putter R, Del Valle J, Diez O, Chun Ding Y, Domchek SM, Donaldson A, Eason J, Eeles R, Engel C, Gareth Evans D, Feliubadaló L, Fostira F, Frone M, Frost D, Gallagher D, Gehrig A, Giraud S, Glendon G, Godwin AK, Goldgar DE, Greene MH, Gregory H, Gross E, Hahnen E, Hamann U, Hansen TVO, Hanson H, Hentschel J, Horvath J; KConFab Investigators; HEBON Investigators, Izatt L, Izquierdo A, James PA, Janavicius R, Birk Jensen U, Johannsson OT, John EM, Kramer G, Kroeldrup L, Kruse TA, Laurup C, Lazaro C, Lesueur F, Lopez-Fernández A, Mai PL, Manoukian S, Matrai Z, Matricardi L, Maxwell KN, Mebirouk N, Meindl A, Montagna M, Monteiro AN, Morrison PJ, Muranen TA, Murray A, Nathanson KL, Neuhausen SL, Nevanlinna H, Nguyen-Dumont T, Niederacher D, Olah E, Olopade OI, Palli D, Parsons MT, Sokilde Pedersen I, Peissel B, Perez-Segura P, Peterlongo P, Petersen AH, Pinto P, Porteous ME, Pottinger C, Angel Pujana M, Radice P, Ramser J, Rantala J, Robson M, Rogers MT, Rønlund K, Rump A, María Sánchez de Abajo A, Shah PD, Sharif S, Side LE, Singer CF, Stadler Z, Steele L, Stoppa-Lyonnet D, Sutter C, Yen Tan Y, Teixeira MR, Teulé A, Thull DL, Tischkowitz M, Toland AE, Tommasi S, Toss A, Trainer AH, Tripathi V, Valentini V, van Asperen CJ, Venturelli M, Viel A, Vijai J, Walker L, Wang-Gohrke S, Wappenschmidt B, Whaite A, Zanna I, Offit K, Thomassen M, Couch FJ, Schmutzler RK, Simard J, Easton DF, Chenevix-Trench G, Antoniou AC, Ottini L; Consortium of Investigators of Modifiers of BRCA1 and BRCA2. Breast and Prostate Cancer Risks for Male BRCA1 and BRCA2 Pathogenic Variant Carriers Using Polygenic Risk Scores. *J Natl Cancer Inst*. 2021 Jul 28:djab147. doi: 10.1093/jnci/djab147. IF: 13.506. (\*co-first authors).
5. Zelli V, **Silvestri V**, Valentini V, Bucalo A, Rizzolo P, Zanna I, Bianchi S, Coppa A, Giannini G, Cortesi L, Calistri D, Tibiletti MG, Fox SB, kConFab, Palli D, Ottini L. Transcriptome of male breast cancer matched with germline profiling reveals novel molecular subtypes with possible clinical relevance. *Cancers (Basel)*. 2021 Sep 8;13(18):4515. doi: 10.3390/cancers13184515. IF: 6.639.
6. Caini S, Fiorito G, Palli D, Bendinelli B, Polidoro S, **Silvestri V**, Ottini L, Ambrogetti D, Zanna I, Saieva C, Masala G. Pre-diagnostic DNA methylation patterns differ according to mammographic breast density amongst women who subsequently develop breast cancer: a case-only study in the EPIC-Florence cohort. *Breast Cancer Res Treat*. 2021 Jun 8. doi: 10.1007/s10549-021-06273-w. IF: 4.872.

