

INFORMAZIONI
PERSONALI

Virginia Valentini

ATTIVITÀ DI RICERCA

Analisi multi-omica delle alterazioni molecolari coinvolte nell'insorgenza e nella progressione tumorale, per l'identificazione di sottogruppi molecolari e potenziali biomarcatori diagnostici, prognostici e/o predittivi di risposta a strategie terapeutiche innovative e personalizzate. Analisi di signature genomiche prognostiche e predittive basate sul carico mutazionale tumorale e instabilità dei microsatelliti nel carcinoma mammario maschile.

ESPERIENZA
PROFESSIONALE

Data	Marzo 2020 – Febbraio 2023
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Dipartimento di Medicina Molecolare, "Sapienza" Università di Roma. Viale Regina Elena 324, 00161 Roma
Tipo di attività	Oncologia Molecolare del carcinoma mammario maschile
Posizione ricoperta	Borsista della Fondazione Italiana per la Ricerca sul Cancro (FIRC-AIRC)
Focus della ricerca	" <i>Characterization of Tumor Mutational Burden in Male Breast Cancers</i> ".
Data	Novembre 2019 – Febbraio 2020
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Dipartimento di Medicina Molecolare, "Sapienza" Università di Roma. Viale Regina Elena 324, 00161 Roma
Tipo di attività	Oncologia Molecolare del carcinoma mammario maschile
Posizione ricoperta	Borsista di Studio Senior per attività di ricerca
Focus della ricerca	Analisi del profilo mutazionale nel carcinoma mammario maschile BRCA e non BRCA per l'identificazione di sottotipi molecolari con validità prognostica e predittiva, nell'ambito del progetto " <i>Matched germline and tumor profiling in BRCA and non-BRCA male breast cancer for new molecular biomarker discovery</i> ".
Data	Settembre 2019 – Giugno 2020
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Business Integration Partners Life Sciences in collaborazione con Novartis, Piazza San Babila 5, 20121 Milano
Tipo di attività	Life Sciences, consulenza nel campo farmaceutico e sanitario
Posizione ricoperta	Collaboratore di lavoro autonomo di tipo occasionale
Focus della ricerca	<i>Progetto SimPLE (Simulating Psoriasis Landscape Evolution)</i> : supporto delle Unità Operative di dermatologia del Policlinico Umberto I nella gestione delle risorse nella psoriasi, Via del Policlinico 291, 00161 Roma.
Data	Maggio 2019 – Luglio 2019
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Dipartimento di Medicina Molecolare, "Sapienza" Università di Roma. Viale Regina Elena 324, 00161 Roma
Tipo di attività	Oncologia Molecolare del carcinoma mammario maschile
Posizione ricoperta	Collaboratore di lavoro autonomo di tipo occasionale
Focus della ricerca	Progetto: " <i>Exploring the transcriptional landscape of BRCA-positive and BRCA-negative male breast cancers by RNA-sequencing</i> "
Data	Novembre 2015 – Ottobre 2018
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Dipartimento di Medicina Interna e Specialità Mediche, "Sapienza" Università di Roma. Policlinico Umberto I, Via del Policlinico 155, 00161 Roma

Tipo di attività Oncologia Molecolare dei tumori solidi
 Posizione ricoperta Borsista di Dottorato di Ricerca in Tecnologie Biomediche in Medicina Clinica
 Focus della ricerca Analisi delle basi genetiche dei tumori solidi umani (carcinoma mammario femminile e maschile, melanoma, carcinoma polmonare e del colon-retto).

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

Data Ottobre 2022
Nome dell'istituto Dipartimento di Sanità Pubblica e Malattie Infettive, "Sapienza" Università di Roma
Titolo della qualifica rilasciata Corso di Formazione in Introduzione ai modelli statistici applicati all'analisi dei dati biomedici con R-Studio

Data 26 Febbraio 2019
Nome dell'istituto Dipartimento di Medicina Interna e Specialità Mediche, "Sapienza" Università di Roma.
Titolo della qualifica rilasciata Dottorato di Ricerca in Tecnologie Biomediche in Medicina Clinica, votazione con lode
Titolo Tesi *"Multigene Panel Next Generation Sequencing for Hereditary Breast/Ovarian Cancer And Sporadic Cancer"*

Data Luglio 2015
Titolo della qualifica rilasciata Abilitazione all'esercizio della professione di biologo.
Nome dell'istituto Università degli Studi di Roma Tor Vergata

Data 22 Ottobre 2014
Titolo della qualifica rilasciata Laurea Specialistica in Genetica e Biologia Molecolare nella Ricerca di Base e Biomedica, votazione 110/110 e lode
Nome dell'istituto "Sapienza" Università di Roma
Titolo Tesi *"Il ruolo epigenetico degli acidi grassi polinsaturi nella carcinogenesi: analisi del profilo di metilazione di p21"*

Data 19 Giugno 2012
Titolo della qualifica rilasciata Laurea Triennale in Scienze Biologiche, votazione 98/110
Nome dell'istituto "Sapienza" Università di Roma
Titolo Tesi *"Il DNA antico e la paleopatologia nello studio delle malattie infettive e tumorali"*

Lingua madre Italiano

Altre lingue

	COMPRESIONE		PARLATO		PRODUZIONE SCRITTA
	Ascolto	Letture	Interazione	Produzione orale	
Inglese	B2	B2	B2	B2	B2

Livelli: A1/A2: Utente base - B1/B2: Utente intermedio - C1/C2: Utente avanzato
[Quadro Comune Europeo di Riferimento delle Lingue](#)

Competenze organizzative e gestionali

Ottima propensione al lavoro di gruppo e alle relazioni interpersonali. Esperienza nella stesura di progetti di ricerca e nella gestione amministrativa dei fondi ottenuti e degli ordini in laboratorio.

