

## INFORMAZIONI PERSONALI

## Pallocca Matteo

✉ [matteo.pallocca@gmail.com](mailto:matteo.pallocca@gmail.com)

Sesso Maschile | Nazionalità Italiana

ESPERIENZA  
PROFESSIONALE

2006–2017

**Consulente nel campo dello sviluppo web e software**

Dexma s.r.l., Velletri

Design (HTML, CSS), scripting (linguaggi: PHP, PERL, Javascript & JQuery) su piattaforma Unix, gestione database MySQL.

Sviluppo di applicazioni stand-alone in ambito C++ / Borland con tecnologie di stampa FastReport e Database Microsoft SQL Server.

06/2005–07/2005

**Tirocinante**

Istituto Nazionale di Fisica Nucleare, Frascati (RM)

Esperienze di laboratorio per rilevazione di raggi cosmici (basi di elettronica, analisi e trattamento dei dati sotto sistema Unix).

Attività o settore Ricerca

20/02/2009–05/06/2013

**Docente**

Regione Lazio e Ministero dell'Istruzione, dell'Università e della Ricerca

Insegnamento di programmazione WEB nel corso dei progetti SPAL erogati dalla Regione Lazio presso l' Istituto Tecnico Cesare Battisti di Velletri e la System Service Scarl di Albano Laziale.

Insegnamento di fondamenti di informatica per il Ministero dell' Istruzione nell'ambito dei progetti del Centro Territoriale Permanente di Albano Laziale.

Attività o settore Formazione

09/2009–02/2010

**Tirocinante**

Istituto Scienze e Tecnologie della Cognizione (CNR) e Università Sapienza di Roma, Roma

Esperimenti di robotica evolutiva in collaborazione con il prof. Stefano Nolfi (ISTC-CNR) ed il prof. Andrea Sterbini (Università Sapienza di Roma)

Attività o settore Ricerca

11/2011–07/2012

**Internship bioinformatico - parzialmente completato**

Cuppen Group, Hubrecht Institute, Utrecht, Olanda

Annotazione del possibile effetto funzionale di varianti genetiche su dati genomici derivanti da modelli di Ratto BN o SHR (spontaneamente ipertensivo).

supervisore: Dr. Victor Guryev

10/2012–12/2013

**Assegnista di ricerca bioinformatico**

Università Sapienza di Roma

Assegnista di ricerca

Sviluppo software per studi di epigenetica nell'ambito del progetto EPIGEN

Collaborazione con il centro di supercalcolo italiano CASPUR-CINECA per sviluppo pipeline di analisi

dati Next Generation Sequencing.

01/01/2014–alla data attuale

**Ricercatore**

Istituto Nazionale Tumori Regina Elena, Roma

- Analisi dati Next-Generation Sequencing (ChIP-seq, RNA-seq, ATAC-seq, Exome-Seq) e NanoString
- Sperimentazione e validazione dati Targeted Sequencing (Illumina & Thermo Fisher)
- Supporto alla Ricerca

10/10/2018–alla data attuale

**Docente universitario**

Università Sapienza di Roma, Roma (Italia)

Professore a Contratto del corso "Bioinformatics 2" presso il corso di laurea interfacoltà "Bioinformatics" gestito dalla facoltà di Farmacia e Medicina.

**ISTRUZIONE E FORMAZIONE**

2001–2006

**Diploma di scuola media superiore (maturità scientifica) (100/100)**

Liceo scientifico Ascanio Landi, Velletri

2006–2010

**Laurea triennale in Informatica**

Università Sapienza di Roma, Roma

Titolo tesi: "Evoluzione di robot stigmergici in evorobot"

cosa può fare una formica con pochissimi neuroni?" (Relatore: Prof. Andrea Sterbini)

2010–2013

**Laurea magistrale in Informatica**

Università Sapienza di Roma

Titolo tesi

Sviluppo di un framework per l'automatizzazione e la compressione di dati Next Generation Sequencing