7. Maguire S, Perraki E, Tomczyk K, Jones ME, Fletcher O, Pugh M, Winter T, Thompson K, Cooke R; kConFab Consortium, Trainer A, James P, Bojesen S, Flyger H, Nevanlinna H, Mattson J, Friedman E, Laitman Y, Palli D, Masala G, Zanna I, Ottini L, **Silvestri V**, Hollestelle A, Hoening MJ, Novaković S, Krajc M, Gago-Dominguez M, Castela JE, Olsson H, Hedenfalk I, Saloustros E, Georgoulas V, Easton DF, Pharoah P, Dunning AM, Bishop DT, Neuhausen SL, Steele L, Ashworth A, Closas MG, Houlston R, Swerdlow A, Orr N. Common susceptibility loci for male breast cancer. *J Natl Cancer Inst.* 2021 Apr 6;113(4):453-461. doi: 10.1093/jnci/djaa101. IF: 13.506.
8. Valentini V, **Silvestri V**, Marraffa F, Greco G, Bucalo A, Grassi S, Gagliardi A, Mazzotta A, Ottini L, Richetta AG. Gut microbiome profile in psoriatic patients treated and untreated with biologic therapy. *J Dermatol.* 2021 Jan 28. doi: 10.1111/1346-8138.15680. IF: 4.005.
9. Bucalo A, Rega F, Zangrilli A, **Silvestri V**, Valentini V, Scafetta G, Marraffa F, Grassi S, Rogante E, Piccolo A, Cucchiara S, Viola F, Bianchi L, Ottini L, Richetta A. Paradoxical Psoriasis Induced by Anti-TNF $\alpha$  Treatment: Evaluation of Disease-Specific Clinical and Genetic Markers. *Int J Mol Sci.* 2020 Oct 23;21(21):7873. doi: 10.3390/ijms21217873. IF: 4.556.
10. Sanese P, Fasano C, Buscemi G, Bottino C, Corbetta S, Fabini E, **Silvestri V**, Valentini V, Disciglio V, Forte G, Lepore Signorile M, De Marco K, Bertora S, Grossi V, Guven U, Porta N, Di Maio V, Manoni E, Giannelli G, Bartolini M, Del Rio A, Caretti G, Ottini L, Simone C. Targeting SMYD3 to sensitize homologous recombination-proficient tumors to PARP-mediated synthetic lethality. *iScience.* 2020 Oct 7;23(10):101604. doi: 10.1016/j.isci.2020.101604. IF: 4.447.
11. **Silvestri V**, Leslie G, Barnes DR; and the CIMBA Group, Agnarsson BA, Aittomäki K, Alducci E, Andrulis IL, Barkardottir RB, Barroso A, Barrowdale D, Benitez J, Bonanni B, Borg A, Buys SS, Caldés T, Caligo MA, Capalbo C, Campbell I, Chung WK, Claes KBM, Colonna SV, Cortesi L, Couch FJ, de la Hoya M, Diez O, Ding YC, Domchek S, Easton DF, Ejlersen B, Engel C, Evans DG, Feliubadaló L, Foretova L, Fostira F, Géczi L, Gerdes AM, Glendon G, Godwin AK, Goldgar DE, Hahnen E, Hogervorst FBL, Hopper JL, Hulick PJ, Isaacs C, Izquierdo A, James PA, Janavicius R, Jensen UB, John EM, Joseph V, Konstantopoulou I, Kurian AW, Kwong A, Landucci E, Lesueur F, Loud JT, Machackova E, Mai PL, Majidzadeh-A K, Manoukian S, Montagna M, Moserle L, Mulligan AM, Nathanson KL, Nevanlinna H, Ngeow Yuen Ye J, Nikitina-Zake L, Offit K, Olah E, Olopade OI, Osorio A, Papi L, Park SK, Pedersen IS, Perez-Segura P, Petersen AH, Pinto P, Porfirio B, Pujana MA, Radice P, Rantala J, Rashid MU, Rosenzweig B, Rossing M, Santamariña M, Schmutzler RK, Senter L, Simard J, Singer CF, Solano AR, Southey MC, Steele L, Steinsnyder Z, Stoppa-Lyonnet D, Tan YY, Teixeira MR, Teo SH, Terry MB, Thomassen M, Toland AE, Torres-Esquius S, Tung N, van Asperen CJ, Vega A, Viel A, Vierstraete J, Wappenschmidt B, Weitzel JN, Wieme G, Yoon SY, Zorn KK, McGuffog L, Parsons MT, Hamann U, Greene MH, Kirk JA, Neuhausen SL, Rebbeck TR, Tischkowitz M, Chenevix-Trench G, Antoniou AC, Friedman E, Ottini L. Characterization of the Cancer Spectrum in Men With Germline BRCA1 and BRCA2 Pathogenic Variants: Results From the Consortium of Investigators of Modifiers of BRCA1/2 (CIMBA). *JAMA Oncol.* 2020 Aug 1;6(8):1218-1230. doi: 10.1001/jamaoncol.2020.2134. IF: 24.799.