Competenze tecniche

Ottima conoscenza delle tecniche di biologia molecolare degli acidi nucleici.

In particolare:

- Estrazione e purificazione di acidi nucleici da sangue, tessuti inclusi in paraffina, tessuti congelati, tessuti mummificati, denti, ossa e colture batteriche.
- Reazione polimerasica a catena (PCR).
- Elettroforesi su gel di agarosio.
- Analisi di sequenziamento automatico (Sanger).
- Real-Time PCR (chimica TaqMan e SYBR green).
- High Resolution Melting (HRM).
- Pirosequenziamento.
- Analisi con tecnologie di sequenziamento Next Generation Sequencing (MiniSeq/Illumina; IonTorrent/ThermoFisher); corso di formazione per l'utilizzo del sistema MiniSeq, Roma 30-31 Maggio 2016.
- Analisi biostatistiche e bioinformatiche.

Competenze e competenze informatiche

Ottimo uso del computer e dei software per le piattaforme Mac e Windows: pacchetto Office, Adobe Photoshop, programmi di lettura per sequenze automatiche, programmi di analisi *in silico* di sequenze e proteine, di visualizzazione molecolare. Conoscenza delle pipeline bioinformatiche per analisi di sequenze da piattaforme NGS. Buona conoscenza del software statistico R. Ottima capacità di navigare in internet e di usufruire di database online.

Altre competenze

- Revisore per le seguenti riviste scientifiche internazionali: Scientific Reports, Current Oncology, Cancers.
- Membro del Topical Advisory Panel della rivista scientifica internazionale International Journal of Molecular Sciences.

ULTERIORI INFORMAZIONI**PARTECIPAZIONE A PROGETTI DI RICERCA**

- Ricerca di Ateneo Sapienza Università di Roma 2022: *Integrating germline and somatic genomics of male breast cancer patients with multiple primary malignancies.*
- Ricerca di Ateneo Sapienza Università di Roma 2021: *Exploring somatic mutational landscapes of male breast cancers characterized for germline mutations in DNA repair genes.*
- Ricerca di Ateneo Sapienza Università di Roma 2020: *Analysis of Tumor Mutational Burden in Male Breast Cancers characterized for germline mutations in homologous recombination genes.*
- Lega Italiana per la Lotta contro i Tumori (LILT) - Programma 5 per mille, anno 2019 Investigator Grant: *Germline and somatic characterization of male breast cancer for new molecular biomarker discovery.*
- Ricerca di Ateneo Sapienza Università di Roma 2019: *New players in the Homologous Recombination pathway: investigating the role of SMYD3 in breast cancers characterized for BRCA mutation status.*
- AIRC 2018 - 2023: *Matched germline and tumor profiling in BRCA and non-BRCA male breast cancer for new molecular biomarker discovery.*
- Ricerca di Ateneo Sapienza Università di Roma 2018: *Providing insights into*

the transcriptome profile of BRCA mutation-positive and -negative male breast cancer.

- Ricerca di Ateneo Sapienza Università di Roma 2017: *Exploring the transcriptional landscape of BRCA-positive and BRCA-negative male breast cancers by RNA-sequencing.*
- Ricerca di Ateneo Sapienza Università di Roma 2016: *Genomic screening of BRCA1/2 mutation negative Italian male breast cancers by gene-panel sequencing.*
- AIRC 2015 - 2017: *Integrative "omics" approach to the characterization of BRCA-positive and BRCA-negative male breast cancer.*

PREMI E RESPONSABILITA' SCIENTIFICHE

- ANNO 2022, Programma Fondo Sociale Europeo Plus (FSE+) 2021- 2027 – Vincitrice di un contributo "Contributi premiali per i ricercatori e assegnisti di ricerca per rafforzare la condizione professionale e potenziare il sistema della ricerca del Lazio". Euro 2.000,00.
- ANNO 2021, Joint Runner-Up Best Paper Prize da parte della rivista scientifica internazionale *Aging Cell* per la pubblicazione "*DNA methylation-based biomarkers of aging were slowed down in a two-year diet and physical activity intervention trial: the DAMA study*".
- ANNO 2019, Fondazione Italiana per la Ricerca sul Cancro (FIRC-AIRC). Vincitrice della borsa di ricerca triennale "Carlo Zanotti", con il progetto dal titolo "*Characterization of Tumor Mutational Burden in Male Breast Cancers*".
- ANNO 2015, LA SAPIENZA UNIVERSITA' DI ROMA Vincitrice del bando "Progetti per Avvio alla Ricerca 2015" con il progetto dal titolo "*Molecular profiling of thin melanoma*". Euro 1.500,00.

PARTECIPAZIONE A SOCIETA' SCIENTIFICHE

Membro delle seguenti società scientifiche:

Società Italiana di Cancerologia (SIC)
 European Association for cancer research (EACR)
 American Association for cancer research (AACR)
 Società Italiana di Patologia e Medicina Traslazionale (SIPMET)