(Relatore: Prof. Tiziana Castrignanò)

Voto finale: 110/110 cum laude

**COMPETENZE PERSONALI**

Lingua madre

italiano

Lingue straniere

	COMPRESIONE		PARLATO		PRODUZIONE SCRITTA
	Ascolto	Lettura	Interazione	Produzione orale	
inglese	C1	C2	C1	C1	C1
Cambridge English CB FCE level C1					
francese	A1	A1	A2	A1	A1
Spagnolo	A1	A1	A1	A1	A1

Livelli: A1 e A2: Utente base - B1 e B2: Utente autonomo - C1 e C2: Utente avanzato  
 Quadro Comune Europeo di Riferimento delle Lingue

Competenze digitali

Ottima conoscenza ambiente Windows

Ottima conoscenza ambiente Unix

Ottima conoscenza ambiente iOS

Linguaggi conosciuti:

Basso Livello: C, C++

Scripting e Data Science: R, Python, Matlab

Web: PHP, HTML+CSS,

Altri: Matlab, Lisp

Database: Access, MySQL

Web Server: Apache

Esperienza di sviluppo applicazioni per cluster HPC (High-Performance Computing). Particolare esperienza in analisi statistica automatizzata tramite il sistema R.

#### Altre competenze

Musicista autodidatta (chitarra, canto).

Disegnatore autodidatta.

3 anni di esperienza teatrale in un laboratorio scolastico

#### Patente di guida

B

### ULTERIORI INFORMAZIONI

---

#### Bibliometrica

Metriche Scopus aggiornate a Ottobre 2018:

27 pubblicazioni

9 H-Index

250 citazioni totali

#### Pubblicazioni

**Pallocca M\***, Angeli D\*, et. al

*Combinations of immuno-checkpoint inhibitors predictive biomarkers only marginally improve their individual accuracy.*

Journal of Translational Medicine 2019

Angeli D, Fanciulli M, **Pallocca M\***

*Reverse Engineering Cancer: Inferring Transcriptional Gene Signatures from Copy Number Aberrations with ICARo.*

Cancers 2019

**Pallocca M\***, Goeman F\*, (...), Maugeri-Saccà, M.

*Coexisting YAP expression and TP53 missense mutations delineates a molecular scenario unexpectedly associated with better survival outcomes in advanced gastric cancer.*

Journal of Translational Medicine 2018

De Nicola, F., Goeman, F., **Pallocca, M.**, (...), Fanciulli, M., Maugeri-Saccà, M.

*Deep sequencing and pathway-focused analysis revealed multigene oncogene signatures predicting survival outcomes in advanced colorectal cancer*

Oncogenesis 2018

Manic G, Signore M, Sistigu A, Russo G, Corradi F, Siteni S, Musella M, Vitale S, De Angelis ML, **Pallocca M**, Amoreo CA, Sperati F, Di Franco S, Barresi S, Policicchio E, De Luca G, De Nicola F, Mottolese M, Zeuner A, Fanciulli M, Stassi G, Maugeri-Saccà M, Baiocchi M, Tartaglia M, Vitale I, De Maria R.

*CHK1-targeted therapy to deplete DNA replication-stressed, p53-deficient, hyperdiploid colorectal cancer stem cells.*

Gut 2018

Auricchio, L. \*, **Pallocca, M.\***, Ciliberto, G., Palombo, F.

