

INFORMAZIONI PERSONALI

Prisca Lo Surdo

OCCUPAZIONE DESIDERATA

Bioinformatica

ESPERIENZA
PROFESSIONALE

2020-2023

Consulente Scientifico e Bioinformatico/Sviluppatore

Fondazione Human Technopole — Milano, IT in convenzione con il dipartimento di Biologia dell'Università di Roma Tor Vergata — Roma, IT

- Sviluppo, migrazione ed evoluzione della versione 3.0 della risorsa web che consente accesso e manipolazione dei dati presenti nella banca dati SIGNOR.
- Sviluppo di una nuova interfaccia di curazione con integrazione di strumenti che consentono ai biocuratori di consultare statistiche e validazione dei dati
- Supporto e aggiornamento dell'interfaccia della banca dati MINT
- Supporto nello sviluppo della SIGNOR Cytoscape App

2016-2020

Borsista

Borsista presso la Bioinformatics and Computational Biology Unit del Prof. Cesareni (Laboratorio di Genetica, SSD BIO/18)

- Sviluppo della risorsa e banca dati SIGNOR 2.0
- Integrazione del formato causalTab nella banca dati SIGNOR 2.0
- Sviluppo di risorse Bioinformatiche orientate alla rappresentazione dei meccanismi molecolari alla base delle malattie genetiche:
 - Sviluppo della risorsa DISNOR
 - Sviluppo della risorsa CancerGeneNet
 - Sviluppo dell'interfaccia per la consultazione dei dati relativi alla COVID-19 disease map (COVID-19 Disease Map Project)

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

2013-2016

Laurea Magistrale in Bioinformatica

110 e lode/110

Università di Roma Tor Vergata

Via della Ricerca Scientifica, 1, 00133 Roma RM, Italy

2009-2013

Laurea Triennale in Biotecnologie

100/110

Università di Roma Tor Vergata

Via della Ricerca Scientifica, 1, 00133 Roma RM, Italy

COMPETENZE PERSONALI

Lingua madre

Italiano

Altre lingue

Inglese

| COMPRESIONE | | PARLATO | | PRODUZIONE SCRITTA |
|-----------------|-----------------|-----------------|------------------|--------------------|
| Ascolto | Lettura | Interazione | Produzione orale | |
| Utente Avanzato | Utente Avanzato | Utente Avanzato | Utente Avanzato | Utente Avanzato |

Competenze comunicative

- possiedo buone competenze comunicative acquisite nell'ambito di numerose collaborazioni con membri di altri istituti scientifici volte a sviluppare tool di condivisione o elaborazione dati

Competenze digitali

AUTOVALUTAZIONE

| Elaborazione delle informazioni | Comunicazione | Creazione di Contenuti | Sicurezza | Risoluzione di problemi |
|---------------------------------|-----------------|------------------------|-----------------|-------------------------|
| Utente Avanzato | Utente Avanzato | Utente Avanzato | Utente Avanzato | Utente Avanzato |

- buona padronanza degli strumenti LAMP, acquisita nello sviluppo della banca dati e risorsa web di SIGNOR, oltre alla configurazione del nuovo server dove ho provveduto a fare la migrazione della risorsa stessa
- buona padronanza della suite Microsoft Office acquisita nella preparazione di presentazioni in PowerPoint per condividere progressi con il resto del team, gestione ed analisi di dati (Excel) da inserire nella banca dati e scrittura di articoli scientifici (Word)