PUBBLICAZIONI SU RIVISTE INTERNAZIONALI

1. **Valentini V**, Silvestri V, Bucalo A, Conti G, Karimi M, Di Francesco L, Pomati G, Mezi S, Cerbelli B, Pignataro MG, Nicolussi A, Coppa A, D'Amati G, Giannini G and Ottini L. (2023) *Molecular profiling of male breast cancer by multigene paneltesting: Implications for precision oncology.* *Front. Oncol.* 12:1092201. doi: 10.3389/fonc.2022.1092201. IF: 5.738.
2. **Valentini V**, Silvestri V, Bucalo A, Marraffa F, Riscato M, Grassi S, Pellacani G, Ottini L, Richetta AG. *A Possible Link between Gut Microbiome Composition and Cardiovascular Comorbidities in Psoriatic Patients.* *J Pers Med.* 2022 Jul 9;12(7):1118. doi: 10.3390/jpm12071118. IF: 3.508.
3. Zelli V, Silvestri V, **Valentini V**, Bucalo A, Rizzolo P, Zanna I, Bianchi S, Coppa A, Giannini G, Cortesi L, Calistri D, Tibiletti MG, Fox SB, kConFab, Palli D, Ottini L. *Transcriptome of male breast cancer matched with germline profiling reveals novel molecular subtypes with possible clinical relevance.* *Cancers(Basel).* 2021 Sep 8;13(18):4515. doi: 10.3390/cancers13184515. IF: 6.639.
4. Fiorito G, Caini S, Palli D, Bendinelli B, Saieva C, Ermini I, **Valentini V**, Assedi M, Rizzolo P, Ambrogetti D, Ottini L, Masala G. *DNA methylation-based biomarkers of aging were slowed down in a two-year diet and physical activity intervention trial: the DAMA study.* *Aging Cell.* 2021 Sep 18:e13439. doi: 10.1111/accel.13439. IF: 11.005.
5. Barnes DR, Silvestri V, Leslie G, McGuffog L, Dennis J, Yang X, Adlard J, Agnarsson BA, Ahmed M, Aittomäki K, Andrulis IL, Arason A, Arnold N, Auber B,

- Azzollini J, Balmaña J, Barkardottir RB, Barrowdale D, Barwell J, Belotti M, Benitez J, Berthet P, Boonen SE, Borg A, Bozsik A, Brady A, Brennan P, Brewer C, Brunet J, Bucalo A, Buys SS, Caldés T, Caligo MA, Campbell I, Cassingham H, Lotte Christensen L, Cini G, Claes KBM; GEMO Study Collaborators; EMBRACE Collaborators, Cook J, Coppa A, Cortesi L, Damante G, Darder E, Davidson R, de la Hoya M, De Leeneer K, de Putter R, Del Valle J, Diez O, Chun Ding Y, Domchek SM, Donaldson A, Eason J, Eeles R, Engel C, Gareth Evans D, Feliubadaló L, Fostira F, Frone M, Frost D, Gallagher D, Gehrig A, Giraud S, Glendon G, Godwin AK, Goldgar DE, Greene MH, Gregory H, Gross E, Hahnen E, Hamann U, Hansen TVO, Hanson H, Hentschel J, Horvath J; KConFab Investigators; HEBON Investigators, Izatt L, Izquierdo A, James PA, Janavicius R, BirkJensen U, Johannsson OT, John EM, Kramer G, Kroeldrup L, Kruse TA, Lautrup C, Lazaro C, Lesueur F, Lopez-Fernández A, Mai PL, Manoukian S, Matrai Z, Matricardi L, Maxwell KN, Mebirouk N, Meindl A, Montagna M, Monteiro AN, Morrison PJ, Muranen TA, Murray A, Nathanson KL, Neuhausen SL, Nevanlinna H, Nguyen-Dumont T, Niederacher D, Olah E, Olopade OI, Palli D, Parsons MT, Sokilde Pedersen I, Peissel B, Perez-Segura P, Peterlongo P, Petersen AH, Pinto P, Porteous ME, Pottinger C, Angel Pujana M, Radice P, Ramser J, Rantala J, Robson M, Rogers MT, Rønlund K, Rump A, María Sánchez de Abajo A, Shah PD, Sharif S, Side LE, Singer CF, Stadler Z, Steele L, Stoppa-Lyonnet D, Sutter C, Yen Tan Y, Teixeira MR, Teulé A, Thull DL, Tischkowitz M, Toland AE, Tommasi S, Toss A, Trainer AH, Tripathi V, **Valentini V**, van Asperen CJ, Venturelli M, Viel A, Vijai J, Walker L, Wang-Gohrke S, Wappenschmidt B, Whaite A, Zanna I, Offit K, Thomassen M, Couch FJ, Schmutzler RK, Simard J, Easton DF, Chenevix-Trench G, Antoniou AC, Ottini L; Consortium of Investigators of Modifiers of BRCA1 and BRCA2. *Breast and Prostate Cancer Risks for Male BRCA1 and BRCA2 Pathogenic Variant Carriers Using Polygenic Risk Scores*. J Natl Cancer Inst. 2021 Jul 28; djab147. doi: 10.1093/jnci/djab147. IF: 13.506.
6. **Valentini V**, Silvestri V, Marraffa F, Greco G, Bucalo A, Grassi S, Gagliardi A, Mazzotta A, Ottini L, Richetta AG. *Gut microbiome profile in psoriatic patients treated and untreated with biologic therapy*. J Dermatol. 2021 Jun; 48(6):786-793. doi: 10.1111/1346-8138.15680. IF: 4.005.
7. Sanese P, Fasano C, Buscemi G, Bottino C, Corbetta S, Fabini E, Silvestri V, **Valentini V**, Disciglio V, Forte G, Lepore Signorile M, De Marco K, Bertora S, Grossi V, Guven U, Porta N, Di Maio V, Manoni E, Giannelli G, Bartolini M, Del Rio A, Caretti G, Ottini L, Simone C. *Targeting SMYD3 to Sensitize Homologous Recombination-Proficient Tumors to PARP-Mediated Synthetic Lethality*. iScience. 2020 Oct 7; 23(10):101604. doi: 10.1016/j.isci.2020.101604. IF: 4.447.
8. Bucalo A, Rega F, Zangrilli A, Silvestri V, **Valentini V**, Scafetta G, Marraffa F, Grassi S, Rogante E, Piccolo A, Cucchiara S, Viola F, Bianchi L, Ottini L, Richetta A. *Paradoxical Psoriasis Induced by Anti-TNF α Treatment: Evaluation of Disease-Specific Clinical and Genetic Markers*. Int J Mol Sci. 2020 Oct 23; 21(21):7873. doi: 10.3390/ijms21217873. IF: 4.556.
9. Nicolussi A, Belardinilli F, Silvestri V, Mahdavian Y, **Valentini V**, D'Inzeo S, Petroni M, Zani M, Ferraro S, Di Giulio S, Fabretti F, Fratini B, Gradilone A, Ottini L, Giannini G, Coppa A, Capalbo C. *Identification of novel BRCA1 large genomic rearrangements by a computational algorithm of amplicon-based Next-Generation Sequencing data*. PeerJ. 2019 Nov 15; 7:e7972. doi: 10.7717/peerj.7972. IF: 2.353.
10. **Valentini V**, Zelli V, Gaggiano E, Silvestri V, Rizzolo P, Bucalo A, Calvieri S, Grassi S, Frascione P, Donati P, Soda G, Ottini L, Richetta AG. *MiRNAs as Potential Prognostic Biomarkers for Metastasis in Thin and Thick Primary Cutaneous Melanomas*. Anticancer Res. 2019 Aug; 39(8):4085-4093. doi:

- 10.21873/anticancerres.13566. IF: 1.935.
11. Rizzolo P, Silvestri V, **Valentini V**, Zelli V, Bucalo A, Zanna I, Bianchi S, Tibiletti MG, Russo A, Varesco L, Tedaldi G, Bonanni B, Azzollini J, Manoukian S, Coppa A, Giannini G, Cortesi L, Viel A, Montagna M, Peterlongo P, Radice P, Palli D, Ottini L. *Evaluation of CYP17A1 and CYP1B1 polymorphisms in male breast cancer risk*. *Endocr Connect*. 2019 Aug;8(8):1224-1229. doi: 10.1530/EC-19-0225. IF: 3.041.
12. Nicolussi A, Belardinilli F, Mahdavian Y, Colicchia V, D'Inzeo S, Petroni M, Zani M, Ferraro S, **Valentini V**, Ottini L, Giannini G, Capalbo C, Coppa A. *Next-Generation Sequencing of BRCA1 and BRCA2 genes for rapid detection of germline mutations in Hereditary Breast/Ovarian Cancer*. *PeerJ*. 2019 Apr 22;7:e6661. doi: 10.7717/peerj.6661. IF: 2.353.
13. Capalbo C, Belardinilli F, Raimondo D, Milanetti E, Malapelle U, Pisapia P, Magri V, Prete A, Pecorari S, Colella M, Coppa A, Bonfiglio C, Nicolussi A, **Valentini V**, Tessitore A, Cardinali B, Petroni M, Infante P, Santoni M, Filetti M, Colicchia V, Paci P, MeziS, Longo F, Cortesi E, Marchetti P, Troncone G, Bellavia D, Canettieri G, Giannini G. *A Simplified Genomic Profiling Approach Predicts Outcome in Metastatic Colorectal Cancer*. *Cancers (Basel)*. 2019 Jan 27;11(2). pii: E147. doi: 10.3390/cancers11020147. IF: 6.126.
14. Rizzolo P, Zelli V, Silvestri V, **Valentini V**, Zanna I, Bianchi S, Masala G, Spinelli AM, Tibiletti MG, Russo A, Varesco L, Giannini G, Capalbo C, Calistri D, Cortesi L, Viel A, Bonanni B, Azzollini J, Manoukian S, Montagna M, Peterlongo P, Radice P, Palli D, Ottini L. *Insight into genetic susceptibility to male breast cancer by multigene panel testing: Results from a multicenter study in Italy*. *Int J Cancer*. 2019 Jul 15;145(2):390-400. doi: 10.1002/ijc.32106. IF: 4.982.
15. Rizzolo P, Silvestri V, Bucalo A, Zelli V, **Valentini V**, Catucci I, Zanna I, Masala G, Bianchi S, Spinelli AM, Tommasi S, Tibiletti MG, Russo A, Varesco L, Coppa A, Calistri D, Cortesi L, Viel A, Bonanni B, Azzollini J, Manoukian S, Montagna M, Radice P, Palli D, Peterlongo P, Ottini L. *Contribution of MUTYH Variants to Male Breast Cancer Risk: Results From a Multicenter Study in Italy*. *Front Oncol*. 2018 Dec 4; 8:583. doi: 10.3389/fonc.2018.00583. IF: 4.416.
16. Santi R, Rizzolo P, Pietragalla M, **Valentini V**, Zelli V, Galassi FM, Ottini L, Nesi G. *The antiquity of hydrocephalus: the first full palaeo-neuropathological description*. *Neurol Sci*. 2019 Jun;40(6):1315-1322. doi: 10.1007/s10072-018-3643-4. IF: 2.484.
17. Richetta AG, **Valentini V**, Marraffa F, Paolino G, Rizzolo P, Silvestri V, Zelli V, Carbone A, Di Mattia C, Calvieri S, Frascione P, Donati P, Ottini L. *Metastases risk in thin cutaneous melanoma: prognostic value of clinical-pathologic characteristics and mutation profile*. *Oncotarget*. 2018 Aug 14;9(63):32173-32181. doi: 10.18632/oncotarget.25864.
18. **Valentini V**, Zelli V, Rizzolo P, Silvestri V, Alimandi M, D'Aloia MM, Giustini S, Calvieri S, Richetta AG, Monteleone G, Ottini L. *PIK3CA c.3140A>G mutation in a patient with suspected Proteus Syndrome: a case report*. *Clin Case Rep*. 2018 Jun 2;6(7):1358-1363. doi: 10.1002/ccr3.1546.
19. Ceccarelli V, **Valentini V**, Ronchetti S, Cannarile L, Billi M, Riccardi C, Ottini L, Talesa VN, Grignani F, Vecchini A. *Eicosapentaenoic acid induces DNA demethylation in carcinoma cells through a TET1-dependent mechanism*. *FASEB J*. 2018 May 14:fj201800245R. doi: 10.1096/fj.201800245R. IF: 5.391.
20. Rizzolo P, Silvestri V, **Valentini V**, Zelli V, Zanna I, Masala G, Bianchi S, Palli D and Ottini L. *Gene-specific methylation profiles in BRCA-mutation positive and BRCA-mutation negative male breast cancers*. *Oncotarget*. 2018 Apr 13;9(28):19783-19792. doi: 10.18632/oncotarget.24856.
21. Zanna I, Silvestri V, Palli D, Magrini A, Rizzolo P, Saieva C, Zelli V, Bendinelli