*The perfect personalized cancer therapy: Cancer vaccines against neoantigens*  
*Journal of Experimental and Clinical Cancer Research* 2018

Buglioni, S., Melucci, E., Sperati, F., (...), **Pallocca M**, (...) Ciliberto, G., Maugeri-Saccà, M.  
The clinical significance of PD-L1 in advanced gastric cancer is dependent on ARID1A mutations and ATM expression  
*Oncoimmunology* 2018

Folgiero, V., Sorino, C., **Pallocca, M.**, (...), Locatelli, F., Fanciulli, M.  
Che-1 is targeted by c-Myc to sustain proliferation in pre-B-cell acute lymphoblastic leukemia  
*EMBO Reports* 2018

Melucci, E., Casini, B., Ronchetti, L., (...), **Pallocca M**, (...) Buglioni, S., Maugeri-Saccà, M.  
Expression of the Hippo transducer TAZ in association with WNT pathway mutations impacts survival outcomes in advanced gastric cancer patients treated with first-line chemotherapy  
*Journal of Translational Medicine* 2018

Agostino, S.D., Valenti, F., Sacconi, A., (...), **Pallocca M** (...) Strano, S., Blandino, G.  
Long non-coding MIR205HG depletes Hsa-miR-590-3p leading to unrestrained proliferation in head and neck squamous cell carcinoma  
*Theranostics*, 2018

Sette, G., Salvati, V., Giordani, I., (...), **Pallocca M** (...) De Maria, R., Eramo, A.  
Conditionally reprogrammed cells (CRC) methodology does not allow the in vitro expansion of patient-derived primary and metastatic lung cancer cells  
*International Journal of Cancer*, 2018

Trisciuglio, D., Tupone, M.G., Desideri, M., (...), **Pallocca M**, (...) D'aguanno, S., Del Bufalo, D.  
BCL-XL overexpression promotes tumor progression-associated properties article.  
*Cell Death and Disease* 2017

Ronchetti L, Melucci E, De Nicola F, Goeman F, Casini B, Sperati F, **Pallocca M**, Terrenato I, Pizzuti L, Vici P, Sergi D, Di Lauro L, Amoreo CA, Gallo E, Diodoro MG, Pescarmona E, Vitale I, Barba M, Buglioni S, Mottolese M, Fanciulli M, De Maria R, Maugeri-Saccà M.  
DNA damage repair and survival outcomes in advanced gastric cancer patients treated with first-line chemotherapy.  
*Int J Cancer*. 2017

Bruno T, Valerio M, Casadei L, De Nicola F, Goeman F, **Pallocca M**, Catena V, Iezzi S, Sorino C, Desantis A, Manetti C, Blandino G, Floridi A, Fanciulli M.  
Che-1 sustains hypoxic response of colorectal cancer cells by affecting Hif-1 $\alpha$  stabilization.  
*J Exp Clin Cancer Res*. 2017

Catena V, Bruno T, De Nicola F, Goeman F, **Pallocca M**, Iezzi S, Sorino C, Cigliana G, Floridi A, Blandino G, Fanciulli M.  
Deptor transcriptionally regulates endoplasmic reticulum homeostasis in multiple myeloma cells.  
*Oncotarget*. 2016

Mori F, Ferraiuolo M, Santoro R, Sacconi A, Goeman F, **Pallocca M**, Pulito C, Korita E, Fanciulli M, Muti P, Blandino G, Strano S.  
Multitargeting activity of miR-24 inhibits long-term melatonin anticancer effects.  
*Oncotarget*. 2016

Agata Desantis, Tiziana Bruno, Valeria Catena, Francesca De Nicola, Frauke Goeman, Simona Iezzi, Maria Pia Gentileschi, Sabrina Germoni, Valentina Monteleone, Marsha Pellegrino, Martin Kann, Paolo D'onorio De Meo, **Matteo Pallocca**, Katja Hopker, Fabiola Moretti, Elisabetta Mattei, Christian H Reinhart, Aristide Floridi, Claudio Passananti, Thomas Benzig, Giovanni Blandino, Maurizio Fanciulli  
Che-1 modulates the decision between cell cycle arrest and apoptosis by its binding to p53.  
*Cell Death Dis*. 2015

D'Antonio M, Castrignanò T, **Pallocca M**, D'Erchia AM, Picardi E, Pesole G.  
ASPicDB: a database web tool for alternative splicing analysis.  
*Methods Mol Biol.* 2015

