



ESPERIENZA LAVORATIVA

01/05/2017 – 30/10/2021

COLLABORATORE DI RICERCA – FONDAZIONE "CASA SOLLIEVO DELLA SOFFERENZA", SEZIONE MENDEL

Attività di ricerca svolta presso il Laboratorio di Genomica Clinica nell'ambito dei progetti di Ricerca Corrente del Ministero della Salute N. RC1701GC14 "Caratterizzazione delle basi molecolari di due condizioni Mendeliane rare ad interesse bucco-facciale: il geniospasma e l'agenesia isolata dei canini" e N. RC1903MX33 "Genetic, clinical and imaging study of corpus callosum abnormalities in prenatal and postnatal cases"

Roma, Italia

01/04/2016 – 31/03/2017

BORSISTA POST-DOTTORATO – FONDAZIONE TELETHON

Attività di ricerca nell'ambito del progetto Telethon Exploratory N. GEP15102 "Elucidating the genetic heterogeneity of Zimmermann-Laband syndrome" svolta presso il Dipartimento di Medicina Sperimentale e il Dipartimento di Biotecnologie Cellulari ed Ematologia, Sapienza Università di Roma.

Roma, Italia

01/09/2013 – 04/09/2014

STUDENTE DI DOTTORATO IN VISITA – DUKE UNIVERSITY

Attività di ricerca svolta presso il "Center for Human Disease Modeling", Department of Cell Biology, Duke University Medical Center.

Durham (NC)

01/11/2012 – 31/10/2015

BORSISTA DOTTORATO DI RICERCA – SAPIENZA UNIVERSITÀ DI ROMA

Attività di ricerca svolta presso il Dipartimento di Medicina Sperimentale, Sapienza Università di Roma, e l'Istituto Superiore di Sanità, Reparto di "Fisiopatologia delle Malattie Genetiche", Dipartimento di Ematologia, Oncologia e Medicina Molecolare.

Roma, Italia

ABILITAZIONI

Abilitazione all'esercizio della professione di Biologo Specialista

Prima sessione 2015. Titolo conseguito presso l'Università degli Studi di Roma "Tor Vergata".

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

03/07/2005 – Roma, Italia

MATURITÀ CLASSICA – Liceo Classico e Linguistico "Aristofane"

Livello 4 EQF

15/07/2009 – Roma, Italia

LAUREA TRIENNALE IN "BIOLOGIA UMANA" – Università degli Studi di Roma "Tor Vergata"

Titolo della Tesi: "Validazione dell'assegnazione ad un aplogruppo mediante marcatori STR"

Livello 6 EQF

22/05/2012 – Roma, Italia

LAUREA MAGISTRALE IN "BIOLOGIA ED EVOLUZIONE UMANA" – Università degli Studi di Roma "Tor Vergata"

Titolo della Tesi: "Identificazione delle cause molecolari della sindrome di Myhre"

Livello 7 EQF

03/03/2016 – Roma, Italia

DOTTORATO DI RICERCA IN "BIOLOGIA UMANA E GENETICA MEDICA" – Sapienza Università di Roma

Titolo della Tesi: "Characterization of molecular bases of Myhre syndrome"

Livello 8 EQF

01/12/2020 – ATTUALE

ISCRITTA AL CORSO DI SPECIALIZZAZIONE DI AREA SANITARIA AD ACCESSO RISERVATO AI NON MEDICI IN GENETICA MEDICA [SPEC - ORDIN. 2016], CODICE CORSO 29360, ANNO ACCADEMICO 2018-2019 (POSIZIONE SENZA BORSA) – Facoltà di FARMACIA E MEDICINA (Sapienza Università di Roma)

COMPETENZE LINGUISTICHE

Lingua madre: **ITALIANO**

Altre lingue:

	COMPRESIONE		ESPRESSIONE ORALE		SCRITTURA
	Ascolto	Lettura	Produzione orale	Interazione orale	
INGLESE	B2	B2	B2	B2	B2

Livelli: A1 e A2: Livello elementare B1 e B2: Livello intermedio C1 e C2: Livello avanzato

PUBBLICAZIONI

Sialylated human milk oligosaccharides program cognitive development through a non-genomic transmission mode

Hauser J, Pisa E, Arias Vásquez A, Tomasi F, **Traversa A**, Chiodi V, Martin FP, Sprenger N, Lukjancenko O, Zollinger A, Metairon S, Schneider N, Steiner P, Martire A, Caputo V, Macrì S.
Mol Psychiatry (2021) Epub ahead of print.
doi: 10.1038/s41380-021-01054-9.

GDF5 mutation case report and a systematic review of molecular and clinical spectrum: Expanding current knowledge on genotype-phenotype correlations.

Genovesi ML, Guadagnolo D, Marchionni E, Giovannetti A, **Traversa A**, Panzironi N, Bernardo S, Palumbo P, Petrizzelli F, Carella M, Mazza T, Pizzuti A, Caputo V.
Bone (2020):115803. Epub ahead of print.
doi: 10.1016/j.bone.2020.115803.

Heterozygous nonsense ARX mutation in a family highlights the complexity of clinical and molecular diagnosis in case of chromosomal and single gene disorder co-inheritance.