- B, Vezzosi V, **Valentini V**, Bianchi S, Ottini L, Masala G. *Smoking and FGFR2 rs2981582 variant independently modulate male breast cancer survival: A population-based study in Tuscany, Italy*. *Breast*. 2018 Apr 27; 40:85-91. doi: 10.1016/j.breast.2018.04.017. IF: 3.494.
22. Silvestri V, Rizzolo P, Zelli V, **Valentini V**, Zanna I, Bianchi S, Tibiletti MG, Varesco L, Russo A, Tommasi, Coppa A, Capalbo C, Calistri D, Viel A, Cortesi L, Manoukian S, Bonanni B, Montagna M, Palli D, Radice P, Peterlongo P, Ottini L. *A possible role of FANCM mutations in male breast cancer susceptibility: Results from a multicenter study in Italy*. *Breast*. 2018 Apr;38:92-97. doi: 10.1016/j.breast.2017.12.013. IF: 3.494.
23. Lecarpentier J, Silvestri V, Kuchenbaecker KB, Barrowdale D, Dennis J, McGuffog L, Soucy P, Leslie G, Rizzolo P, Navazio AS, **Valentini V**, Zelli V, Lee A, Amin Al Olama A, Tyrer JP, Southey M, John EM, Conner TA, Goldgar DE, Buys SS, Janavicius R, Steele L, Ding YC, Neuhausen SL, Hansen TVO, Osorio A, Weitzel JN, Toss A, Medici V, Cortesi L, Zanna I, Palli D, Radice P, Manoukian S, Peissel B, Azzollini J, Viel A, Cini G, Damante G, Tommasi S, Peterlongo P, Fostira F, Hamann U, Evans DG, Henderson A, Brewer C, Eccles D, Cook J, Ong KR, Walker L, Side LE, Porteous ME, Davidson R, Hodgson S, Frost D, Adlard J, Izatt L, Eeles R, Ellis S, Tischkowitz M; EMBRACE, Godwin AK, Meindl A, Gehrig A, Dworniczak B, Sutter C, Engel C, Niederacher D, Steinemann D, Hahnen E, Hauke J, Rhiem K, Kast K, Arnold N, Ditsch N, Wang-Gohrke S, Wappenschmidt B, Wand D, Lasset C, Stoppa-Lyonnet D, Belotti M, Damiola F, Barjhoux L, Mazoyer S; GEMO Study Collaborators, Van Heetvelde M, Poppe B, DeLeeneer K, Claes KBM, de la Hoya M, Garcia-Barberan V, Caldes T, Perez Segura P, Kiiski JI, Aittomäki K, Khan S, Nevanlinna H, van Asperen CJ; HEBON, Vaszko T, Kasler M, Olah E, Balmaña J, Gutiérrez-Enríquez S, Diez O, Teulé A, Izquierdo A, Darder E, Brunet J, Del Valle J, Feliubadalo L, Pujana MA, Lazaro C, Arason A, Agnarsson BA, Johannsson OT, Barkardottir RB, Alducci E, Tognazzo S, Montagna M, Teixeira MR, Pinto P, Spurdle AB, Holland H; KConFab Investigators, Lee JW, Lee MH, Lee J, Kim SW, Kang E, Kim Z, Sharma P, Rebbeck TR, Vijai J, Robson M, Lincoln A, Musinsky J, Gaddam P, Tan YY, Berger A, Singer CF, Loud JT, Greene MH, Mulligan AM, Glendon G, Andrulis IL, Toland AE, Senter L, Bojesen A, Nielsen HR, Skytte AB, Sunde L, Jensen UB, Pedersen IS, Krogh L, Kruse TA, Caligo MA, Yoon SY, Teo SH, von Wachenfeldt A, Huo D, Nielsen SM, Olopade OI, Nathanson KL, Domchek SM, Lorenchick C, Jankowitz RC, Campbell I, James P, Mitchell G, Orr N, Park SK, Thomassen M, Offit K, Couch FJ, Simard J, Easton DF, Chenevix-Trench G, Schmutzler RK, Antoniou AC, Ottini L. *Prediction of Breast and Prostate Cancer Risks in Male BRCA1 and BRCA2 Mutation Carriers Using Polygenic Risk Scores*. *J Clin Oncol*. 2017 Jul 10;35(20):2240-2250. doi: 10.1200/JCO.2016.69.4935. IF: 26.303.
24. Silvestri V, Zelli V, **Valentini V**, Rizzolo P, Navazio AS, Coppa A, Agata S, Olani C, Barana D, Castrignanò T, Viel A, Russo A, Tibiletti MG, Zanna I, Masala G, Cortesi L, Manoukian S, Barile M, Pensotti V, Peterlongo P, Radice P, Palli D, Giannini G, Chillemi G, Montagna M, and Ottini L. *Whole Exome Sequencing and targeted gene sequencing provide further insights into the role of PALB2 as male breast cancer susceptibility gene*. *Cancer*. 2017 Jan 1;123(2):210-218. doi: 10.1002/cncr.30337. IF: 6.537.
25. Rizzolo P, Navazio AS, Silvestri V, **Valentini V**, Zelli V, Zanna I, Masala G, Bianchi S, Scarnò M, Tommasi S, Palli D, Ottini L. *Somatic alterations of targetable oncogenes are frequently observed in BRCA1/2 mutation negative male breast cancers*. *Oncotarget*. 2016 Nov 8;7(45):74097-74106. doi: 10.18632/oncotarget.12272.
26. Navazio AS, Rizzolo P, Silvestri V, **Valentini V**, Zelli V, Zanna I, Masala G,