D'Antonio M., D'Onorio De Meo P., **Pallocca M.**, Picardi E., D'Erchia AM., Calogero R., Castrignanò T., Pesole G.  
RAP: RNA-Seq Analysis Pipeline, a new cloud-based NGS web application.  
*BMC Genomics.* 2015

D'Antonio M., D'Onorio De Meo P., **Pallocca M.**, Erbacci G., Castrignanò T., Pesole G.  
ODESSA: a High Performance analysis pipeline for ultra Deep targeted Exome Sequencing data.  
*IEEE HPCS 2014 special issue*

Goeman F, De Nicola F, Meo PD, **Pallocca M**, Elmi B, Castrignanò T, Pesole G, Strano S, Blandino G, Fanciulli M, Muti P.  
VDR primary targets by genome-wide transcriptional profiling.  
*J Steroid Biochem Mol Biol.* 2014 Apr

D'Antonio M., D'Onorio De Meo P., Paoletti D., Elmi B., **Pallocca M.**, Sanna N., Picardi, E., Pesole G., Castrignanò T.  
WEP: an high-performance analysis pipeline for whole-exome data.  
*BMC Bioinformatics* 2013

**Abstract** Angeli A, Tebaldi M, De Summa S, Casini B, Goeman F, De Nicola F, Quintarelli C, Fanciulli M, **Pallocca M**  
A price-per-base comparison for hospital-based tumor targeted DNA Sequencing  
Poster for BITS 2018, Turin

**Pallocca M\***, **Goeman\* F**, (...), Maurizio Fanciulli, Michele Milella  
Dissecting the germline background of Pancreatic Cancer: preliminary results of NGS screening for hereditary variants in DNA Damage Repair genes  
Selected Oral Presentation Congresso SIC-AISP 2018, Rome

**Pallocca M**, Fanciulli M  
Cancer CRISPr-like reverse-engineering: mining gene signatures from copy number aberrations with ICARo  
Poster for BITS 2017, Cagliari

**Pallocca M.**, Goeman F., Melucci E., De Nicola F., Fanciulli M., Mottolese M.  
Next-generation sequencing techniques in colorectal and non small cell lung cancer mutation profiling for targeted therapy: diagnostic value of a small 6 gene panel.  
*Pathologica*, 2015 SIAPEC issue

**Pallocca M**, Elmi B, (...), Castrignanò T, Pesole G  
CANDLE: Compression Analysis for NGS Data Loss Evaluation  
Selected Oral presentation 2012 NGS Workshop, Bari

**Altri interessi** Musica (chitarra acustica), Insegnamento e formazione, Scienza, Viaggio, Cinema d'animazione.

**Interessi di Ricerca** Bioinformatica: analisi dati NextGeneration Sequencing. Analisi e discovery varianti strutturali, annotazione e analisi dati Whole-Exome, targeted sequencing, ChIP-seq, RNA-seq, microRNA, ATAC-seq, DNase-seq.  
Integrazione multi-omica per ricerca di biomarcatori.  
Analisi dati NanoString (RNA e miRNA).  
Analisi statistica di dati di genomica e trascrittomiche massiva su database pubblici (NGS e Microarray).  
Esperienza nella compressione lossy e lossless di dati NGS.

Apprendimento Automatico (Machine Learning), Data Mining, Elaborazione del Linguaggio Naturale (NLP) .