12. Yang X, Leslie G, Doroszuk A, Schneider S, Allen J, Decker B, Dunning AM, Redman J, Scarth J, Plaskocinska I, Luccarini C, Shah M, Pooley K, Dorling L, Lee A, Adank MA, Adlard J, Aittomäki K, Andrulis IL, Ang P, Barwell J, Bernstein JL, Bobolis K, Borg Å, Blomqvist C, Claes KBM, Concannon P, Cuggia A, Culver JO, Damiola F, de Pauw A, Diez O, Dolinsky JS, Domchek SM, Engel C, Evans DG, Fostira F, Garber J, Golmard L, Goode EL, Gruber SB, Hahnen E, Hake C, Heikkinen T, Hurley JE, Janavicius R, Kleibl Z, Kleiblova P, Konstantopoulou I, Kvist A, Laduca H, Lee ASG, Lesueur F, Maher ER, Mannermaa A, Manoukian S, McFarland R, McKinnon W, Meindl A, Metcalfe K, Mohd Taib NA, Moilanen J, Nathanson KL, Neuhausen S, Ng PS, Nguyen-Dumont T, Nielsen SM, Obermair F, Offit K, Olopade OI, Ottini L, Penkert J, Pylkäs K, Radice P, Ramus SJ, Rudaitis V, Side L, Silva-Smith R, **Silvestri V**, Skytte AB, Slavin T, Soukupova J, Tondini C, Trainer AH, Unzeitig G, Usha L, van Overeem Hansen T, Whitworth J, Wood M, Yip CH, Yoon SY, Yussuf A, Zogopoulos G, Goldgar D, Hopper JL, Chenevix-Trench G, Pharoah P, George SHL, Balmaña J, Houdayer C, James P, El-Haffaf Z, Ehrencrona H, Janatova M, Peterlongo P, Nevanlinna H, Schmutzler R, Teo SH, Robson M, Pal T, Couch F, Weitzel JN, Elliott A, Southey M, Winqvist R, Easton DF, Foulkes WD, Antoniou AC, Tischkowitz M. Cancer Risks Associated With Germline PALB2 Pathogenic Variants: An International Study of 524 Families. *J Clin Oncol.* 2020 Mar 1;38(7):674-685. doi: 10.1200/JCO.19.01907. IF: 28.245.
13. Patel VL, Busch EL, Friebel TM, Cronin A, Leslie G, McGuffog L, Adlard J, Agata S, Agnarsson BA, Ahmed M, Aittomäki K, Alducci E, Andrulis IL, Arason A, Arnold N, Artioli G, Arver B, Auber B, Azzollini J, Balmaña J, Barkardottir RB, Barnes DR, Barroso A, Barrowdale D, Belotti M, Benitez J, Bertelsen B, Blok MJ, Bodrogi I, Bonadona V, Bonanni B, Bondavalli D, Boonen SE, Borde J, Borg A, Bradbury AR, Brady A, Brewer C, Brunet J, Buecher B, Buys SS, Cabezas-Camarero S, Caldés T, Caliebe A, Caligo MA, Calvello M, Campbell IG, Carnevali I, Carrasco E, Chan TL, Chu ATW, Chung WK, Claes KBM, Collaborators GS, Collaborators E, Cook J, Cortesi L, Couch FJ, Daly MB, Damante G, Darder E, Davidson R, de la Hoya M, Della Puppa L, Dennis J, Díez O, Ding YC, Ditsch N, Domchek SM, Donaldson A, Dworniczak B, Easton DF, Eccles DM, Eeles RA, Ehrencrona H, Ejlersen B, Engel C, Evans DG, Faivre L, Faust U, Feliubadaló L, Foretova L, Fostira F, Fountzilas G, Frost D, García-Barberán V, Garre P, Gauthier-Villars M, Géczi L, Gehrig A, Gerdes AM, Gesta P, Giannini G, Glendon G, Godwin AK, Goldgar DE, Greene MH, Gutierrez-Barrera AM, Hahnen E, Hamann U, Hauke J, Herold N, Hogervorst FBL, Honisch E, Hopper JL, Hulick PJ, Investigators K, Investigators H, Izatt L, Jager A,