Patente di guida

B

ULTERIORI INFORMAZIONI

Pubblicazioni

- 1: Iannuccelli M, Vitriolo A, Licata L, Lo Surdo P, Contino S, Cheroni C, Capocefalo D, Castagnoli L, Testa G, Cesareni G, Perfetto L. Curation of causal interactions mediated by genes associated with autism accelerates the understanding of gene-phenotype relationships underlying neurodevelopmental disorders. *Mol Psychiatry*. 2023 Dec 15. doi: 10.1038/s41380-023-02317-3. Epub ahead of print. PMID: 38102483.
- 2: Lo Surdo P, Iannuccelli M, Contino S, Castagnoli L, Licata L, Cesareni G, Perfetto L. SIGNOR 3.0, the SIGNaling network open resource 3.0: 2022 update. *Nucleic Acids Res*. 2023 Jan 6;51(D1):D631-D637. doi: 10.1093/nar/gkac883. PMID: 36243968; PMCID: PMC9825604.
- 3: Iannuccelli M, Lo Surdo P, Licata L, Castagnoli L, Cesareni G, Perfetto L. A Resource to Infer Molecular Paths Linking Cancer Mutations to Perturbation of Cell Metabolism. *Front Mol Biosci*. 2022 May 18;9:893256. doi: 10.3389/fmolb.2022.893256. PMID: 35664677; PMCID: PMC9158333.
- 4: De Marinis I, Lo Surdo P, Cesareni G, Perfetto L. SIGNORApp: a Cytoscape 3 application to access SIGNOR data. *Bioinformatics*. 2022 Mar 4;38(6):1764-1766. doi: 10.1093/bioinformatics/btab865. PMID: 34954787.
- 5: Leeming MG, O'Callaghan S, Licata L, Iannuccelli M, Lo Surdo P, Micarelli E, Ang CS, Nie S, Varshney S, Ameen S, Cheng HC, Williamson NA. Phosphomatics: interactive interrogation of substrate-kinase networks in global phosphoproteomics datasets. *Bioinformatics*. 2021 Jul 12;37(11):1635-1636. doi: 10.1093/bioinformatics/btaa916. PMID: 33119075.
- 6: Perfetto L, Micarelli E, Iannuccelli M, Lo Surdo P, Giuliani G, Latini S, Pugliese GM, Massacci G, Vumbaca S, Riccio F, Fuoco C, Paoluzi S, Castagnoli L, Cesareni G, Licata L, Sacco F. A Resource for the Network Representation of Cell Perturbations Caused by SARS-CoV-2 Infection. *Genes (Basel)*. 2021 Mar 22;12(3):450. doi: 10.3390/genes12030450. PMID: 33809949; PMCID: PMC8004236.
- 7: Licata L, Lo Surdo P, Iannuccelli M, Palma A, Micarelli E, Perfetto L, Peluso D, Calderone A, Castagnoli L, Cesareni G. SIGNOR 2.0, the SIGNaling Network Open Resource 2.0: 2019 update. *Nucleic Acids Res*. 2020 Jan 8;48(D1):D504-D510. doi: 10.1093/nar/gkz949. PMID: 31665520; PMCID: PMC7145695.
- 8: Iannuccelli M, Micarelli E, Surdo PL, Palma A, Perfetto L, Rozzo I, Castagnoli L, Licata L, Cesareni G. CancerGeneNet: linking driver genes to cancer hallmarks. *Nucleic Acids Res*. 2020 Jan 8;48(D1):D416-D421. doi: 10.1093/nar/gkz871. PMID: 31598703; PMCID: PMC6943052.
- 9: Perfetto L, Acencio ML, Bradley G, Cesareni G, Del Toro N, Fazekas D, Hermjakob H, Korcsmaros T, Kuiper M, Lægreid A, Lo Surdo P, Lovering RC, Orchard S, Porras P, Thomas PD, Touré V, Zobolas J, Licata L. CausalTAB: the PSI-MITAB 2.8 updated format for signalling data representation and dissemination. *Bioinformatics*. 2019 Oct 1;35(19):3779-3785. doi: 10.1093/bioinformatics/btz132. PMID: 30793173; PMCID: PMC6896241
- 10: Lo Surdo P, Calderone A, Iannuccelli M, Licata L, Peluso D, Castagnoli L, Cesareni G, Perfetto L. DISNOR: a disease network open resource. *Nucleic Acids Res*. 2018 Jan 4;46(D1):D527-D534. doi: 10.1093/nar/gkx876. PMID: 29036667; PMCID: PMC5753342.
- 11: Lo Surdo P, Calderone A, Cesareni G, Perfetto L. SIGNOR: A Database of Causal Relationships Between Biological Entities-A Short Guide to Searching and Browsing. *Curr Protoc Bioinformatics*. 2017 Jun 27;58:8.23.1-8.23.16. doi: 10.1002/cpbi.28. PMID: 28654729.

Dati personali

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali ai sensi del Decreto Legislativo 30 giugno 2003, n. 196 "Codice in materia di protezione dei dati personali".

La sottoscritta dichiara di essere consapevole che il presente *curriculum vitae* sarà pubblicato sul sito istituzionale dell'Ateneo, nella Sezione "Amministrazione trasparente", nelle modalità e per la durata prevista dal d.lgs. n. 33/2013, art. 15.

Data

f.to

15/04/2024

Il presente *curriculum vitae*, è redatto ai fini della pubblicazione nella Sezione "Amministrazione trasparente" del sito web istituzionale dell'Ateneo al fine di garantire il rispetto della vigente normativa in materia di tutela dei dati. Il C.V. in versione integrale è conservato presso gli Uffici della Struttura che ha conferito l'incarico.