

INFORMAZIONI PERSONALI

Tommaso Mazza

POSIZIONE RICOPERTA Bioinformatics unit head at IRCCS Casa Sollievo della Sofferenza, Italy.

ESPERIENZA
PROFESSIONALE

2022-2023	Docente del "Corso di Alta Formazione in Bioinformatica" (Genomics module) Università Sapienza, Roma
2019-2020	Professore a contratto del corso "Computational Systems Biology" Università di Torvergata, Roma
2015-2016	Professore a contratto del corso "Biomedical informatics" Università RomaTre, Roma
2010-2011	Tutor per il corso "Systems Biology" (mod I e II) Università di Trento, Trento
2010-2011	Post-Doc researcher Laboratory of Translational Genomics at CIBIO (Trento)
2009	Tutor per il corso "Algorithms and data structures" Università di Trento, Trento
2008-2010	Post-Doc researcher University of Trento – Microsoft Research Centre for Computational and Systems Biology

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

2004-2008	Ph.D. in Computer Science and Biomedical Engineering University "Magna Græcia" of Catanzaro
1997-2003	Master Degree in Computer Science Engineering University of Calabria (UNICAL), Rende

COMPETENZE PERSONALI

Lingua madre Italiano

Altre lingue

Inglese

COMPRESIONE		PARLATO		PRODUZIONE SCRITTA
C1	C1	C1	C1	C1
Avanzato	Avanzato	Avanzato	Avanzato	Avanzato
Thames Valley Cultural Centre, Sevenoaks (London) - grade 1 (Excellent)				

Livelli: A1/A2: Utente base - B1/B2: Utente intermedio - C1/C2: Utente avanzato
[Quadro Comune Europeo di Riferimento delle Lingue](#)

Competenze digitali

AUTOVALUTAZIONE				
Elaborazione delle informazioni	Comunicazione	Creazione di Contenuti	Sicurezza	Risoluzione di problemi
Utente avanzato	Utente avanzato	Utente avanzato	Utente avanzato	Utente avanzato

Livelli: Utente base - Utente intermedio - Utente avanzato
[Competenze digitali - Scheda per l'autovalutazione](#)

ULTERIORI INFORMAZIONI

Pubblicazioni
Progetti

Pubblicazioni disponibili al link: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/myncbi/tommaso.mazza.2/bibliography/public/>
MitImpact is a collection of pre-computed pathogenicity predictions for all nucleotide changes that cause non-synonymous substitutions in human mitochondrial protein coding genes. MitImpact is

Progetti

available at: <http://mitimpact.css-mendel.it/>

Pyntacle is a Python package and a command-line tool that eases the analysis of graphs. Its main goal is the search for important components of graphs and the way it does it is based on topological indices which are tailored on the concepts of reachability, fragmentation and centrality. It implements and provides ancillary methods for community finding, set operations between graphs and quick data type conversion tools. Pyntacle relies on multi-core/process programming paradigms to speedup the execution of complex analysis routines. In the current release, Pyntacle enables GPU-computing experimentally via APIs. <https://pyntacle.css-mendel.it/>

Dati personali

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali ai sensi del Decreto Legislativo 30 giugno 2003, n. 196 "Codice in materia di protezione dei dati personali".

Il sottoscritto dichiara di essere consapevole che il presente *curriculum vitae* sarà pubblicato sul sito istituzionale dell'Ateneo, nella Sezione "Amministrazione trasparente", nelle modalità e per la durata prevista dal d.lgs. n. 33/2013, art. 15.

Data
21/03/2024

f.to