James P, Janavicius R, Jensen UB, Jensen TD, Johannsson OT, John EM, Joseph V, Kang E, Kast K, Kiiski JI, Kim SW, Kim Z, Ko KP, Konstantopoulou I, Kramer G, Krogh L, Kruse TA, Kwong A, Larsen M, Lasset C, Lautrup C, Lázaro C, Lee J, Lee JW, Lee MH, Lemke J, Lesueur F, Liljegren A, Lindblom A, Llovat P, Lopez-Fernández A, Lopez-Perolio I, Lorca V, Loud JT, Ma ESK, Mai PL, Manoukian S, Mari V, Martin L, Matricardi L, Mebirouk N, Medici V, Meijers-Heijboer HEJ, Meindl A, Mensenkamp AR, Miller C, Molina Gomes D, Montagna M, Mooij TM, Moserle L, Mouret-Fourme E, Mulligan AM, Nathanson KL, Navratilova M, Nevanlinna H, Niederacher D, Cilius Nielsen FC, Nikitina-Zake L, Offit K, Olah E, Olopade OI, Ong KR, Osorio A, Ott CE, Palli D, Park SK, Parsons MT, Pedersen IS, Peissel B, Peixoto A, Pérez-Segura P, Peterlongo P, Høgh Petersen A, Porteous ME, Pujana MA, Radice P, Ramser J, Rantala J, Rashid MU, Rhiem K, Rizzolo P, Robson ME, Rookus MA, Rossing CM, Ruddy KJ, Santos C, Saule C, Scarpitta R, Schmutzler RK, Schuster H, Senter L, Seynaeve CM, Shah PD, Sharma P, Shin VY, **Silvestri V**, Simard J, Singer CF, Skytte AB, Snape K, Solano AR, Soucy P, Southey MC, Spurdle AB, Steele L, Steinemann D, Stoppa-Lyonnet D, Stradella A, Sunde L, Sutter C, Tan YY, Teixeira MR, Teo SH, Thomassen M, Tibiletti MG, Tischkowitz M, Tognazzo S, Toland AE, Tommasi S, Torres D, Toss A, Trainer AH, Tung N, van Asperen CJ, van der Baan FH, van der Kolk LE, van der Luijt RB, van Hest LP, Varesco L, Varon-Mateeva R, Viel A, Vierstraete J, Villa R, von Wachenfeldt A, Wagner P, Wang-Gohrke S, Wappenschmidt B, Weitzel JN, Wieme G, Yadav S, Yannoukakos D, Yoon SY, Zanzottera C, Zorn KK, D'Amico AV, Freedman ML, Pomerantz MM, Chenevix-Trench G, Antoniou AC, Neuhausen SL, Ottini L, Nielsen HR, Rebbeck TR. Association of Genomic Domains in BRCA1 and BRCA2 with Prostate Cancer Risk and Aggressiveness. *Cancer Res.* 2020 Feb 1;80(3):624-638. doi: 10.1158/0008-5472.CAN-19-1840. IF: 9.727.

