

INFORMAZIONI PERSONALI

Sara Ravagni

OCCUPAZIONE PER LA QUALE
SI CONCORRE**Assegno di ricerca dal titolo “Approccio genomico comparativo per lo studio della ibridazione introgressiva tra lupo e cane”**ESPERIENZA
PROFESSIONALE

06/2024-05/2025

Ricercatrice post-dottorato

Dipartimento di Biologia e Biotecnologie “Charles Darwin”, Sapienza, Università di Roma (Italia)

- Assegno di ricerca dal titolo “Approccio genomico comparativo per lo studio della ibridazione introgressiva tra lupo e cane”

Attività o settore: Istituto di ricerca scientifica

09/2018 – 05/2023

Ricercatrice predottorale

Conservation and Evolutionary Genetics Group, EBD (Stazione Biologica di Doñana), Siviglia (Spagna)

- Realizzazione della tesi dottorale “Chromosomal inversions and common quail diversification in Macaronesian archipelagos and the mainland”

Attività o settore: Istituto di ricerca scientifica

01/2018 – 08/2018

Tecnico di laboratorio

Dipartimento di Microbiologia, CABD (Centro Andaluz de Biología del Desarrollo), Siviglia (Spagna)

- Tecnico di laboratorio

Attività o settore: Istituto di ricerca scientifica

06/2013 – 06/2014

Borsa di studio di collaborazione

Island Ecology and Evolution Group, IPNA (Instituto de Productos Naturales y Agrobiología), La Laguna, Tenerife

- Collaborazione nel progetto “Island-Biodiv” (<http://island-biodiv.org/>)

Attività o settore: Istituto di ricerca scientifica

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

2018 – 2023

Doctora en Biología Integrada (Dottore di ricerca in Biología Integrata)

Universidad de Sevilla e Stazione Biologica di Doñana (Siviglia, Spagna)

- Titolo della tesi: “Chromosomal inversions and common quail diversification in Macaronesian archipelagos and the mainland”

8

- 2016 – 2017 **Master en Biodiversidad y Biología de la Conservación (Master in Biodiversità e Biología della Conservazione)** 8
 Universidad Pablo de Olavide (Siviglia, Spagna)
 ▪ Titolo della tesi: “ Biased assessment of ancestry in admixed populations using STRUCTURE”
- 2009 - 2014 **Licenciatura en Biología, orientación Biología Animal (Laurea in Biología, orientazione Biología Animale)** 7
 Universidad de La Laguna (Tenerife, Spagna), Facultad de Biología
 ▪ Zoologia, genetica, microbiologia, biologia marina, biochimica, botanica, citologia, istologia, ecologia, fisiologia animale e vegetale, etologia

COMPETENZE PERSONALI

Lingua madre Italiano

Altre lingue	COMPRESIONE		PARLATO		PRODUZIONE SCRITTA
	Ascolto	Lettura	Interazione	Produzione orale	
Spagnolo	C2	C2	C2	C2	C2
Inglese	C1	C1	C1	C1	C1
	First Certificate of English (06/2016)				
Tedesco	A2	A2	A2	A2	A2
	Zertifikat Deutsch (C1) nel 2007				

Livelli: A1/A2: Utente base - B1/B2: Utente intermedio - C1/C2: Utente avanzato
[Quadro Comune Europeo di Riferimento delle Lingue](#)

Competenze organizzative e gestionali In grado di gestire il lavoro autonomamente rispettando le scadenze richieste. Facilità nell'apprendimento, precisione, affidabilità e autonomia operativa.

Competenze professionali Conoscenza base/intermedia dei linguaggi di programmazione Python, R e Bash.

Patente di guida B

ULTERIORI INFORMAZIONI

Pubblicazioni Ravagni, S., Montero-Mendieta, S., Leonard, J.A., Webster, M.T., Christmas, M.J., Bunikis, I., Rodríguez-Teijeiro, J.D., Sanchez-Donoso, I., Vilà, C. (2025). **Large Inversions Shape Diversification and Genome Evolution in Common Quails.** *Molecular Ecology*, 0:e17740. <https://doi.org/10.1111/mec.17740>