Partecipazione a seminari e congressi

06/2018 - BITS 2018, Docker and Reproducible Bioinformatics Workshop, Turin  
09/2017 - Elixir Course, Machine Learning for Biology, Trento  
06/2018 - SIBBM 2018, Rome  
07/2017 - BITS 2017 and Modeling Transcription workshop, Cagliari  
06/2016 - SOP and CTC phase 1 seminars, Istituto Regina Elena, Rome  
05/2016 - Data On The Beach Workshop, EPIGEN young bioinformaticians workshop, Rimini  
12/2015 - EPIGEN ncRNA workshop @ Hotel Mediterraneo  
09/2015 - SIAPEC, Congresso Annuale della Società Italiana di Anatomia Patologica, Milan  
04/2015 - From BigData to Bedside, Symposium on translational bioinformatics in cancer research, Gent (Belgio)  
12/2014 - EPIGENomics and Health Care Policy: Challenges and Opportunities, Milan  
09/2014 - EPIGEN & BLUEPRINT joint symposium: Exploring the Epigenome in Health and Disease, Roma  
12/2012 - Next Generation Sequencing & Epigenetics Workshop, Bari  
10/2012 - Giulio Pavesi - ChIP-Seq Workshop "Hands on", Roma

Riconoscimenti e premi

Giugno 2018 - Premio "Chiara D'Onofrio Giovani" come miglior presentazione Orale under 35, SIBBM 2018

Ottobre 2018 - Premio Migliore Presentazione Orale Breve Società Italiana Studio del Pancreas (SIC-AISP 2018), sessione speciale congresso SIC 2018

Trattamento dei dati personali, informativa e consenso

Il D.Lgs. 30.6.2003, n. 196 *"Codice in materia di protezione dei dati personali"* regola il trattamento dei dati personali, con particolare riferimento alla riservatezza, all'identità personale e al diritto di protezione dei dati personali; l'interessato deve essere previamente informato del trattamento.

La norma in considerazione intende come "trattamento" qualunque operazione o complesso di operazioni concernenti la raccolta, la registrazione, l'organizzazione, la conservazione, la consultazione, l'elaborazione, la modificazione, la selezione, l'estrazione, il raffronto, l'utilizzo, l'interconnessione, il blocco, la comunicazione, la diffusione, la cancellazione e la distruzione di dati, anche se non registrati in una banca dati.

In relazione a quanto riportato autorizzo il trattamento dei dati contenuti nel presente *curriculum vitae*, nel mio interesse, unicamente per la eventuale partecipazione a gare di appalti, licitazioni private, ecc. di servizi tecnici, di cui dovrò comunque essere informato, autorizzando quindi il soggetto titolare del trattamento ad altresì comunicarmi offerte ed opportunità di lavoro.






Sono consapevole che mi competono i diritti previsti all'art. 7 del citato D.Lgs n. 196/2003.

## Pallocca Matteo

Lingua madre  
italiano

Lingue straniere  
inglese, francese, Spagnolo

inglese				
Autovalutazione delle competenze linguistiche				
COMPRESIONE		PARLATO		SCRITTO
 Ascolto	 Lettura	 Interazione	 Produzione orale	 Scritto
<b>C1</b> Utente avanzato	<b>C2</b> Utente avanzato	<b>C1</b> Utente avanzato	<b>C1</b> Utente avanzato	<b>C1</b> Utente avanzato
Certificati e diploma				
Titolo	Ente erogatore		Data	Livello*
Cambridge English CB FCE level C1	-		-	C1






francese				
Autovalutazione delle competenze linguistiche				
COMPRESIONE		PARLATO		SCRITTO
 Ascolto	 Lettura	 Interazione	 Produzione orale	 Scritto
<b>A1</b> Utente base	<b>A1</b> Utente base	<b>A2</b> Utente base	<b>A1</b> Utente base	<b>A1</b> Utente base

Spagnolo		
Autovalutazione delle competenze linguistiche		
COMPRESIONE	PARLATO	SCRITTO

 Ascolto	 Lettura	 Interazione	 Produzione orale	 Scritto
A1 Utente base	A1 Utente base	A1 Utente base	A1 Utente base	A1 Utente base