Bianchi S, Tommasi S, Palli D, Ottini L. *EMSY copy number variation in male breast cancers characterized for BRCA1 and BRCA2 mutations*. Breast Cancer Res Treat. 2016 Nov;160(1):181-186. doi: 10.1007/s10549-016-3976-8. IF: 3.626.

27. Silvestri V, Rizzolo P, Scarnò M, Chillemi G, Navazio AS, **Valentini V**, Zelli V, Zanna I, Saieva C, Masala G, Bianchi S, Manoukian S, Barile M, Pensotti V, Peterlongo P, Varesco L, Tommasi S, Russo A, Giannini G, Cortesi L, Viel A, Montagna M, Radice P, Palli D, Ottini L. *Novel and known genetic variants for male breast cancer risk at 8q24.21, 9p21.3, 11q13.3 and 14q24.1: Results from a multicenter study in Italy*. Eur J Cancer 2015 Nov;51(16):2289-95. doi: 10.1016/j.ejca.2015.07.020. IF: 6.163.

COMUNICAZIONI A
CONGRESSI

1. Bucalo A, Conti G, **Valentini V**, Bonanni B, Calistri D, Cortesi L, Giannini G, Manoukian S, Manzella L, Montagna M, Peterlongo P, Radice P, Russo A, Tibiletti MG, Turchetti D, Varesco L, Viel A, Zanna I, Silvestri V and Ottini L. *Genetic risk assessment using multi-gene panel testing in male breast cancer: toward gender-specific precision prevention*. 62nd annual Meeting of the Italian Cancer Society- The exciting Path from Preclinical Research to Clinical Application, Venice, November 16-18, 2022.
2. **Valentini V**, Silvestri V, Bucalo A, Conti G, Karimi M, D'Amati G, Coppa A, Giannini G, Ottini L. *Molecular tumor profiling in male breast cancer by targeted gene panel sequencing*. 7th alliance against cancer annual meeting new technologies and strategies to fight cancer Rome - September 21-22-23, 2022.
3. Bucalo A, Silvestri V, Conti G, Valentini V, Karimi M, Zanna I, Tommasi S, Tibiletti MG, Russo A, Varesco L, Coppa A, Calistri D, Cortesi L, Viel A, Bonanni B, Manoukian S, Montagna M, Radice P, Palli D, Peterlongo P, Ottini L. *Investigating genetic susceptibility to male breast cancer by multigene panel testing: an Italian population-based case-control study*. Società Italiana di Genetica Umana (SIGU) 2022, Trieste, (Italy), 7-10 Sept, 2022.
4. **Valentini V**, Silvestri V, Karimi M, Bucalo A, Conti G, Zanna I, Cortesi L, Calistri D, D'Amati G, Ottini L. *Tumor Mutational Burden in Male Breast Cancers characterized for germline mutations in DNA repair genes*. EACR 2022 Congress, Innovative Cancer Science: Translating Biology to Medicine. Seville (Spain), 20-23 June 2022.
5. Bucalo A, Silvestri V, Conti G, **Valentini V**, Karimi M, Zanna I, Tommasi S, Tibiletti MG, Russo A, Varesco L, Coppa A, Calistri D, Cortesi L, Viel A, Bonanni B, Manoukian S, Montagna M, Radice P, Palli D, Peterlongo P, Ottini L. *Investigating genetic susceptibility to male breast cancer by multigene panel testing: an Italian population-based case-control study*. European Society of Human Genetics (ESHG) 2022, Vienna (Austrian), 11-14 June 2022.
6. **Valentini V**, Silvestri V, Bucalo V, Zanna I, Cortesi L, Calistri D, Tibiletti MG, Giannini G, Coppa A, D'Amati G, Ottini L. *Characterization of Tumor Mutational Burden in Male Breast Cancer*. Cancer Research in 2021: SIC Young Researchers take center stage, 27-28 October 2021. Virtual mode.
7. **Valentini V**, Silvestri V, Bucalo A, Marraffa F, Grassi S, Pellacani G, Ottini L, Richetta AG. *A possible link between gut microbiome composition and cardiovascular comorbidities in psoriatic patients*. Molecular pathology: from bench to bedside - SIPMeT Young Scientist Meeting. Perugia, 10-11 December 2021.
8. Silvestri V, **Valentini V**, Bucalo A, Zanna I, Cortesi L, Calistri D, Tibiletti MG, Giannini G, Palli D, Ottini L. *Gender-specific transcriptomic immune profiles in BRCA-associated breast cancers*. Molecular pathology: from bench to bedside - SIPMeT Young Scientist Meeting 2021. Perugia 10-11 December 2021.
9. Silvestri V, Zelli V, **Valentini V**, Bucalo A, Rizzolo P, Zanna I, Cortesi L, Calistri D, Tibiletti MG, Giannini G, Fox SB, Palli D, Ottini L. *Transcriptome-Based Profiles*

of Immune Cell Infiltration in BRCA1/2-Positive and BRCA1/2- Negative Male Breast Cancers. BRCA 2021: A Vision of the Future – The Eighth International Symposium on Hereditary Breast and Ovarian Cancer, virtual edition, 4-7 Maggio 2021.