14. Nicolussi A, Belardinelli F, **Silvestri V**, Mahdavian Y, Valentini V, D'Inzeo S, Petroni M, Zani M, Ferraro S, Di Giulio S, Fabretti F, Fratini B, Gradilone A, Ottini L, Giannini G, Coppa A, Capalbo C. Identification of novel BRCA1 large genomic rearrangements by a computational algorithm of amplicon-based Next-Generation Sequencing data. *PeerJ.* 2019 Nov 15;7:e7972. doi: 10.7717/peerj.7972. IF: 2.353.

15. Rizzolo P\*, **Silvestri V\***, Valentini V, Zelli V, Bucalo A, Zanna I, Bianchi S, Tibiletti MG, Russo A, Varesco L, Tedaldi G, Bonanni B, Azzollini J, Manoukian S, Coppa A, Giannini G, Cortesi L, Viel A, Montagna M, Peterlongo P, Radice P, Palli D, Ottini L. Evaluation of CYP17A1 and CYP1B1 polymorphisms in male breast cancer risk. *Endocr Connect.* 2019 Jul 1. pii: EC-19-0225.R1. doi: 10.1530/EC-19-0225. IF: 3.041 (\*co-first authors).

16. Valentini V, Zelli V, Gaggiano E, **Silvestri V**, Rizzolo P, Bucalo A, Calvieri S, Grassi S, Frascione P, Donati P, Soda G, Ottini L, Richetta AG. MiRNAs as Potential Prognostic Biomarkers for Metastasis in Thin and Thick Primary Cutaneous Melanomas. *Anticancer Res.* 2019 Aug;39(8):4085-4093. doi: 10.21873/anticancer.13566. IF: 1.935.

17. Rizzolo P, Zelli V, **Silvestri V**, Valentini V, Zanna I, Bianchi S, Masala G, Spinelli AM, Tibiletti MG, Russo A, Varesco L, Giannini G, Capalbo C, Calistri D, Cortesi L, Viel A, Bonanni B, Azzollini J, Manoukian S, Montagna M, Peterlongo P, Radice P, Palli D, Ottini L. Insight into genetic susceptibility to male breast cancer by multigene panel testing: Results from a multicenter study in Italy. *Int J Cancer.* 2019 Jul 15;145(2):390-400. doi: 10.1002/ijc.32106. IF: 4.982.

18. Rizzolo P, **Silvestri V**, Bucalo A, Zelli V, Valentini V, Catucci I, Zanna I, Masala G, Bianchi S, Spinelli AM, Tommasi S, Tibiletti MG, Russo A, Varesco L, Coppa A, Calistri D, Cortesi L, Viel A, Bonanni B, Azzollini J, Manoukian S, Montagna M, Radice P, Palli D, Peterlongo P, Ottini L. Contribution of MUTYH Variants to Male Breast Cancer Risk: Results From a Multicenter Study in Italy. *Front Oncol.* 2018 Dec 4; 8:583. doi: 10.3389/fonc.2018.00583. IF: 4.416.

19. Richetta AG, Valentini V, Marraffa F, Paolino G, Rizzolo P, **Silvestri V**, Zelli V, Carbone A, Di Mattia C, Calvieri S, Frascione P, Donati P, Ottini L. Metastases risk in thin cutaneous melanoma: prognostic value of clinical-pathologic characteristics and mutation profile. *Oncotarget.* 2018 Aug 14;9(63):32173-32181. doi: 10.18632/oncotarget.25864.