## Quadro europeo comune di riferimento per le lingue - Scheda per l'autovalutazione

		A1 Utente base	A2 Utente base	B1 Utente autonomo	B2 Utente autonomo	C1 Utente avanzato	C2 Utente avanzato
Comprensione	 Ascolto	Riesco a riconoscere parole che mi sono familiari ed espressioni molto semplici riferite a me stesso, alla mia famiglia e al mio ambiente, purché le persone parlino lentamente e chiaramente.	Riesco a capire espressioni e parole di uso molto frequente relative a ciò che mi riguarda direttamente (per esempio informazioni di base sulla mia persona e sulla mia famiglia, gli acquisti, l'ambiente circostante e il lavoro). Riesco ad afferrare l'essenziale di messaggi e annunci brevi, semplici e chiari.	Riesco a capire gli elementi principali in un discorso chiaro in lingua standard su argomenti familiari, che affronto frequentemente al lavoro, a scuola, nel tempo libero ecc. Riesco a capire l'essenziale di molte trasmissioni radiofoniche e televisive su argomenti di attualità o temi di mio interesse personale o professionale, purché il discorso sia relativamente lento e chiaro.	Riesco a capire discorsi di una certa lunghezza e conferenze e a seguire argomentazioni anche complesse purché il tema mi sia relativamente familiare. Riesco a capire la maggior parte dei notiziari e delle trasmissioni TV che riguardano fatti d'attualità e la maggior parte dei film in lingua standard.	Riesco a capire un discorso lungo anche se non è chiaramente strutturato e le relazioni non vengono segnalate, ma rimangono implicite. Riesco a capire senza troppo sforzo le trasmissioni televisive e i film.	Non ho nessuna difficoltà a capire qualsiasi lingua parlata, sia dal vivo sia trasmessa, anche se il discorso è tenuto in modo veloce da un madrelingua, purché abbia il tempo di abituarci all'accento.
	 Lettura	Riesco a capire i nomi e le persone che mi sono familiari e frasi molto semplici, per esempio quelle di annunci, cartelloni, cataloghi.	Riesco a leggere testi molto brevi e semplici e a trovare informazioni specifiche e prevedibili in materiale di uso quotidiano, quali pubblicità, programmi, menù e orari. Riesco a capire lettere personali semplici e brevi.	Riesco a capire testi scritti di uso corrente legati alla sfera quotidiana o al lavoro. Riesco a capire la descrizione di avvenimenti, di sentimenti e di desideri contenuta in lettere personali.	Riesco a leggere articoli e relazioni su questioni d'attualità in cui l'autore prende posizione ed esprime un punto di vista determinato. Riesco a comprendere un testo narrativo contemporaneo.	Riesco a leggere articoli e relazioni su questioni d'attualità in cui l'autore prende posizione ed esprime un punto di vista determinato. Riesco a comprendere un testo narrativo contemporaneo.	Riesco a capire testi letterari e informativi lunghi e complessi e so apprezzare le differenze di stile. Riesco a capire articoli specialistici e istruzioni tecniche piuttosto lunghe, anche quando non appartengono al mio settore.
Parlato	 Interazione]	Riesco a interagire in modo semplice se l'interlocutore è disposto a ripetere o a riformulare più lentamente certe cose e mi aiuta a formulare ciò che cerco di dire. Riesco a porre e a rispondere a domande semplici su argomenti molto familiari o che riguardano bisogni immediati.	Riesco a comunicare affrontando compiti semplici e di routine che richiedano solo uno scambio semplice e diretto di informazioni su argomenti e attività consuete. Riesco a partecipare a brevi conversazioni, anche se di solito non capisco abbastanza per riuscire a sostenere la conversazione.	Riesco ad affrontare molte delle situazioni che si possono presentare viaggiando in una zona dove si parla la lingua. Riesco a partecipare, senza essermi preparato, a conversazioni su argomenti familiari, di interesse personale o riguardanti la vita quotidiana (per esempio la famiglia, gli hobby, il lavoro, i viaggi e i fatti di attualità).	