Traversa A, Marchionni E, Giovannetti A, Genovesi ML, Panzironi N, Margiotti K, Napoli G, Piceci Sparascio F, De Luca A, Petrizzelli F, Carella M, Cardona F, Bernardo S, Manganaro L, Mazza T, Pizzuti A, Caputo V.
Mol Genet Genomic Med. (2020) 8(8):e1336.
doi: 10.1002/mgg3.1336.

Genomic and physiological resilience in extreme environments are associated with a secure attachment style.

Caputo V, Pacilli MG, Arisi I, Mazza T, Brandi R, **Traversa A**, Casasanta G, Pisa E, Sonnessa M, Healey B, Moggio L, D'Onofrio M, Alleva E, Macrì S.
Transl Psychiatry (2020) 10(1):185.
doi:10.1038/s41398-020-00869-4.

Co-occurring WARS2 and CHRNA6 mutations in a child with a severe form of infantile parkinsonism.

Martinelli S, Cordeddu V, Galosi S, Lanzo A, Palma E, Pannone L, Ciolfi A, Di Nottia M, Rizza T, Bocchinfuso G, **Traversa A**, Caputo V, Farrotti A, Carducci C, Bernardini L, Cogo S, Paglione M, Venditti M, Bentivoglio A, Ng J, Kurian MA, Civiero L, Greggio E, Stella L, Trettel F, Sciacaluga M, Roseti C, Carrozzo R, Fucile S, Limatola C, Di Schiavi E, Tartaglia M, Leuzzi V.
Parkinsonism and Related Disorders. (2020) 72:75-79.
doi: 10.1016/j.parkreldis.2020.02.003

Prenatal whole exome sequencing detects a new homozygous fukutin (FKTN) mutation in a fetus with an ultrasound suspicion of familial Dandy-Walker malformation.

Traversa A, Bernardo S, Paiardini A, Giovannetti A, Marchionni E, Genovesi ML, Guadagnolo D, Torres B, Paolacci S, Bernardini L, Mazza T, Carella M, Caputo V, Pizzuti A.
Mol Genet Genomic Med. (2020) 8(1):e1054.
doi:10.1002/mgg3.1054.

Unusual Segregation of APP Mutations in Monogenic Alzheimer Disease.

Mastromoro G, Gambardella S, Marchionni E, Campopiano R, **Traversa A**, Di Bonaventura C, Pizzuti A.
Neurodegener Dis. (2019) 19(2):96-100.
doi: 10.1159/000502906.

Small 7p22.3 microdeletion: Case report of Snx8 haploinsufficiency and neurological findings.

Mastromoro G, Capalbo A, Guido CA, Torres B, Fabbretti M, **Traversa A**, Giancotti A, Ventriglia F, Bernardini L, Spalice A, Pizzuti A.
Eur J Med Genet. (2020) 63(4):103772.
doi: 10.1016/j.ejmg.2019.103772.

Biallelic SQSTM1 mutations in early-onset, variably progressive neurodegeneration.

Muto V, Flex E, Kupchinsky Z, Primiano G, Galehdari H, Dehghani M, Cecchetti S, Carpentieri G, Rizza T, Mazaheri N, Sedaghat A, Vahidi Mehrjardi MY, **Traversa A**, Di Nottia M, Kousi MM, Jamshidi Y, Ciolfi A, Caputo V, Malamiri RA, Pantaleoni F, Martinelli S, Jeffries AR, Zeighami J, Sherafat A, Di Giuda D, Shariati GR, Carrozzo R, Katsanis N, Maroofian R, Servidei S, Tartaglia M.
Neurology (2018) 91(4):e319-e330.
doi:10.1212/WNL.0000000000005869.

Whole exome sequencing in an Italian family with isolated maxillary canine agenesis and canine eruption anomalies.

Barbato E, **Traversa A**, Guarnieri R, Giovannetti A, Genovesi ML, Magliozzi MR, Paolacci S, Ciolfi A, Pizzi S, Di Giorgio R, Tartaglia M, Pizzuti A, Caputo V.
Arch Oral Biol. (2018) 91:96-102.
doi:10.1016/j.archoralbio.2018.04.011.

Mutations Impairing GSK3-Mediated MAF Phosphorylation Cause Cataract, Deafness, Intellectual Disability, Seizures, and a Down Syndrome-like Facies.

Niceta M, Stellacci E, Gripp KW, Zampino G, Kousi M, Anselmi M, **Traversa A**, Cioffi A, Stabley D, Bruselles A, Caputo V, Cecchetti S, Prudente S, Fiorenza MT, Boitani C, Philip N, Niyazov D, Leoni C, Nakane T, Keppler-Noreuil K, Braddock SR, Gillessen-Kaesbach G, Palleschi A, Campeau PM, Lee BH, Pouponnot C, Stella L, Bocchinfuso G, Katsanis N, Sol-Church K, Tartaglia M.
Am J Hum Genet (2015) 96(5):816-825.
doi:10.1016/j.ajhg.2015.03.001.

Novel SMAD4 mutation causing Myhre syndrome.

Caputo V, Bocchinfuso G, Castori M, **Traversa A**, Pizzuti A, Stella L, Grammatico P, Tartaglia M.
Am J Med Genet A (2014) 164A(7):1835-1840.
doi: 10.1002/ajmg.a.36544.

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali presenti nel CV ai sensi dell'art. 13 d. lgs. 30 giugno 2003 n. 196 - "Codice in materia di protezione dei dati personali" e dell'art. 13 GDPR 679/16 - "Regolamento europeo sulla protezione dei dati personali".

Roma, 31/10/2021