20. Valentini V, Zelli V, Rizzolo P, **Silvestri V**, Alimandi M, D'Aloia MM, Giustini S, Calvieri S, Richetta AG, Monteleone G, Ottini L. PIK3CA c.3140A>G mutation in a patient with suspected Proteus Syndrome: a case report. *Clin Case Rep.* 2018 Jun 2;6(7):1358-1363. doi: 10.1002/ccr3.1546.

21. Rizzolo P, **Silvestri V**, Valentini V, Zelli V, Zanna I, Masala G, Bianchi S, Palli D, Ottini L. Gene-specific methylation profiles in BRCA-mutation positive and BRCA-mutation negative male breast cancers. *Oncotarget.* 2018 Apr 13;9(28):19783-19792. doi: 10.18632/oncotarget.24856.

22. Zanna I, **Silvestri V**, Palli D, Magrini A, Rizzolo P, Saieva C, Zelli V, Bendinelli B, Vezzosi V, Valentini V, Bianchi S, Ottini L, Masala G. Smoking and FGFR2 rs2981582 variant independently modulate male breast cancer survival: A population-based study in Tuscany, Italy. *Breast.* 2018 Aug; 40:85-91. doi: 10.1016/j.breast.2018.04.017. IF: 3.494.

23. **Silvestri V**, Rizzolo P, Zelli V, Valentini V, Zanna I, Bianchi S, Tibiletti MG, Varesco L, Russo A, Tommasi S, Coppa A, Capalbo C, Calistri D, Viel A, Cortesi L, Manoukian S, Bonanni B, Montagna M, Palli D, Radice P, Peterlongo P, Ottini L. A possible role of FANCM

mutations in male breast cancer susceptibility: Results from a multicenter study in Italy. *Breast*. 2018 Apr; 38:92-97. doi: 10.1016/j.breast.2017.12.013. IF: 3.494.

24. Neuhausen SL, Shani H, Boker LK, Steele L, Silverman BG, Ottini L, **Silvestri V**, Laitman Y, Korach J, Perri T, Friedman E. Primary Peritoneal Serous Carcinoma in Men: A Rare and Non-BRCA-associated Entity. *Anticancer Res*. 2017 Jun;37(6):3069-3072. IF: 1.865.

25. Lecarpentier J\*, **Silvestri V\***, Kuchenbaecker KB, Barrowdale D, Dennis J, McGuffog L, Soucy P, Leslie G, Rizzolo P, Navazio AS, Valentini V, Zelli V, Lee A, Amin Al Olama A, Tyrer JP, Southey M, John EM, Conner TA, Goldgar DE, Buys SS, Janavicius R, Steele L, Ding YC, Neuhausen SL, Hansen TVO, Osorio A, Weitzel JN, Toss A, Medici V, Cortesi L, Zanna I, Palli D, Radice P, Manoukian S, Peissel B, Azzollini J, Viel A, Cini G, Damante G, Tommasi S, Peterlongo P, Fostira F, Hamann U, Evans DG, Henderson A, Brewer C, Eccles D, Cook J, Ong KR, Walker L, Side LE, Porteous ME, Davidson R, Hodgson S, Frost D, Adlard J, Izatt L, Eeles R, Ellis S, Tischkowitz M; EMBRACE, Godwin AK, Meindl A, Gehrig A, Dworniczak B, Sutter C, Engel C, Niederacher D, Steinemann D, Hahnen E, Hauke J, Rhiem K, Kast K, Arnold N, Ditsch N, Wang-Gohrke S, Wappenschmidt B, Wand D, Lasset C, Stoppa-Lyonnet D, Belotti M, Damiola F, Barjhoux L, Mazoyer S; GEMO Study Collaborators, Van Heetvelde M, Poppe B, De Leeneer K, Claes KBM, de la Hoya M, Garcia-Barberan V, Caldes T, Perez Segura P, Kiiski JI, Aittomäki K, Khan S, Nevanlinna H, van Asperen CJ; HEBON, Vaszko T, Kasler M, Olah E, Balmaña J, Gutiérrez-Enríquez S, Diez O, Teulé A, Izquierdo A, Darder E, Brunet J, Del Valle J, Feliubadalo L, Pujana MA, Lazaro C, Arason A, Agnarsson BA, Johannsson OT, Barkardottir RB, Alducci E, Tognazzo S, Montagna M, Teixeira MR, Pinto P, Spurdle AB, Holland H; KConFab Investigators, Lee JW, Lee MH, Lee J, Kim SW, Kang E, Kim Z, Sharma P, Rebbeck TR, Vijai J, Robson M, Lincoln A, Musinsky J, Gaddam P, Tan YY, Berger A, Singer CF, Loud JT, Greene MH, Mulligan AM, Glendon G, Andrulis IL, Toland AE, Senter L, Bojesen A, Nielsen HR, Skytte AB, Sunde L, Jensen UB, Pedersen IS, Krogh L, Kruse TA, Caligo MA, Yoon SY, Teo SH, von Wachenfeldt A, Huo D, Nielsen SM, Olopade OI, Nathanson KL, Domchek SM, Lorenchick C, Jankowitz RC, Campbell I, James P, Mitchell G, Orr N, Park SK, Thomassen M, Offit K, Couch FJ, Simard J, Easton DF, Chenevix-Trench G, Schmutzler RK, Antoniou AC, Ottini L. Prediction of Breast and Prostate Cancer Risks in Male BRCA1 and BRCA2 Mutation Carriers Using Polygenic Risk Scores. *J Clin Oncol*. 2017 Jul 10;35(20):2240-2250. doi: 10.1200/JCO.2016.69.4935. IF: 26.303 (\*co-first authors).