10. Silvestri V, **Valentini V**, Bucalo A, Scafetta G, Zanna I, Cortesi L, Calistri D, Tibiletti MG, Giannini G, Palli D, Ottini L. *Gender-specific transcriptomic immune profiles in BRCA-associated breast cancers*. 5th alliance against cancer annual meeting: “new technologies and strategies to fight cancer”. virtual mode, October 28-30, 2020.

11. Silvestri V, Zelli V, **Valentini V**, Bucalo A, Rizzolo P, Zanna I, Cortesi L, Calistri D, Tibiletti MG, Giannini G, Fox SB, Palli D, Ottini L. *Transcriptome-based immune cell infiltration profiles of breast cancer in men*. 4th alliance against cancer annual meeting: “new technologies to fight cancer”. Rome, November 20-22, 2019.

12. Bucalo A, Silvestri V, Rizzolo P, **Valentini V**, Zelli V, Zanna I, Tommasi S, Tibiletti MG, Russo A, Varesco L, Coppa A, Calistri D, Cortesi L, Viel A, Bonanni B, Manoukian S, Montagna M, Radice P, Palli D, Peterlongo P, Ottini L. *Evaluation of APC as a Male Breast Cancer risk gene: results from a multicenter study in Italy*. 22 th Congress of Italian Human Genetics Society (SIGU). Rome (Italy) 13-15 Nov. 2019.

13. Silvestri V, **Valentini V**, Zelli V, Bucalo A, Rizzolo P, Chandramouli B, Chillemi G, Simone C, Ottini L. *Detection of an unexpected SMYD3 variant in a male breast cancer family by whole exome sequencing*. 22 th Congress of Italian Human Genetics Society (SIGU). Rome (Italy) 13-15 Nov. 2019.

14. Bucalo A, Silvestri V, Rizzolo P, **Valentini V**, Zelli V, Zanna I, Tommasi S, Tibiletti MG, Russo A, Varesco L, Coppa A, Calistri D, Cortesi D, Viel A, Bonanni B, Manoukian S, Montagna M, Radice P, Palli D, Peterlongo P, Ottini L. *Evaluation of APC as a Male Breast Cancer risk gene: results from a multicenter study in Italy*. 61th Annual Meeting of Italian Cancer Society (SIC). Naples (Italy) 6-8 Nov. 2019.

15. **Valentini V**, Zelli V, Gaggiano E, Silvestri V, Rizzolo R, Bucalo A, Calvieri S, Frascione P, Donati P, Richetta AG and Ottini L. *Mimas as potential predictive biomarkers of metastases in thin and thick primary cutaneous melanomas*. 31° Simposio Pezcoller. Trento, 17-18 giugno, 2019.

16. Rizzolo P, Silvestri V, Bucalo A, Zelli V, **Valentini V**, Spinelli AM, Tommasi S, Tibiletti MG, Russo A, Varesco L, Giannini G, Calistri D, Cortesi L, Viel A, Montagna M, Radice P, Palli D, Peterlongo P, Ottini L. *Contribution of MUTYH variants to male breast cancer risk: results from a multicenter study in Italy*. European Society of Human Genetics (ESHG) 2018, Milan (Italy), 16-19 June, 2018.

17. Coppa A, **Valentini V**, Nicolussi A, Capalbo C, Belardinilli F, Colicchia V, Petroni M, D'Inzeo S, Ottini L, Giannini G. *Molecular analysis of BRCA-negative breast and/or ovarian cancer families by multigene panel testing*. 25th Biennial Congress of the European Association for Cancer Research (EACR). Amsterdam (Netherlands), 30 giugno-3 luglio 2018.

18. Coppa A, Nicolussi A, **Valentini V**, Capalbo C, Belardinilli F, Colicchia V, D'inzeo S, Ottini L, Giannini G. *Identification of riskrelevant mutations by multigene panel testing in selected hereditary breast and/or ovarian cancer families*. 8th ESO-CNIO Conference on Familial Cancer. Madrid (Spain), 17-18 maggio 2018.

19. Rizzolo P, Zelli V, Silvestri V, **Valentini V**, Spinelli A, Tibiletti MG, Russo A, Varesco L, Giannini G, Calistri D, Cortesi L, Viel A, Montagna M, Peterlongo P, Radice P, Palli D, Ottini L. *Insight into genetic susceptibility of BRCA-negative Male Breast Cancer by multigene panel testing: Results from a Multicenter Study in Italy*. AACR Annual Meeting. Chicago (Illinois), 14-18 aprile 2018.