Riesco a comunicare con un grado di spontaneità e scioltezza sufficiente per interagire in modo normale con parlanti nativi. Riesco a partecipare attivamente a una discussione in contesti familiari, esponendo e sostenendo le mie opinioni.	Riesco ad esprimermi in modo sciolto e spontaneo senza dover cercare troppo le parole. Riesco ad usare la lingua in modo flessibile ed efficace nelle relazioni sociali e professionali. Riesco a formulare idee e opinioni in modo preciso e a collegare abilmente i miei interventi con quelli di altri interlocutori.	Riesco a partecipare senza sforzi a qualsiasi conversazione e discussione ed ho familiarità con le espressioni idiomatiche e colloquiali. Riesco ad esprimermi con scioltezza e a rendere con precisione sottili sfumature di significato. In caso di difficoltà, riesco a ritornare sul discorso e a riformularlo in modo così scorrevole che difficilmente qualcuno se ne accorge.
	 Produzione orale	Riesco a usare espressioni e frasi semplici per descrivere il luogo dove abito e la gente che conosco.	Riesco ad usare una serie di espressioni e frasi per descrivere con parole semplici la mia famiglia ed altre persone, le mie condizioni di vita, la carriera scolastica e il mio lavoro attuale o il più recente.	Riesco a descrivere, collegando semplici espressioni, esperienze ed avvenimenti, i miei sogni, le mie speranze e le mie ambizioni. Riesco a motivare e spiegare brevemente opinioni e progetti. Riesco a narrare una storia e la trama di un libro o di un film e a descrivere le mie impressioni.	Riesco a esprimermi in modo chiaro e articolato su una vasta gamma di argomenti che mi interessano. Riesco a esprimere un'opinione su un argomento d'attualità, indicando vantaggi e svantaggi delle diverse opzioni.	Riesco a presentare descrizioni chiare e articolate su argomenti complessi, integrandovi temi secondari, sviluppando punti specifici e concludendo il tutto in modo appropriato.	Riesco a presentare descrizioni o argomentazioni chiare e scorrevoli, in uno stile adeguato al contesto e con una struttura logica efficace, che possa aiutare il destinatario a identificare i punti salienti da rammentare.
Scritto	 Scritto	Riesco a scrivere una breve e semplice cartolina, ad esempio per mandare i saluti delle vacanze. Riesco a compilare moduli con dati personali scrivendo per esempio il mio nome, la nazionalità e l'indirizzo sulla scheda di registrazione di un albergo.	Riesco a prendere semplici appunti e a scrivere brevi messaggi su argomenti riguardanti bisogni immediati. Riesco a scrivere una lettera personale molto semplice, per esempio per ringraziare qualcuno.	Riesco a scrivere testi semplici e coerenti su argomenti a me noti o di mio interesse. Riesco a scrivere lettere personali esponendo esperienze e impressioni.	Riesco a scrivere testi chiari e articolati su un'ampia gamma di argomenti che mi interessano. Riesco a scrivere saggi e relazioni, fornendo informazioni e ragioni a favore o contro una determinata opinione. Riesco a scrivere lettere mettendo in evidenza il significato che attribuisco personalmente agli avvenimenti e alle esperienze.	Riesco a scrivere testi chiari e ben strutturati sviluppando analiticamente il mio punto di vista. Riesco a scrivere lettere, saggi e relazioni esponendo argomenti complessi, evidenziando i punti che ritengo salienti. Riesco a scegliere lo stile adatto ai lettori ai quali intendo rivolgermi.	Riesco a scrivere testi chiari, scorrevoli e stilisticamente appropriati. Riesco a scrivere lettere, relazioni e articoli complessi, supportando il contenuto con una struttura logica efficace che aiuti il destinatario a identificare i punti salienti da rammentare. Riesco a scrivere riassunti e recensioni di opere letterarie e di testi specialistici.

Quadro europeo comune di riferimento per le lingue: © Consiglio d'Europa