26. Rizzolo P, **Silvestri V**, Ottini L. Retesting BRCA1/BRCA2 mutation negative male breast cancer patients using next generation sequencing technologies. *Breast Cancer Res Treat*. 2017 Feb;162(1):199-200. doi: 10.1007/s10549-017-4108-9. IF: 3.605.

27. Rizzolo P, Navazio AS, **Silvestri V**, Valentini V, Zelli V, Zanna I, Masala G, Bianchi S, Scarnò M, Tommasi S, Palli D, Ottini L. Somatic alterations of targetable oncogenes are frequently observed in BRCA1/2 mutation negative male breast cancers. *Oncotarget*. 2016 Nov 8;7(45):74097-74106. doi: 10.18632/oncotarget.12272. IF: 5.168.

28. **Silvestri V**, Zelli V, Valentini V, Rizzolo P, Navazio AS, Coppa A, Agata S, Oliani C, Barana D, Castrignanò T, Viel A, Russo A, Tibiletti MG, Zanna I, Masala G, Cortesi L, Manoukian S, Azzollini J, Peissel B, Bonanni B, Peterlongo P, Radice P, Palli D, Giannini G, Chillemi G, Montagna M, Ottini L. Whole-exome sequencing and targeted gene sequencing provide insights into the role of PALB2 as a male breast cancer susceptibility gene. *Cancer*. 2017 Jan 1;123(2):210-218. doi: 10.1002/cncr.30337. IF: 6.537.

29. Navazio AS, Rizzolo P, **Silvestri V**, Valentini V, Zelli V, Zanna I, Masala G, Bianchi S, Tommasi S, Palli D, Ottini L. EMSY copy number variation in male breast cancers characterized for BRCA1 and BRCA2 mutations. *Breast Cancer Res Treat*. 2016 Nov;160(1):181-186. doi: 10.1007/s10549-016-3976-8. IF: 3.626.

30. Chandramouli B, **Silvestri V**, Scarno M, Ottini L, Chillemi G. Smyd3 open & closed lock mechanism for substrate recruitment: The hinge motion of C-terminal domain inferred from  $\mu$ -second molecular dynamics simulations. *Biochim Biophys Acta*. 2016 Jul;1860(7):1466-74. doi: 10.1016/j.bbagen.2016.04.006. IF: 4.702.

31. **Silvestri V**, Barrowdale D, Mulligan AM, Neuhausen SL, Fox S, Karlan BY, Mitchell G, James P, Thull DL, Zorn KK, Carter NJ, Nathanson KL, Domchek SM, Rebbeck TR, Ramus SJ, Nussbaum RL, Olopade OI, Rantala J, Yoon SY, Caligo MA, Spugnési L, Bojesen A, Pedersen IS, Thomassen M, Jensen UB, Toland AE, Senter L, Andrulis IL, Glendon G, Hulick PJ, Imyanitov EN, Greene MH, Mai PL, Singer CF, Rappaport-Fuerhauser C, Kramer G, Vijai J, Offit K, Robson M, Lincoln A, Jacobs L, Machackova E, Foretova L, Navratilova M, Vasickova P, Couch FJ, Hallberg E, Ruddy KJ, Sharma P, Kim SW; kConFab Investigators, Teixeira MR, Pinto P, Montagna M, Matricardi L, Arason A, Johannsson OT, Barkardottir RB, Jakubowska A, Lubinski J, Izquierdo A, Pujana MA, Balmaña J, Diez O, Ivady G, Papp J, Olah E, Kwong A; Hereditary Breast and Ovarian Cancer Research Group Netherlands (HEBON), Nevanlinna H, Aittomäki K, Perez Segura P, Caldes T, Van Maerken T, Poppe B, Claes KB, Isaacs C, Elan C, Lasset C, Stoppa-Lyonnet D, Barjhoux L, Belotti M, Meindl A, Gehrig A, Sutter C, Engel C, Niederacher D, Steinemann D, Hahnen E, Kast K, Arnold N, Varon-Mateeva R, Wand D, Godwin AK, Evans DG, Frost D, Perkins J, Adlard J, Izatt L, Platte R, Eeles R, Ellis S; EMBRACE, Hamann U, Garber J, Fostira F, Fountzilias G, Pasini B, Giannini G, Rizzolo P, Russo A, Cortesi L, Papi L, Varesco L, Palli D, Zanna I, Savarese A, Radice P, Manoukian S, Peissel B, Barile M, Bonanni B, Viel A, Pensotti V, Tommasi S, Peterlongo P, Weitzel JN, Osorio A, Benitez J, McGuffog L, Healey S, Gerdes AM, Ejlersen B, Hansen TV, Steele L, Ding YC, Tung N, Janavicius R, Goldgar DE, Buys