20. Belardinilli F, Capalbo C, Pisapia P, Malapelle U, Raimondo D, Colella M,

- Petroni M, Colicchia V, Nicolussi A, **Valentini V**, Magri V, Verkhovskaia S, Mezi S, Longo F, Prete A, Cortesi E, Troncone G, Coppa A, Giannini G. *Gene panel mutation screening for a better molecular stratification of colorectal cancer patients*. XX Congresso Nazionale SIGU, Napoli (Italy), 15-18 novembre 2017.
21. Silvestri V, Rizzolo P, Zelli V, **Valentini V**, Navazio AS, Tibiletti MG, Varesco L, Russo A, Tommasi S, Giannini G, Calistri D, Viel A, Cortesi L, Montagna M, Palli D, Radice P, Peterlongo P, Ottini L. *FANCM germline mutations in BRCA1/2-negative male breast cancer cases from Italy*. 50th Annual Meeting of the European Society of Human Genetics, Copenhagen (Denmark) 27-30 maggio 2017.
22. Silvestri V, Rizzolo P, Navazio AS, **Valentini V**, Zelli V, Tibiletti MG, Varesco L, Russo A, Tommasi S, Giannini G, Calistri D, Viel A, Cortesi L, Montagna M, Palli D, Radice P, Peterlongo P, Ottini L. *FANCM c.5791C>T mutation in Italian BRCA1/2 mutation negative male breast cancer cases*. 66th Annual Meeting of the American Society of Human Genetics (ASHG), Vancouver (Canada) 18-22 ottobre 2016.
23. **Valentini V**, Silvestri V, Zelli V, Rizzolo P, Navazio AS, Tommasi S, Tibiletti MG, Varesco L, Russo A, Giannini G, Viel A, Montagna M, Cortesi L, Peterlongo P, Radice P, Palli D, Ottini L. *Evaluation of NAT1 c.97 C>T as male and female breast cancer risk variant: a case-control study in Italy*. Società Italiana di Cancerologia, Verona (Italy), 5-8 settembre 2016.
24. Rizzolo P, Silvestri V, Licursi V, Navazio AS, **Valentini V**, Zelli V, Bianchi S, Palli D, Fox S, Ottini L. *Methylome profiling of BRCA positive and BRCA-negative MBCs*. 24th Biennial Congress of the European Association for Cancer Research, Manchester (UK), 9-12 luglio 2016.
25. Navazio AS, Rizzolo P, Zelli V, Silvestri V, **Valentini V**, Santi R, Nesi G, Ottini L. *CD44 mRNA expression in hormonally treated and non-treated prostate cancer cases*. 24th Biennial Congress of the European Association for Cancer Research, Manchester (UK), 9-12 luglio 2016.
26. Silvestri V, Zelli V, **Valentini V**, Rizzolo P, Navazio AS, Chillemi G, Viel A, Russo A, Tibiletti MG, Palli D, Cortesi L, Giannini G, Radice P, Montagna M, Ottini L. *Whole exome sequencing revealed a novel PALB2 mutation in a male breast cancer family*. Meeting Hereditary Breast & Ovarian Cancers, Montreal (CA), 10-13 maggio 2016.
27. Rizzolo P, Silvestri V, Navazio AS, **Valentini V**, Zelli V, Falchetti M, Zanna I, Bianchi S, Palli D and Ottini L. *Gene-specific methylation profiles in male breast cancer*. American Association for Cancer Research (AACR) Annual Meeting, Philadelphia, 18-22 aprile 2015.
28. Silvestri V, Rizzolo P, Navazio AS, **Valentini V**, Zelli V, Agata S, Chillemi G, Montagna M, Ottini L. *Whole Exome Sequencing revealed a novel PALB2 mutation in a male breast cancer family*. 3rd Italy-USA Meeting Hereditary Breast & Ovarian Cancers. Bari, 25-27 marzo 2015.
29. Rizzolo P, Zelli V, Silvestri V, Navazio AS, **Valentini V**, Falchetti M, Santi R, Nesi G, Ottini L. *Gene-specific methylation profiles in hormonally treated and untreated prostate cancer cases*. Società Italiana di Cancerologia, Ferrara, 11-13 settembre 2014.
30. Silvestri V, Rizzolo P, Navazio AS, **Valentini V**, Zelli V, Chillemi G, Montagna M, Ottini L. *Whole Exome Sequencing revealed a novel PALB2 mutation in a male breast cancer family*. Società Italiana di Cancerologia, Ferrara, 11-13 settembre 2014.
31. Rizzolo P, Silvestri V, Navazio AS, **Valentini V**, Zelli V, Falchetti M, Zanna I, Bianchi S, Palli D and Ottini L. *Gene-specific methylation profiles in male breast cancer*. 23rd Biennial Congress of the European Association for Cancer Research,

Monaco, 5-8 luglio 2014.

32. Rizzolo P, Zelli V, Silvestri V, Navazio AS, **Valentini V**, Falchetti M, Santi R, Nesi G, Ottini L. *Gene-specific methylation profiles in hormonally treated and untreated prostate cancer cases*. 26h Pezcoller Symposium, Trento (Italy), 19-21 giugno 2014.

33. Rizzolo P, Silvestri V, Navazio AS, **Valentini V**, Zelli V, Falchetti M, Zanna I, Bianchi S, Palli D and Ottini L. *Gene-specific methylation profiles in male breast cancer*. 26h Pezcoller Symposium, Trento (Italy), 19-21 giugno 2014.

34. Rizzolo P, Navazio AS, Silvestri V, Graziano V, **Valentini V**, Zelli V, Falchetti M, Saieva C, Zanna I, Masala G, Bianchi S, Tommasi S, Palli D and Ottini L. *Gene-specific methylation profiles in male breast cancer*. Società Italiana di Cancerologia, Catanzaro (Italy), 23-26 settembre 2013.

Dati personali Autorizzo il trattamento dei miei dati personali ai sensi del Decreto Legislativo 30 giugno 2003, n. 196 "Codice in materia di protezione dei dati personali".

La sottoscritta dichiara di essere consapevole che il presente *curriculum vitae* sarà pubblicato sul sito istituzionale dell'Ateneo, nella Sezione "Amministrazione trasparente", nelle modalità e per la durata prevista dal d.lgs. n. 33/2013, art. 15.

Data

24/01/2023

f.to

VIRGINIA VALENTINI