Ravagni, S., Sanchez-Donoso, I., Jiménez-Blasco, I., Andrade, P., Puigcerver, M., Chorão Guedes, A. et al. (2023). **Evolutionary history of an island endemic, the Azorean common quail.** *Molecular Ecology*, 2024;33:e16997. <https://doi.org/10.1111/mec.16997>

- Sanchez-Donoso, I., Ravagni, S., Rodríguez-Teijeiro, J. D., Christmas, M. J., Huang, Y., Maldonado-Linares, A., ... Vilà, C. (2022). **Massive genome inversion drives coexistence of divergent morphs in common quails**. *Current Biology*, 32(2), 462-469.e6. <https://doi.org/10.1016/j.cub.2021.11.019>
- Conferenze**
- Ravagni, S., Sanchez-Donoso, I., & Vilà, C. (2021). **Biased assessment of ongoing admixture using STRUCTURE in the absence of reference samples**. *Molecular Ecology Resources*, 21(3), 677–689. <https://doi.org/10.1111/1755-0998.13286>
- Ravagni S. *, Sanchez-Donoso I., Rodriguez-Teijeiro J.D., Christmas M.J., Puigcerver M., Andrade P., Goncalves D., Webster M.T., Leonard J.A., Vilà C. **Large supergene leads to two divergent phenotypes in common quails**. *Virtual Evolution 2021 congress* (21-25 giugno 2021, online)
- Ravagni S. *, Sanchez-Donoso I., Vilà C. **A large chromosomal inversion explains patterns of polymorphism in common quails**. *VII Biennial Congress of the Spanish Society for Evolutionary Biology* (5-7 febbraio 2020, Siviglia, Spagna)
- Ravagni S. *, Sanchez-Donoso I., Vilà C. **Looking for introgression: is STRUCTURE a solution?** *2019 Congress of the European Society for Evolutionary Biology* (19-24 agosto 2019, Turku, Finlandia)
- Ravagni S. *, Sanchez-Donoso I., Vilà C. **¿Podemos realmente estimar el grado de hibridación e introgresión en poblaciones salvajes utilizando datos genéticos?** (Can we reliably estimate the degree of hybridization and introgression in wild populations using genetic data?). *XII Congress of the Spanish Society for Mammal Conservation and Study* (6-9 dicembre 2017, Guadalajara, Spagna)
- Seminari**
- Adaptation genomics in islands: the role of gene flow and structural variants**. Stazione Biologica di Doñana (Siviglia, Spagna). 23 gennaio 2020. https://www.youtube.com/watch?v=_ZjtslyjJ8k&t=4s
- Chromosomal inversion and local adaptation in sympatric quails**. Stazione Biologica di Doñana (Siviglia, Spagna). 15 novembre 2019. <https://www.youtube.com/watch?v=-56rRu-xJCA&t=2s>
- Can we reliably estimate the degree of hybridization and introgression using genetic data?** Stazione Biologica di Doñana (Siviglia, Spagna). 4 dicembre 2018.
- Corsi**
- Advanced course in Phylogenomics & Population Genomics: Inference & Applications**. Universidad de Barcelona (Barcelona, Spagna). 2-12 luglio 2019 (65 ore)
- RNA-Seq data analysis in non-model organisms (Análisis de datos de RNA-Seq en organismos no modelo)**. Stazione Biologica di Doñana (Siviglia, Spagna). 27-29/03/2019 (18 ore)
- Workshop on Genomics**. Organizzato da Broad Institute e Lund University, svoltosi a Cesky Krumlov (Repubblica Ceca). 8-20 gennaio 2018 (90 ore)
- Dati personali**
- Autorizzo il trattamento dei miei dati personali ai sensi del Decreto Legislativo 30 giugno 2003, n. 196 "Codice in materia di protezione dei dati personali".

La sottoscritta dichiara di essere consapevole che il presente *curriculum vitae* sarà pubblicato sul sito istituzionale dell'Ateneo, nella Sezione "Amministrazione trasparente", nelle modalità e per la durata prevista dal d.lgs. n. 33/2013, art. 15.

Data 07/05/2025

f.to

Il presente *curriculum vitae*, è redatto ai fini della pubblicazione nella Sezione "Amministrazione trasparente" del sito web istituzionale dell'Ateneo al fine di garantire il rispetto della vigente normativa in materia di tutela dei dati. Il C.V. in versione integrale è conservato presso gli Uffici della Struttura che ha conferito l'incarico.