- SS, Daly MB, Bane A, Terry MB, John EM, Southey M, Easton DF, Chenevix-Trench G, Antoniou AC, Ottini L. Male breast cancer in BRCA1 and BRCA2 mutation carriers: pathology data from the Consortium of Investigators of Modifiers of BRCA1/2. *Breast Cancer Res.* 2016 Feb 9;18(1):15. doi: 10.1186/s13058-016-0671-y. IF: 6.345.
32. **Silvestri V**, Rizzolo P, Scarnò M, Chillemi G, Navazio AS, Valentini V, Zelli V, Zanna I, Saieva C, Masala G, Bianchi S, Manoukian S, Barile M, Pensotti V, Peterlongo P, Varesco L, Tommasi S, Russo A, Giannini G, Cortesi L, Viel A, Montagna M, Radice P, Palli D, Ottini L. Novel and known genetic variants for male breast cancer risk at 8q24.21, 9p21.3, 11q13.3 and 14q24.1: results from a multicenter study in Italy. *Eur J Cancer.* 2015 Nov;51(16):2289-95. doi: 10.1016/j.ejca.2015.07.020. IF: 6.163.
33. Peterlongo P, Catucci I, Colombo M, Caleca L, Mucaki E, Bogliolo M, Marin M, Damiola F, Bernard L, Pensotti V, Volorio S, Dall'Olio V, Meindl A, Bartram C, Sutter C, Surowy H, Sornin V, Dondon MG, Eon-Marchais S, Stoppa-Lyonnet D, Andrieu N, Sinilnikova OM; GENESIS, Mitchell G, James PA, Thompson E; kConFab; SWE-BRCA, Marchetti M, Verzeroli C, Tartari C, Capone GL, Putignano AL, Genuardi M, Medici V, Marchi I, Federico M, Tognazzo S, Matricardi L, Agata S, Dolcetti R, Della Puppa L, Cini G, Gismondi V, Viassolo V, Perfumo C, Mencarelli MA, Baldassarri M, Peissel B, Roversi G, **Silvestri V**, Rizzolo P, Spina F, Vivanet C, Tibiletti MG, Caligo MA, Gambino G, Tommasi S, Pilato B, Tondini C, Corna C, Bonanni B, Barile M, Osorio A, Benitez J, Balestrino L, Ottini L, Manoukian S, Pierotti MA, Renieri A, Varesco L, Couch FJ, Wang X, Devilee P, Hilbers FS, van Asperen CJ, Viel A, Montagna M, Cortesi L, Diez O, Balmaña J, Hauke J, Schmutzler RK, Papi L, Pujana MA, Lázaro C, Falanga A, Offit K, Vijai J, Campbell I, Burwinkel B, Kvist A, Ehrencrona H, Mazoyer S, Pizzamiglio S, Verderio P, Surralles J, Rogan PK, Radice P. FANCM c.5791C>T nonsense mutation (rs144567652) induces exon skipping, affects DNA repair activity and is a familial breast cancer risk factor. *Hum Mol Genet.* 2015 Sep 15;24(18):5345-55. doi: 10.1093/hmg/ddv251. IF: 5.985.
34. Ottini L, Rizzolo P, Siniscalchi E, Zijno A, **Silvestri V**, Crebelli R, Marcon F. Gene promoter methylation and DNA repair capacity in monozygotic twins with discordant smoking habits. *Mutat Res Genet Toxicol Environ Mutagen.* 2015 Feb; 779:57-64. doi: 10.1016/j.mrgentox.2015.01.006. IF: 2.254.
35. Ottini L, Rizzolo P, Zanna I, **Silvestri V**, Saieva C, Falchetti M, Masala G, Navazio AS, Capalbo C, Bianchi S, Manoukian S, Barile M, Peterlongo P, Caligo MA, Varesco L, Tommasi S, Russo A, Giannini G, Cortesi L, Cini G, Montagna M, Radice P, Palli D. Association of SULT1A1 Arg<sup>213</sup>His polymorphism with male breast cancer risk: results from a multicenter study in Italy. *Breast Cancer Res Treat.* 2014 Dec;148(3):623-8. doi: 10.1007/s10549-014-3193-2. IF: 3.940.
36. Richetta AG, **Silvestri V**, Giancristoforo S, Rizzolo P, D'Epiro S, Graziano V, Mattozzi C, Navazio AS, Falchetti M, Calvieri S, Ottini L. Mutational profiling in melanocytic tumors: multiple somatic mutations and clinical implications. *Oncology.* 2014;86(2):104-8. doi: 10.1159/000356878. IF: 2.613.
37. Richetta AG, **Silvestri V**, Giancristoforo S, Rizzolo P, D'Epiro S, Graziano V, Mattozzi C, Navazio AS, Campoli M, D'Amico C, Scarnò M, Calvieri S, Ottini L. A-1012G promoter polymorphism of vitamin D receptor gene is associated with psoriasis risk and lower allele-specific expression. *DNA Cell Biol.* 2014 Feb;33(2):102-9. doi: 10.1089/dna.2013.2217. IF: 2.055.
38. Rizzolo P\*, **Silvestri V\***, Tommasi S, Pinto R, Danza K, Falchetti M, Gulino M, Frati P, Ottini L. Male breast cancer: genetics, epigenetics, and ethical aspects. *Ann Oncol.* 2013 Nov;24 Suppl 8: viii75-viii82. doi: 10.1093/annonc/mdt316. IF: 6.578 (\*co-first authors).
39. Palli D, Rizzolo P, Zanna I, **Silvestri V**, Saieva C, Falchetti M, Navazio AS, Graziano V, Masala G, Bianchi S, Russo A, Tommasi S, Ottini L. SULT1A1 gene deletion in BRCA2-associated male breast cancer: a link between genes and environmental exposures? *J Cell Mol Med.* 2013 May;17(5):605-7. doi: 10.1111/jcmm.12043. IF: 3.698.
40. Ottini L, **Silvestri V**, Saieva C, Rizzolo P, Zanna I, Falchetti M, Masala G, Navazio AS, Graziano V, Bianchi S, Manoukian S, Barile M, Peterlongo P, D'Amico C, Varesco L, Tommasi S, Russo A, Giannini G, Cortesi L, Viel A, Montagna M, Radice P, Palli D. Association of low-penetrance alleles with male breast cancer risk and clinicopathological characteristics: results from a multicenter study in Italy. *Breast Cancer Res Treat.* 2013 Apr;138(3):861-8. doi: 10.1007/s10549-013-2459-4. IF: 4.198.
41. Ottini L, **Silvestri V**, Rizzolo P, Falchetti M, Zanna I, Saieva C, Masala G, Bianchi S, Manoukian S, Barile M, Peterlongo P, Varesco L, Tommasi S, Russo A, Giannini G, Cortesi L, Viel A, Montagna M, Radice P, Palli D. Clinical and pathologic characteristics of BRCA-positive and BRCA-negative male breast cancer patients: results from a collaborative multicenter study in Italy. *Breast Cancer Res Treat.* 2012 Jul;134(1):411-8. doi: 10.1007/s10549-012-2062-0. IF: 4.469.
42. **Silvestri V**, Rizzolo P, Falchetti M, Zanna I, Masala G, Palli D, Ottini L. Mutation screening of RAD51C in male breast cancer patients. *Breast Cancer Res.* 2011 Feb 8;13(1):404. doi: 10.1186/bcr2823. IF: 5.245.
43. Rizzolo P\*, **Silvestri V\***, Falchetti M, Ottini L. Inherited and acquired alterations in development of breast cancer. *Appl Clin Genet.* 2011 Nov 14; 4:145-58. doi: 10.2147/TACG.S13226. (\*co-first authors).

44. **Silvestri V**, Rizzolo P, Falchetti M, Zanna I, Masala G, Bianchi S, Palli D, Ottini L. Mutation analysis of BRIP1 in male breast cancer cases: a population-based study in Central Italy. *Breast Cancer Res Treat.* 2011 Apr;126(2):539-43. doi: 10.1007/s10549-010-1289-x. IF: 4.431.

45. **Silvestri V**, Rizzolo P, Zanna I, Falchetti M, Masala G, Bianchi S, Papi L, Giannini G, Palli D, Ottini L. PALB2 mutations in male breast cancer: a population-based study in Central Italy. *Breast Cancer Res Treat.* 2010 Jul;122(1):299-301. doi: 10.1007/s10549-010-0797-z. IF: 4.859.

46. Ottini L, Capalbo C, Rizzolo P, **Silvestri V**, Bronte G, Rizzo S, Russo A. HER2-positive male breast cancer: an update. *Breast Cancer (Dove Med Press).* 2010 Oct 4; 2:45-58. doi: 10.2147/BCTT.S6519.

**Data: 04/04/2022**

**FIRMATO**  
**Valentina Silvestri**